

สารบัญ

	หน้า
กิตติกรรมประกาศ	ค
บทคัดย่อ	ง
Abstract	ฉ
สารบัญตาราง	ฐ
สารบัญภาพ	ด
รายการอักษรย่อ	น
บทที่ 1 บทนำ	1
1.1 ความสำคัญและที่มาของการวิจัย	1
1.2 โพรติเอส	4
1.2.1 การจำแนกประเภท	4
1.2.2 ประโยชน์ของโพรติเอส	9
1.2.3 การหาแอกติวิตีของโพรติเอส	10
1.2.4 การยับยั้งของโพรติเอส	11
1.2.5 อิทธิพลของไอออนโลหะต่อแอกติวิตีของโพรติเอส	11
1.3 การไฮโดรไลสโปรตีนโดย Trinitrobenzenesulfonic acid	13
1.4 การทำบริสุทธิ์และการตรวจสอบโพรติเอส	16
1.5 วัตถุประสงค์การวิจัย	24
บทที่ 2 การทดลอง	
2.1 สารเคมีและอุปกรณ์	26
2.1.1 สารเคมี	26
2.1.2 จุลินทรีย์	29
2.1.3 เครื่องมือและอุปกรณ์	29
2.2 วิธีการทดลอง	30
2.2.1 การเลือกแบคทีเรียที่ผลิตโพรติเอสสูงสุด	30
2.2.1.1 การเจริญเติบโตและการผลิตโพรติเอสของ F13, TLS43 และ P2	31
2.2.1.2 วิธีหาแอกติวิตีโพรติเอสโดยการไฮโดรไลสเอโซเคซีน	31
2.2.1.3 วิธีหาแอกติวิตีโพรติเอสโดยการไฮโดรไลสเคซีน	32

	หน้า
2.2.2 วิธีตรวจรูปร่างลักษณะและชนิดกรัมของแบคทีเรีย F13	33
2.2.3 การทำบริสุทธิ์โปรตีนจากแบคทีเรีย F13	34
2.2.3.1 การหาปริมาณโปรตีนโดยวิธี Bradford	34
2.2.3.2 วิธีทำสารละลายโปรตีนให้แห้งโดยวิธีไลโอไฟไลเซชัน	36
2.2.3.3 โคอะไลเซชัน	36
2.2.3.4 การทำบริสุทธิ์โปรตีนด้วยคอลัมน์ Sephadex	36
2.2.4 การศึกษาสมบัติของโปรตีน	39
2.2.4.1 วิธีเตรียมสารละลาย	40
2.2.4.2 พีเอชและอุณหภูมิที่เหมาะสม	42
2.2.4.3 ผลของตัวบัฟเฟอร์	42
2.2.4.4 ผลของไอออน	44
2.2.4.5 ความจำเพาะต่อ BAPNA	44
2.2.4.6 ความจำเพาะต่อ FAGLA	44
2.2.4.7 ความจำเพาะต่อเอสเทอร์	46
2.2.4.8 การไฮโดรไลสโปรตีนด้วยวิธี Trinitrobenzenesulfonic acid	46
2.2.5 การตรวจสอบมวลโมเลกุลโดยวิธี SDS-PAGE	48
2.2.5.1 วิธีเตรียมสารละลาย	48
2.2.5.2 วิธีการทำอิเล็กโตรโฟเรซิส	50
2.2.5.3 การย้อมสีเจลโดยวิธี Silver staining	52
2.2.6 การตรวจสอบค่าไอโซอิเล็กตริกโดยวิธีไอโซอิเล็กตริกโฟคัสซิง	53
2.2.6.1 วิธีเตรียมสารละลาย	53
2.2.6.2 วิธีการทำไอโซอิเล็กตริกโฟคัสซิง	54
2.2.7 การตรวจสอบค่าไอโซอิเล็กตริกโดยวิธีโครมาโตกราฟีโฟคัสซิง	55
2.2.7.1 วิธีเตรียมสารละลาย	56
2.2.7.2 วิธีการทำโครมาโตกราฟีโฟคัสซิง	57
บทที่ 3 ผลการทดลอง	59
3.1 การคัดเลือกแบคทีเรียเทอร์โมไฟล์ที่ผลิตโปรตีน	59
3.1.1 การเจริญเติบโตของเทอร์โมไฟล์	59

