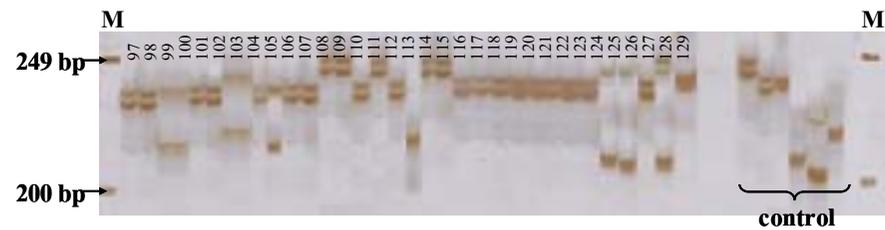
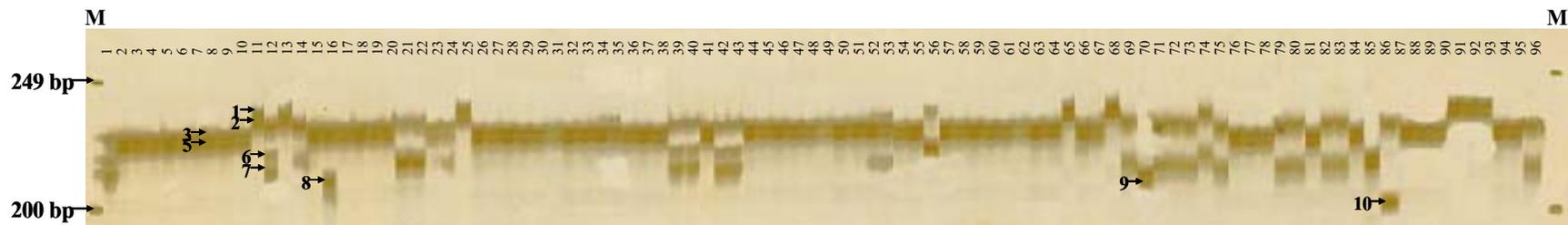
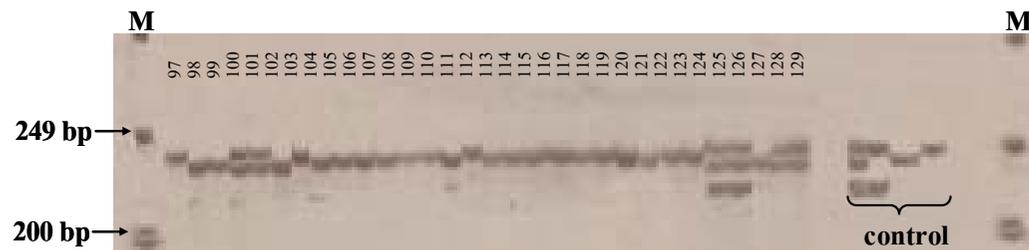
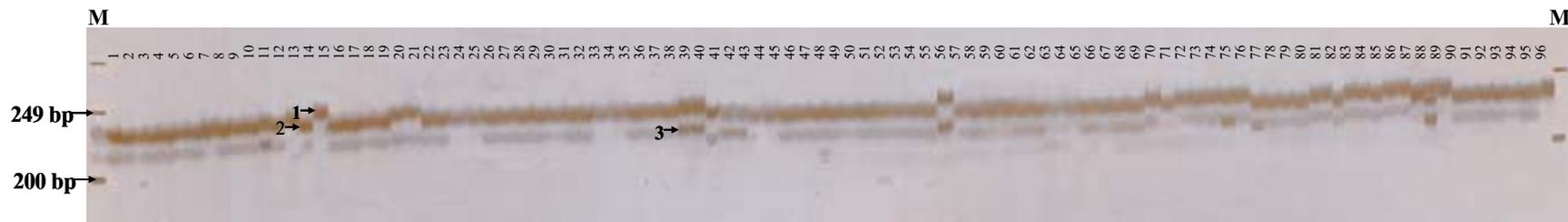


