

## บทนำ

### 1. ความสำคัญและที่มาของปัญหาที่ทำการวิจัย

ปัจจุบันจุลินทรีย์ได้เข้ามามีบทบาทสำคัญต่อมนุษย์เพิ่มมากยิ่งขึ้นโดยพบว่าจุลินทรีย์หลากหลายชนิดสามารถถูกนำไปใช้ประโยชน์ในอุตสาหกรรมต่าง ๆ ได้ อาทิ เช่น อุตสาหกรรมเกษตร อาหาร และอุตสาหกรรมเภสัชกรรม เนื่องจากจุลินทรีย์หลาย ๆ ชนิดมีศักยภาพที่จะนำไปใช้เป็นแหล่งผลิตสารชีวภาพ ที่มีคุณสมบัติที่ดี เช่น สารออกฤทธิ์ต้านมะเร็ง สารกำจัดแมลง สารต้านจุลชีพและสารปฏิชีวนะ ได้แก่ รา *Penicillium chrysogenum* ผลิตยา Penicillin รา *Aspergillus terreus* ผลิตสาร Lovastatin มีฤทธิ์ในการลดระดับ cholesterol ในเส้นเลือด [1] [2]

ในสภาวะปัจจุบัน พบว่ามีจุลินทรีย์ก่อโรคหลายชนิดมีวิวัฒนาการคือต่อยาปฏิชีวนะ (antibiotics resistant) ที่มีอัตราเพิ่มขึ้นอย่างรวดเร็ว ทำให้ยาปฏิชีวนะบางชนิดไม่สามารถรักษาโรคให้หายขาดได้และนอกจากนั้นยังพบว่ามีจุลินทรีย์ ก่อโรคชนิดใหม่ ๆ เกิดขึ้นตลอดเวลา เช่น ไข้หวัดนก ซาร์ส โรคเอดส์ ฯ ซึ่งเป็นปัญหาสำคัญทางการแพทย์ในปัจจุบัน ดังนั้นนักวิทยาศาสตร์จากหลาย ๆ ประเทศ มีความพยายามที่จะคิดค้นหาตัวยาใหม่ ๆ ที่มีประสิทธิภาพดีขึ้น เพื่อใช้ทดแทนด้วยยาเดิม เช่น การหาสารสกัดออกฤทธิ์จากพืชสมุนไพร หรือจุลินทรีย์ต่าง ๆ ที่มีประสิทธิภาพในการยับยั้งจุลชีพก่อโรค และสารที่ได้ต้องมีความปลอดภัยต่อการบริโภค ซึ่งกระบวนการทั้งหมดต้องใช้ระยะเวลาอันและการลงทุน มหาศาลจึงจะได้ยาใหม่ ที่มีประสิทธิภาพในการรักษา [2]

ในช่วงระยะเวลาที่ผ่านมา การพัฒนาเทคโนโลยีด้านพันธุวิศวกรรมมีความก้าวหน้าอย่างมาก และมีเทคนิคที่ช่วยเพิ่ม โอกาสในการค้นหาตัวยาใหม่ ซึ่งทำได้เร็วและลงทุนน้อยลงที่เรียกว่า Combinatorial biosynthesis [3] [4] นอกจากนี้ยังสามารถใช้เทคโนโลยีทางพันธุวิศวกรรมในการดัดแปลงพันธุกรรมของสิ่งมีชีวิต ทำให้สามารถควบคุมจุลินทรีย์ผลิตสาร metabolite ที่มีความหลากหลายและ กำหนดคุณสมบัติตามที่ต้องการได้ หรือสังเคราะห์สารที่มีโมเลกุลใหญ่ และมีโครงสร้างที่ซับซ้อนได้อย่างไม่จำกัด ซึ่งเทคนิคที่กล่าวมาเป็นการดัดแปลงพันธุกรรมแบบสุ่ม โดยนักวิทยาศาสตร์ ต้องทำการตัดต่อพันธุกรรม ของสิ่งมีชีวิตที่มีความน่าจะเป็นในทุก ๆ กรณี ถ้าหากว่าไม่เข้าใจวิธีการสังเคราะห์ของสารที่ต้องการนั้น จะทำให้ระยะเวลาที่นาน แต่หากมีความรู้และเข้าใจถึงวิธีการสังเคราะห์ของสารที่ต้องการได้ ก็จะสามารถทำนาย ออกแบบและควบคุมการสังเคราะห์สารให้มีโครงสร้างตามที่ต้องการได้