	หน้า
3.1.2 การผลิตโปรตีน	61
3.2 รูปร่างลักษณะของแบคทีเรียเทอร์โมไฟล์ F13	65
3.3 การเตรียมโปรตีนจากแบคทีเรีย F13	66
3.4 การทำบริสุทธิ์โปรตีนที่ผลิตจาก F13	69
3.4.1 การเตรียมผงโปรตีนดิบ	69
3.4.1.1 การหาแอกติวิตี	70
3.4.1.2 การหาปริมาณโปรตีน	71
3.4.2 การแยกโปรตีนด้วยคอลัมน์ Sephadex G 100-120	73
3.4.3 การแยกโปรตีนบริสุทธิ์ด้วยคอลัมน์ Sephadex G-75	75
3.4.3.1 การทำบริสุทธิ์โปรตีน	76
3.4.3.2 การตรวจสอบมวลโมเลกุลของโปรตีน	76
3.5 คุณสมบัติของโปรตีน	82
3.5.1 พีเอชและจุดไอโซอิเล็กตริกที่เหมาะสม	82
3.5.2 ผลของตัวยับยั้ง	82
3.5.3 ผลของไอออน	85
3.5.4 ความจำเพาะต่อสับสเตรท	86
3.5.4.1 N- α -Benzoyl -DL-arginine-p-nitroanilide (BAPNA)	87
3.5.4.2 3-(-2-Furylacryloyl)-glycyl-L-leucine amide (FAGLA)	88
3.5.4.3 เอสเทอร์	90
3.5.4.4 การไฮโดรไลสโปรตีนโดย TNBS	92
3.6 การตรวจสอบมวลโมเลกุลโดย SDS-PAGE	98
3.7 จุดไอโซอิเล็กตริก	99
3.7.1 ไอโซอิเล็กตริกโฟกัสซิง	101
3.7.2 โครมาโตรโฟกัสซิง	103
บทที่ 4 วิจัยและสรุปผลการทดลอง	108
4.1 การผลิตโปรตีนของแบคทีเรีย F13 TLS 43 และ P2	108
4.2 การผลิตโปรตีนโดยแบคทีเรีย F13	109
4.3 สมบัติของโปรตีนจากแบคทีเรีย F13	109

	หน้า
4.4 การทำบริสุทธิ์ประเด็น	113
4.5 สรุปผลการทดลอง	116
เอกสารอ้างอิง	118
ประวัติผู้เขียน	123

สารบัญตาราง

ตาราง	หน้า
1.1 การผลิตโปรตีนและอุณหภูมิของการเจริญเติบโตของแบคทีเรียเทอร์โมไฟล์	2
1.2 คุณสมบัติของโปรตีนที่ผลิตจากเทอร์โมฟิลิกแบคทีเรีย	2
1.3 การจำแนกชนิดของ Proteinase ตามความจำเพาะเบื้องต้น (aa = amino acid)	6
1.4 การวิเคราะห์แอกติวิตีของโปรตีน	10
1.5 ตัวบ่งชี้ของโปรตีนแต่ละชนิด	12
1.6 Kjeldahl conversion factors และ h_{tot} ของโปรตีนต่าง ๆ	15
1.7 ชนิดของ Sephadex และสมบัติที่ใช้ในการทำเจลฟิสิกส์	20
2.1 ส่วนประกอบของสารละลายตัวบ่งชี้เอ็นไซม์	41
2.2 ส่วนประกอบของสารละลายตัวบ่งชี้เพื่อศึกษาอิทธิพลของตัวบ่งชี้ต่อการทำงานของโปรตีน	43
2.3 ส่วนประกอบของสารละลายไอออนในการศึกษาอิทธิพลของไอออนต่อแอกติวิตีของโปรตีน	45
3.1 การเจริญเติบโต (OD_{620}) และแอกติวิตีโปรตีนของแบคทีเรีย F13 TLS43 และ P2 ซึ่งเลี้ยงในสารละลายอาหารที่ 65°C	60
3.2 ค่าการดูดกลืนแสงที่ 275 นาโนเมตรของสารละลายมาตรฐานไทโรซีนในช่วงความเข้มข้น 10-500 ไมโครกรัม/ลบ.ซม.	63
3.3 แอกติวิตีของโปรตีนจากแบคทีเรีย F13 และ TLS43 ซึ่งเลี้ยงในอาหารเหลวที่มีสิ่งสกัดจากยีสต์และทรีปโทนอย่างละ 0.1% ที่ 65°C	64
3.4 การเจริญเติบโตของเซลล์และแอกติวิตีของโปรตีนซึ่งได้จากการเลี้ยงแบคทีเรีย F13 ในสารละลายอาหารที่มีสิ่งสกัดจากยีสต์และทรีปโทนอย่างละ 0.01%-1.0% ที่ 65°C	67
3.5 ปริมาณผงโปรตีนดิบจากการทำไลโอไฟไลเซชัน	70
3.6 แอกติวิตีของสารละลายและผงโปรตีนดิบที่ได้จากการเลี้ยงแบคทีเรีย F13 ในสารละลายอาหาร 1 ลิตร	70
3.7 ค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่น 595 นาโนเมตรของสารละลาย BSA ที่ความเข้มข้นต่าง ๆ โดยวิธี Bradford	71