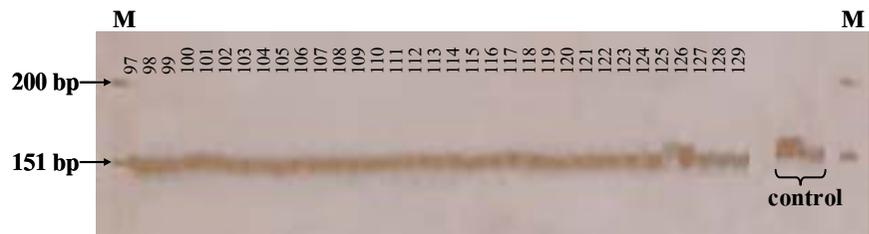
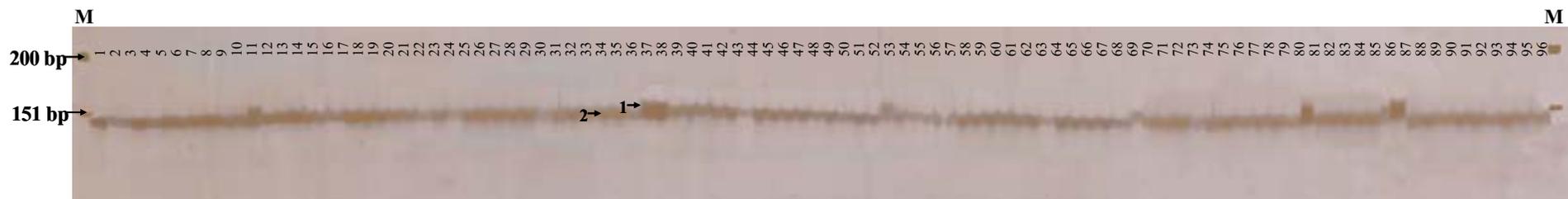
**ภาพที่ 2** แสดงแอลลีลที่ได้จากการสังเคราะห์ด้วยไพรเมอร์ CI-1 กำหนดให้ M คือ ดีเอ็นเอมาตรฐาน  $\phi$  X-174 ตัวเลข 1-129 คือ ตัวอย่างของขมิ้นชันจำนวน 129 ตัวอย่าง และบริเวณลูกศรชี้ คือ แอลลีลที่แตกต่างกันจำนวน 5 แอลลีล



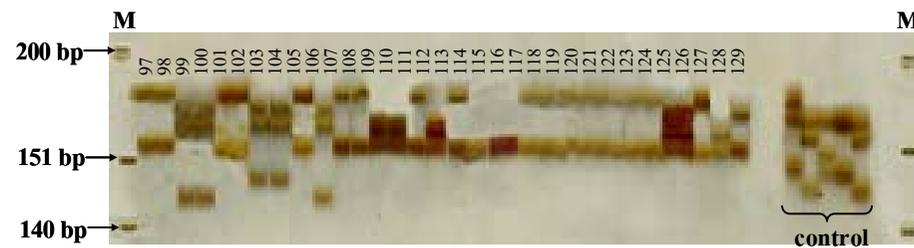
**ภาพที่ 3** แสดงแอลลีลที่ได้จากการสังเคราะห์ด้วยไพรมอร์ CI-38 กำหนดให้ M คือ ดีเอ็นเอมาตรฐาน  $\phi$  X-174 ตัวเลข 1-129 คือ ตัวอย่างของงมึนชั้น จำนวน 129 ตัวอย่าง และบริเวณลูกศรชี้ คือ แอลลีลที่แตกต่างกันจำนวน 10 แอลลีล



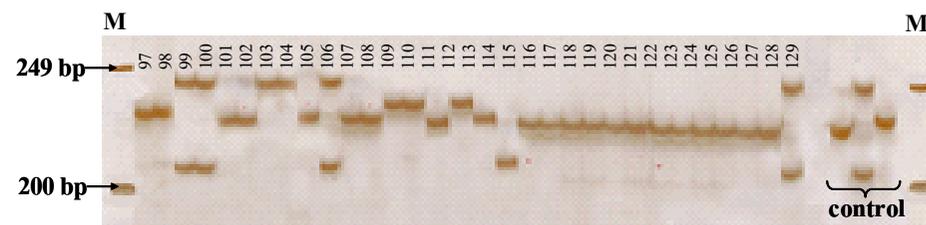
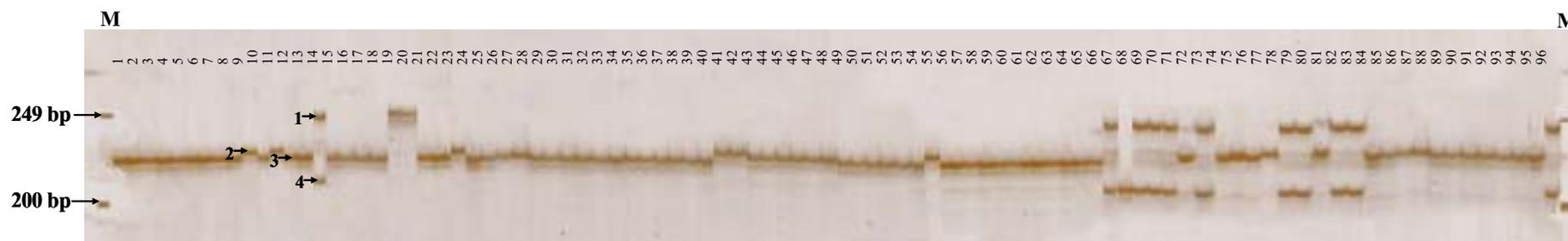
**ภาพที่ 4** แสดงแอลลีลที่ได้จากการสังเคราะห์ด้วยไพโรเมอร์ CI-54 กำหนดให้ M คือ ดีเอ็นเอมาตรฐาน  $\phi$  X-174 ตัวเลข 1-129 คือ ตัวอย่างของขม้นชั้น จำนวน 129 ตัวอย่าง และบริเวณลูกศรชี้ คือ แอลลีลที่ต่างกันจำนวน 3 แอลลีล