ราในกลุ่ม *Xylaria* เป็นราที่สามารถผลิตสารที่ออกฤทธิ์ทางชีวภาพได้มากมายหลายชนิด เช่น สารปฏิชีวนะ (antibiotics) สารต้านมะเร็ง (antitumor) antihypercholesterolemic และ สารพิษในกลุ่ม cytotoxin เป็นต้น ประเทศไทยเป็นประเทศที่มีภูมิอากาศแบบเขตร้อนชื้น เหมาะต่อการเจริญของรา *Xylaria* เป็นอย่างยิ่ง ดังนั้นจึงสามารถแยกรา *Xylaria* sp. BCC1067 ได้จากป่าในประเทศไทย จากการศึกษพบว่ารา สายพันธุ์นี้สามารถผลิตสารออกฤทธิ์ชีวภาพ ได้หลายชนิด เช่น depudecin, phaseolinone, phomenone, 19,20-epoxycytochalacin Q และ (E)-methyl-3-(4-methoxyphenoxy)-propenoate เป็นต้น [5] ซึ่งสารออกฤทธิ์ชีวภาพ ที่ผลิตจาก *Xylaria* sp. BCC1067 อย่างน้อยจำนวน 2 ชนิด จัดเป็นสารประกอบในกลุ่ม polyketide คือ depudecin และ

19,20-epoxycytochalacin Q พบว่า depudecin เป็นสารที่มีโครงสร้างไม่ซับซ้อนและมีฤทธิ์ในการยับยั้งกระบวนการ Histone deacetylase (HDACs) ซึ่งกระบวนการนี้เป็นสาเหตุสำคัญต่อการเกิดการกลายพันธุ์ของสิ่งมีชีวิต ก่อให้เกิดเซลล์มะเร็งได้ และพบว่าสาร depudecin มีผลกระทบต่อการทำงานของเอนไซม์ HDACs แต่สาร depudecin ก็มีพิษต่อเซลล์หรือเนื้อเยื่ออื่น ๆ ได้ด้วย ดังนั้นจึงได้นำเทคนิคทาง combinatorial biosynthesis มาใช้เพื่อตัดแปลงหรือปรับปรุงโครงสร้างสารประกอบ polyketide ให้ได้สารใหม่ที่มีประสิทธิภาพดีขึ้นและไม่มีผลข้างเคียง (side effect) ต่อเซลล์หรือเนื้อเยื่อข้างเคียง แต่เนื่องจากยังไม่มีความเข้าใจถึงวิธีการสังเคราะห์สารประกอบ polyketide ในรา *Xylaria* sp. BCC1067 ในระดับโมเลกุลได้ และไม่ทราบว่ามียีนอะไรบ้างที่เกี่ยวข้องต่อการสังเคราะห์และควบคุมการสังเคราะห์สาร polyketide จึงทำให้การปรับปรุงโครงสร้างของสาร polyketide ทำได้ยาก

โดยทั่วไป ในจีโนมของรามักจะมีหลาย ๆ ยีนที่ไม่ทราบหน้าที่ อาทิเช่น ในจีโนม (Genome) ของรา *Aspergillus* sp. มีขนาดจีโนมระหว่าง 29 - 37 Mb และสามารถถอดรหัสยีนได้ประมาณ 9000 - 12000 gene ซึ่งสามารถทำนายหน้าที่ของยีนต่าง ๆ ที่พบในจีโนมของรา *Aspergillus* sp. ว่ามีความเกี่ยวข้องกับ การสังเคราะห์สารเมตาบอไลต์ในกลุ่ม Polyketide และ Non-ribosomal peptide ได้ดังตาราง (<http://www.aspergillus.org.uk/education/payneAAA06.pdf>)

species	Genome size (Mb)	Gene No.	PKS	NRPS	P450
<i>A. fumigatus</i>	29.4	9,926	14	14	65
<i>A. nidulans</i>	30.1	9,541	27	14	102
<i>A. oryzae</i>	36.7	12,079	30	24	151
<i>A. flavus</i>	36.8	12,197	35	24	122