ตาราง	หน้า
3.8 ปริมาณโปรตีนของผงโปรตีนดิบที่ได้จากการเลี้ยงแบคทีเรีย F13 ในอาหาร 1 ลิตร	72
3.9 แอคติวิตีโปรตีนและปริมาณโปรตีนจากของโปรตีน F13 ที่แยกด้วยคอลัมน์ Sephadex G 100-120	73
3.10 แอคติวิตีของโปรตีนและปริมาณโปรตีนจากการทำบริสุทธิ์โปรตีน F13 ด้วย คอลัมน์ Sephadex G-75	75
3.11 การทำบริสุทธิ์โปรตีน F13 ด้วยคอลัมน์ Sephadex G-75	76
3.12 ค่า A_{280} และแอคติวิตีของโปรตีนที่ได้จากการแยกสารละลายโปรตีนจาก F13 ด้วยคอลัมน์ Sephadex G-75 ขนาด 1.5x50 ซม. (ครั้งที่ 3) ซึ่งชะด้วย 0.02 M Tris-HCl บัฟเฟอร์พีเอช 7.2 ที่มี 5 mM $CaCl_2$ โดยเก็บ fraction ละ 2 ลบ.ซม.	77
3.13 แอคติวิตีของโปรตีนที่ได้จากการทำบริสุทธิ์โปรตีนที่ผลิตจาก F13 ด้วยคอลัมน์ Sephadex G-75 ครั้งที่ 3	78
3.14 ปริมาณโปรตีนจากการทำบริสุทธิ์โปรตีนที่ผลิตจาก F13 ด้วยคอลัมน์ Sephadex G-75 ครั้งที่ 3	79
3.15 การทำบริสุทธิ์โปรตีนที่ผลิตจาก F13 ด้วยคอลัมน์ Sephadex G-75	79
3.16 ค่า V_0/V_t และ $\log$ ของมวลโมเลกุลของโปรตีนมาตรฐานชนิดต่าง ๆ ที่ถูกชะออก จากคอลัมน์ Sephadex G-75	80
3.17 มวลโมเลกุลของโปรตีนบริสุทธิ์ที่ได้จากการอ่านคอลัมน์ Sephadex G-75	81
3.18 แอคติวิตีของโปรตีนที่อุณหภูมิและพีเอชต่าง ๆ	82
3.19 แอคติวิตีของโปรตีนเมื่อมีตัวยับยั้งชนิดต่าง ๆ	84
3.20 เปอร์เซนต์แอคติวิตีที่ปรากฏเมื่อมีตัวยับยั้งชนิดต่าง ๆ	84
3.21 แอคติวิตีของโปรตีนเมื่อมีไอออนชนิดต่าง ๆ	85
3.22 เปอร์เซนต์แอคติวิตีที่ปรากฏเมื่อมีไอออนชนิดต่าง ๆ	86
3.23 การเปลี่ยนแปลงของ A_{405} เนื่องจากแอคติวิตีของโปรตีนชนิดต่าง ๆ	87
3.24 amidase activity ต่อ BAPNA ของโปรตีนจาก F13, Alcalase, Metalloprotease type IX และทริปซิน ซึ่งมีแอคติวิตีต่อเอซีเคซีน 1 UA/ ลบ.ซม. เหมือนกัน	88

ตาราง	หน้า
3.25 แอคติวิตีต่อ 1 UA ของโปรตีนจาก F13 โปรตีนจาก S2 และ Metallo-protease type IX ในการไฮโดรไลส FAGLA	90
3.26 แอคติวิตีการไฮโดรไลส ATEE, ATpEE, BAEE, PME และ TAME โดยโปรตีนจาก F13, Metalloprotease type IX, Alcalase และโปรตีนจาก S2	93
3.27 ค่าการดูดกลืนแสงที่ 340 นาโนเมตรของสารละลาย leucine มาตรฐานใน 1% SDS ที่ความเข้มข้นต่าง ๆ กัน	94
3.28 ปริมาณโปรตีนของสับสเตรทชนิดต่าง ๆ	96
3.29 ประสิทธิภาพการไฮโดรไลสพันธะเปปไทด์ของโปรตีนชนิดต่าง ๆ โดยไลโอไฟไลส โปรตีน F13 สารละลายโปรตีนจาก F13 และ Alcalase	97
3.30 ค่า Rm และ log ของมวลโมเลกุลของสารละลายโปรตีนมาตรฐานต่าง ๆ บน 10% Polyacrylamide gel จาก SDS-PAGE	99
3.31 มวลโมเลกุลของโปรตีนบริสุทธิ์ที่ได้จาก SDS-PAGE	100
3.32 การเคลื่อนที่ของโปรตีนมาตรฐานโดยไอโซอิเล็กตริกโฟกัสซิง	102
3.33 ค่า pi ของโปรตีน I, II และ III โดยไอโซอิเล็กตริกโฟกัสซิง	103
3.34 แอคติวิตี, A_{280} และ pH ของสารละลายโปรตีนบริสุทธิ์ที่แยกได้จากคอลัมน์ polybuffer exchanger 94 (1.0x30 ซม.)	104
3.35 แอคติวิตีและปริมาณโปรตีนของสารละลายโปรตีนบริสุทธิ์ที่ได้จากการทำบริสุทธิ์โดยโครมาโตกราฟีโฟกัสซิง	106
3.36 ผลผลิตของสารละลายโปรตีนที่แยกด้วยคอลัมน์ polybuffer exchanger 94	106
4.1 สมบัติต่าง ๆ ของโปรตีนที่แยกได้จากคอลัมน์ Sephadex G100-120	111
4.2 มวลโมเลกุลของโปรตีนของแบคทีเรีย F13	115
4.3 pi ของโปรตีนจากแบคทีเรีย F13 ซึ่งแยกด้วยไอโซอิเล็กตริกโฟกัสซิงและโครมาโตกราฟีโฟกัสซิง	116
4.4 สมบัติของโปรตีนจากแบคทีเรีย F13 ที่แยกด้วยเจลฟิลเตรชัน	116

