แหนมเป็นผลิตภัณฑ์เนื้อสัตว์ที่ได้จากการหมักโดยอาศัยเชื้อแบคทีเรียจากธรรมชาติ ซึ่งอย่ ในกลุ่มของแบคทีเรียที่ผลิตกรคแลกติก หรือ lactic acid bacteria ที่พบในการหมักตั้งแต่เริ่มต้นจน ถึงแม้ในปัจจุบันจะมีการผลิตแหนมโดยการเติมเชื้อจุลินทรีย์แต่ก็ยังมีผู้ผลิต สิ้นสดกระบวนการ และผู้บริโภคหลายกลุ่มที่นิยมแหนมที่ผลิตแบบคั้งเดิม งานวิจัยนี้ได้นำเทคนิคดีจีจีอีมาใช้ในการ ติดตามการเปลี่ยนแปลงของแบกทีเรียกรดแลกติกระหว่างการหมักแหนม โดยการสกัดดีเอ็นเอของ แบคทีเรียจากตัวอย่างแหนม เติมเอนไซม์ Lysozyme บ่มที่อุณหภูมิ 37 °C เป็นเวลา 30 นาที และ ProteinaseK บุ่มที่ 65 °C และ 60 นาที จากนั้นเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอโดยใช้ไพรเมอร์ที่จำเพาะต่อ แบคทีเรียกรคแลกติก ด้วยเทคนิค Polymerase chain reaction เพื่อเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอ เมื่อนำมา วิเคราะห์ด้วยเทคนิคคีจีจีจีพบแบคทีเรียกรคแลกติก 4 สายพันธุ์ได้แก่ Lactobacillus plantarum, Lactobacillus sakei, Lactobacillus cuvatus และ Pediococcus pentosaceus ตั้งแต่วันที่เริ่มผลิตและ ตลอดระยะเวลาการหมัก รวมไปถึงช่วงเวลาในการบริโภคในวันที่ 14 และจะมีปริมาณลดลง เมื่อ ้เก็บไว้เป็นเวลานานถึง 30 วัน โดยสายพันธุ์หลักที่พบได้ตั้งแต่ในเนื้อหมู และพบตลอดระยะเวลา การหมัก ได้แก่ L. plantarum, L. sakei และ L. cuvatus ส่วน P.pentosaceus ตรวจพบหลังเกิดการ หมัก 1 วัน ดังนั้นกล่าวได้ว่าเทคนิคดีจีจีอีมีประโยชน์ในการศึกษาการเปลี่ยนแปลงของประชากร แบคทีเรียกรดแลกติกที่พบในการหมักแหนม และสามารถนำมาใช้ในการปรับปรุงและพัฒนา คุณภาพแหนมที่ผลิตตามกรรมวิธีดั้งเดิมต่อไป

## 209780

Nham is a fermented pork product by natural lactic acid bacteria (LAB) which are present from the beginning to the end of fermentation. Although, addition of bacteria in the production comes into practice, many producers and consumers are still in favor of the traditional process. In this research, DGGE protocol was used to monitor the changes in lactic acid bacteria profile during fermentation of Nham. Total bacterial DNA was extracted directly from the samples. Lysozyme was added and incubated at 37°C for 30 minutes followed with protenase K then incubated at 65°C for 60 minutes. DNA template was then amplified using conventional PCR amplification. The obtained amplicons were analyzed by DGGE. Four predominant lactic acid bacteria i.e. Lactobacillus plantarum, L. sakei, L.curvatus and Pediococcus pentosaceus were detected from the first day of fermentation to the consumption period on the fourteenth day then the number decreased when kept for thirty days. The 3 predominant species L. plantarum, L. sakei and L. cuvatus found in pork and through the fermentation process. P.pentosaceus was detected after the first day of fermentation. DGGE protocol is therefore useful for studying the changes of LAB population of Nham and could be used in the improvement and quality development of traditional Nham production.