แต่อย่างไรก็ตาม ข้อมูลที่ได้จากการศึกษาจีโนมของรา พบว่ายีนบางชนิดไม่สามารถวิเคราะห์หน้าที่ได้ภายใต้สภาวะการทดลองใด ๆ เช่นจากจีโนมของรา *A. nidulans* พบว่ามียีนที่น่าจะเกี่ยวข้องกับการสังเคราะห์สารเมตาบอไลต์ในกลุ่ม PK และ NRP อยู่ประมาณ 27 gene และ 14 gene ตามลำดับ แต่จากการเลี้ยงเชื้อในห้องปฏิบัติการ พบว่าราสายพันธุ์ดังกล่าวสามารถผลิตสารเมตาบอไลต์ได้เพียง 7 ชนิด เช่น sterigmatocystin, penicillin, terrequinone, triacetylfusarinine, ferricrocin, aspoquinnoione และ aspyridone [10] นอกจากนี้ ยังพบว่าในรา *Xylaria* sp. BCC1067 ที่คณะผู้วิจัยได้ศึกษาทดลองนั้น มียีนที่เกี่ยวข้องกับการสังเคราะห์เมตาบอไลต์ในกลุ่ม PK มากถึง 18 gene และมียีน NRP อย่างน้อย 2 gene [1] แต่พบว่าสามารถควบคุมให้รา *Xylaria* ผลิตสารได้เพียง 2 ชนิด คือ depudecin และ cytochalacin

จากการวิจัยเบื้องต้น [การเพิ่มผลผลิตการสังเคราะห์โปรตีนในรา *Aspergillus oryzae* โดยการควบคุมกิจกรรม ของเอนไซม์โปรตีนเอส (ว.1-ค 2547) และ ศึกษาคุณสมบัติและการแยกยีนที่เกี่ยวข้อง ในวิธีการสังเคราะห์สาร polyketide จากรา *Xylaria* sp. BCC1067 (ว.1-ค

2548)] คณะผู้วิจัยสามารถพัฒนา *A. oryzae* ไซเป็นเซลล์เจ้าบ้านสำหรับผลิตสารที่มีมูลค่าสูง และยังคงค้นพบ ยีนที่เกี่ยวข้องกับการสังเคราะห์สารในกลุ่ม polyketide ที่มีโครงสร้างการจัดเรียงตัวของบริเวณเข้าทำปฏิกิริยา (active domain) ของยีนที่น่าสนใจ 2 ยีน คือ *pksm1* และ *pkx1* [5] โดยยีน *pksm1* และ *pkx1* ลักษณะการจัดเรียงตัวของ active domain จัดอยู่ในกลุ่ม highly reduce type I polyketide synthase ซึ่งโครงสร้างการจัดเรียงตัวของ active domain ของยีนทั้ง 2 ชนิด มีความน่าสนใจอย่างยิ่งว่าจะผลิตสารออกฤทธิ์ทางชีวภาพที่มีโครงสร้างสาร และคุณสมบัติอย่างไร ซึ่งจากการศึกษาของ อิซาคะและคณะ [6] พบว่ารา *Xylaria* sp.BCC1067 สามารถสังเคราะห์สาร polyketide หลัก ๆ ได้ 2 ชนิด คือ 1) depudecin ซึ่งมีคุณสมบัติที่เป็นสาร antimalaria และ anticancer 2) 19,20-epoxycytochalacin Q ซึ่งมีโครงสร้างทางเคมีเป็นสารลูกผสมระหว่าง polyketide และ nonribosomal peptide โดยมีคุณสมบัติที่มีฤทธิ์ในการยับยั้งการแบ่งเซลล์ของเซลล์หลาย ๆ ชนิดได้ ซึ่งคุณสมบัตินี้สามารถพัฒนานำไปใช้เป็นยาต้านโรคมะเร็งหรือ antiplasmodial

