

### 2.3 การศึกษาสัณฐานวิทยาของเชื้อราและยีสต์

เพาะเลี้ยงเชื้อราสายพันธุ์ *Trichoderma reesei* RT-P1 บริสุทธิ์ บนอาหาร PDA นำไปบ่มที่ 37 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 5 วัน และเพาะเลี้ยงยีสต์สายพันธุ์ *Saccharomyces cerevisiae* RT-P2 บริสุทธิ์บนอาหาร YMA นำไปบ่มที่ 37 องศาเซลเซียส นาน 5 วัน ดังรูปที่ 1 จากนั้นศึกษาขนาด รูปร่าง ลักษณะเซลล์ของจุลินทรีย์ ทั้งสองชนิดภายใต้กล้องจุลทรรศน์แบบเลนส์ประกอบ [2] เพื่อจำแนกสายพันธุ์ของเชื้อรา โดยการนำไปสับคั้นเพื่อจำแนกสายพันธุ์ จากเว็บไซต์ <http://nt.ars-grin.gov> และจำแนกสายพันธุ์ของยีสต์ โดยวิธีการตรวจ 26S rRNA



ก)



ข)

รูปที่ 1 ก) *Trichoderma reesei* RT-P1 บนอาหาร PDA

ข) *Saccharomyces cerevisiae* RT-P2 บนอาหาร YMA

### 2.4 การศึกษาสัณฐานวิทยาของเชื้อผสมระหว่าง

*Trichoderma reesei* RT-P1 และ *Saccharomyces cerevisiae* RT-P2

เพาะเลี้ยงเชื้อผสมโดยการขีดเชื้อยีสต์สายพันธุ์ *Saccharomyces cerevisiae* RT-P2 ทั่วจานเพาะเชื้อ และถ่ายเชื้อราสายพันธุ์ *Trichoderma reesei* RT-P1 ลงกลางจานเพาะเชื้อ 1 ห่วงเชื้อเชื้อ ให้เจริญร่วมกันบนอาหาร PDA (TY-P) นำไปบ่มที่ 37 องศาเซลเซียส นาน 5 วัน สังเกตการเจริญของเชื้อผสมบนอาหาร PDA จากนั้นถ่ายเชื้อผสมที่ได้ลงในอาหาร LM-pH5 ที่ผสมกากมันสำปะหลัง (TY-FS) ทำการศึกษาสัณฐานวิทยาของเชื้อผสมที่เจริญในอาหารทั้งสองชนิดภายใต้กล้องจุลทรรศน์เลนส์ประกอบยี่ห้อ Olympus รุ่น CH30 และกล้องจุลทรรศน์อิเล็กตรอนแบบส่องผ่าน (Transmission Electron Microscope) ยี่ห้อ JEOL รุ่น JEM - 1230 80 kv.

### 3. ผลการทดลองและวิจารณ์ผล

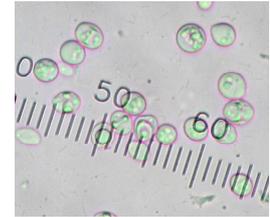
#### 3.1 สัณฐานวิทยาของเชื้อราและยีสต์

โครงสร้างของรา *Trichoderma reesei* RT-P1 มีขนาดโคนิดิโอสปอร์กว้าง 3.6 - 4.1  $\mu\text{m}$  ยาว 4.6 - 5.0  $\mu\text{m}$  ขนาดของก้านชูสปอร์กว้าง 2.7 - 3.5  $\mu\text{m}$  ยาว 5.1 - 6.8  $\mu\text{m}$  และลักษณะของสปอร์เป็นรูปวงรี ขนาดสปอร์กว้าง 2.7 - 3.2  $\mu\text{m}$  ยาว 3.5 - 4.1  $\mu\text{m}$  ส่วน *Saccharomyces cerevisiae* RT-P2 มีขนาดความกว้างและความยาวของเซลล์โดยเฉลี่ยในช่วง 4.5 - 5.4 และ 6.8 - 8.5  $\mu\text{m}$  ตามลำดับ ดังรูปที่ 2 เมื่อนำ *Saccharomyces cerevisiae* RT-P2 มาวิเคราะห์ลำดับนิวคลีโอไทด์ด้วยวิธี 26S rRNA พบว่า ลำดับนิวคลีโอไทด์ของ *Saccharomyces cerevisiae* RT-P2 ตรงกับลำดับ

นิวคลีโอไทด์อ้างอิงของ *Saccharomyces cerevisiae* จากฐานข้อมูล GenBank 100 เปอร์เซนต์



ก)



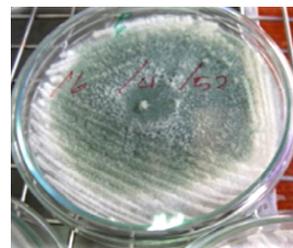
ข)

รูปที่ 2 ก) สัณฐานวิทยาของ *Trichoderma reesei* RT-P1

ข) สัณฐานวิทยาของ *Saccharomyces cerevisiae* RT-P2 ภายใต้กล้องจุลทรรศน์เลนส์ประกอบกำลังขยาย 400 เท่า

### 3.2 สัณฐานวิทยาของเชื้อผสมระหว่าง *Trichoderma reesei* RT-P1 และ *Saccharomyces cerevisiae* RT-P2

จากการเพาะเลี้ยงเชื้อผสมบนอาหาร PDA พบว่า เส้นใยเชื้อรา *Trichoderma reesei* RT-P1 มีการเจริญจากกึ่งกลางแผ่กระจายไปรอบจานเพาะเชื้อ บริเวณรอบจุดกึ่งกลางพบสปอร์สีเขียว ส่วนโคนิดิโอของ *Saccharomyces cerevisiae* RT-P2 มีสีขาวสามารถเจริญตามรอยขีดทั่วจานเพาะเชื้อ หลังบ่มเลี้ยงเชื้อครบ 5 วัน พบว่าเส้นใยของเชื้อราจะเจริญปกคลุมทับโคนิดิโอของยีสต์ ส่วนการเจริญของเชื้อผสมบนอาหาร LM-pH5 ที่ผสมกากมันสำปะหลัง พบว่า เชื้อผสมสามารถเจริญได้ทั่วอาหาร แต่พบการสร้างเส้นใยน้อยกว่าในอาหาร PDA แสดงผลดังรูปที่ 3



ก)



ข)

รูปที่ 3 ก) การเจริญของ *Trichoderma reesei* RT-P1 และ

*Saccharomyces cerevisiae* RT-P2

บนอาหาร PDA นาน 5 วัน

ข) การเจริญของ *Trichoderma reesei* RT-P1 และ

*Saccharomyces cerevisiae* RT-P2

บนอาหาร LM pH-5 ผสมกากมันสำปะหลัง นาน 5 วัน

ลักษณะสัณฐานวิทยาของเชื้อผสมที่เพาะเลี้ยงบนอาหาร PDA (TY-P) และอาหาร LM pH-5 ที่ผสมกากมันสำปะหลัง (TY-FS) ภายใต้กล้องจุลทรรศน์เลนส์ประกอบ กำลังขยาย 400 เท่า แสดงผลดังตารางที่ 1 และรูปที่ 4