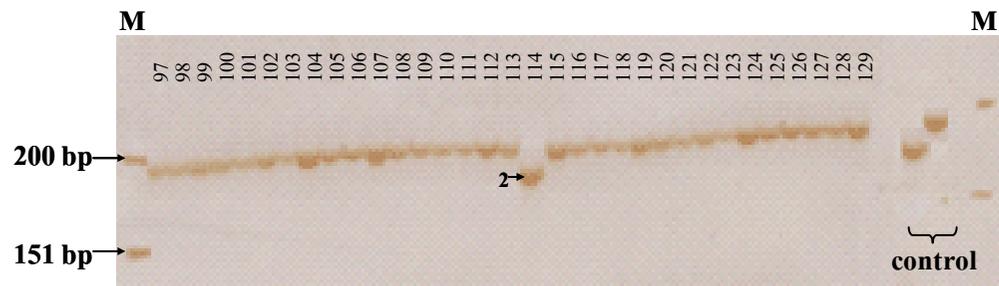
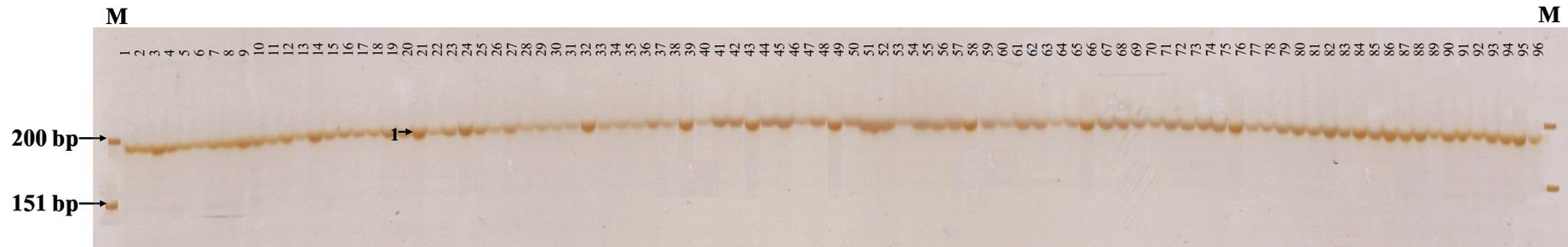
**ภาพที่ 5** แสดงแอลลีลที่ได้จากการสังเคราะห์ด้วยไพรเมอร์ CI-58 กำหนดให้ M คือ ดีเอ็นเอมาตรฐาน  $\phi$  X-174 ตัวเลข 1-129 คือ ตัวอย่างของงมึนชั้น จำนวน 129 ตัวอย่าง และบริเวณลูกศรชี้ คือ แอลลีลที่แตกต่างกันจำนวน 2 แอลลีล



**ภาพที่ 6** แสดงแอสลิลที่ได้จากการสังเคราะห์ด้วยไพรมอร์ Zc-23 กำหนดให้ M คือ ดีเอ็นเอมาตรฐาน  $\phi$  X-174 ตัวเลข 1-129 คือ ตัวอย่างของขมิ้นชัน จำนวน 129 ตัวอย่าง และบริเวณลูกศรชี้ คือ แอสลิลที่ต่างกันจำนวน 6 แอสลิล



**ภาพที่ 7** แสดงแอลลีลที่ได้จากการสังเคราะห์ด้วยไพรมอร์ Zc-75 กำหนดให้ M คือ ดีเอ็นเอมาตรฐาน  $\phi$  X-174 ตัวเลข 1-129 คือ ตัวอย่างของขมิ้นชัน จำนวน 129 ตัวอย่าง และบริเวณลูกศรชี้ คือ แอลลีลที่แตกต่างกันจำนวน 4 แอลลีล



**ภาพที่ 8** แสดงแอลลีลที่ได้จากการสังเคราะห์ด้วยไพรเมอร์ Zc-85 กำหนดให้ M คือ ดีเอ็นเอมาตรฐาน  $\phi$  X-174 ตัวเลข 1-129 คือ ตัวอย่างของขม้นชั้น จำนวน 129 ตัวอย่าง และบริเวณลูกศรชี้ คือ แอลลีลที่แตกต่างกันจำนวน 2 แอลลีล