ดังนั้นในงานวิจัยนี้ จึงมีความสนใจที่จะศึกษาความสัมพันธ์ระหว่างโครงสร้างสารและหน้าที่ของยีน *pksm1* จากรา *Xylaria* sp.BCC1067 ที่ถูกผลิตได้ในรา *A. oryzae* ทั้งนี้คาดว่ายีน *pksm1* น่าจะมีความสัมพันธ์ต่อการสังเคราะห์สาร polyketide ในกลุ่ม depudecin ที่มีฤทธิ์เป็นสารต้านมะเร็ง และเป็นสารต้านเชื้อมาลาเรีย และสามารถเพิ่มประสิทธิภาพในการสังเคราะห์สาร polyketide ในรา *A. oryzae* โดยอาศัยเทคนิค heterologous expression

## 2. วัตถุประสงค์ของโครงการวิจัย

2.1 ศึกษาความสัมพันธ์ระหว่างโครงสร้างสารและหน้าที่ของยีน *pksm1* ที่เกี่ยวข้องในวิถีการสังเคราะห์สาร polyketide ที่ได้จากรา *Xylaria* sp. BCC1067 ในรา *A. oryzae*

2.2 เพิ่มศักยภาพในการผลิตสาร polyketide ของยีน *pksm1* ในรา *A. oryzae*

## 3. ประโยชน์ที่คาดว่าจะได้รับ

ผลสำเร็จของงานวิจัยนี้คือ ทราบความสัมพันธ์ระหว่างยีน *pksm1* ที่แยกได้จากรา *Xylaria* ต่อการสังเคราะห์สารออกฤทธิ์ชีวภาพภายใต้การควบคุมกระบวนการสังเคราะห์ในรา *A. oryzae* ด้วยกระบวนการ Heterologous gene expression ซึ่งมีประโยชน์นำไปใช้ทางการแพทย์ การเกษตร และเทคโนโลยีชีวภาพ โดยสามารถ นำยีนดังกล่าวไปดัดแปลงด้วยเทคนิค combinatorial biosynthesis เพื่อผลิตสารที่มีคุณสมบัติ ในการออกฤทธิ์ทางชีวภาพได้ดียิ่งขึ้น (new novel compound) ซึ่งสามารถพัฒนานำไปใช้งานได้ ในอุตสาหกรรมหลาย ๆ ชนิด เช่น อุตสาหกรรมยา อุตสาหกรรมเภสัชกรรม เป็นต้น นอกจากนั้นสามารถเผยแพร่ผลงานวิจัยใน รูปสิ่งตีพิมพ์ นอกจากนั้น เทคนิคที่ถูกพัฒนาขึ้นจากงานวิจัยนี้ สามารถนำไปใช้เพื่อควบคุมโฮสต์เจ้าบ้าน (heterologous host) ผลิตเอ็นไซม์หรือสารเมตาบอไลต์ต่าง ๆ ที่ยังไม่ทราบหน้าที่ที่แท้จริงได้

#### 4. หน่วยงานที่นำผลการวิจัยไปใช้ประโยชน์

ข้อมูลที่ได้จากงานวิจัยนี้จะทำให้เข้าใจถึงความสัมพันธ์และหน้าที่ของ *PKSMT* gene ที่แยกได้จากรา *Xylaria* sp. ต่อกระบวนการสังเคราะห์สาร polyketide หรือสาร metabolite อื่น ๆ ในระดับโมเลกุลของรา *A. oryzae* ซึ่งจะนำไปสู่การพัฒนาหรือดัดแปลงโครงสร้างโมเลกุลของสารให้มีคุณสมบัติตามที่ต้องการได้ และอาจได้ผลิตภัณฑ์ยาตัวใหม่ที่มีคุณสมบัติที่จำเพาะต่อการนำไปรักษาโรคมามากยิ่งขึ้น ซึ่งหน่วยงานที่สามารถนำผลงาน วิจัยไปใช้ประโยชน์ได้แก่ หน่วยงานที่ศึกษาทางด้านการผลิตสารออกฤทธิ์ทางชีวภาพจากรา เช่น องค์การเภสัชฯ มหาวิทยาลัยเทคโนโลยีพระจอมเกล้าธนบุรี และ ศูนย์พันธุวิศวกรรมและเทคโนโลยีชีวภาพแห่งชาติ หรือหน่วยงานที่เกี่ยวข้องกับอุตสาหกรรมผลิตยาและสารเคมีทางการเกษตร