สารบัญภาพ

รูป	หน้า
1.1 ปฏิริยาการสลายพันธะเปปไทด์ในสารละลายน้ำและปฏิริยาการสร้างพันธะเปปไทด์ในสารละลายอินทรีย์โดยโปรติเอส	5
1.2 ปฏิริยาระหว่าง TNBS กับกลุ่มอะมิโนของโปรตีนที่เกิดขึ้นจากการหาพันธะเปปไทด์ที่ถูกไฮโดรไลสโดยวิธี TNBS	14
1.3 การไฮโดรไลสโปรตีนชนิดต่าง ๆ โดย Alcalase ซึ่งใช้ความเข้มข้นของโปรตีน (S) = 8% ของ (Nx6.25) ความเข้มข้นของเอนไซม์ต่อโปรตีน (E/S) = 0.5% ที่อุณหภูมิ 50°C พีเอช 8.0	15
1.4 การไฮโดรไลสโปรตีนชนิดต่าง ๆ โดย Neutrase ซึ่งใช้ความเข้มข้นของโปรตีน (S) = 8% ของ (Nx6.25) ความเข้มข้นของเอนไซม์ต่อโปรตีน (E/S) = 2.0% ที่อุณหภูมิ 50°C พีเอช 8.0	15
1.5 กราฟมาตรฐานมวลโมเลกุลโปรตีนที่ได้จากการทำเจลฟิเลเทรชัน	20
1.6 โคมาโตกราฟีแบบแลกเปลี่ยนไอออน (ก) และโคมาโตกราฟีโพลาร์ (ข)	21
1.7 การเคลื่อนที่ของโปรตีนที่มีค่า pi เท่ากับ 9 โดยโคมาโตกราฟีโพลาร์ในคอลัมน์ที่มีพีเอช 8-10	21
1.8 กราฟมาตรฐานของโมเลกุลโปรตีนจากการทำ SDS-PAGE	23
2.1 แผนผังขั้นตอนการทำบริสุทธิ์โปรติเอสจากแบคทีเรีย F13 และการทดสอบสมบัติของเอนไซม์บริสุทธิ์	35
2.2 (ก) การทำสารละลายโปรติเอสดิบให้แข็งตัวในขวด (1) ซึ่งหมุนอยู่ในสารละลายเอทานอลที่เย็นจัดในเครื่อง Freezer (2)	37
2.2 (ข) การระเหิดน้ำออกจากสารละลายโปรติเอสดิบในระบบที่เป็นสุญญากาศของเครื่อง Lyophilizer ซึ่งมีสวิทช์เปิด-ปิดเครื่อง (1) ปุ่มให้เครื่องทำงาน (2) ปุ่มช่วยละลายน้ำแข็ง (3) จอแสดงอุณหภูมิและความดันของเครื่อง (4) ท่อสำหรับต่อเข้ากับขวดสารตัวอย่าง (5) และภาคสำหรับรองน้ำที่เกาะข้างขวดสารตัวอย่าง (6)	37
2.3 การไดอะไลซิสสารละลายโปรติเอส (1) ซึ่งจะแพร่ผ่านถุงไดอะไลซิสเข้ามาอยู่ในสารละลายบัฟเฟอร์ (2) โดยการกวนสารละลายบัฟเฟอร์ด้วย magnetic bar (3)	38
2.4 การเตรียมเจลใน chamber ของชุดอิเล็กโตรฟอเรซิส (Hoefer SE 280) ซึ่งประกอบด้วย chamber บน (1) chamber ล่าง (2) และใช้ตัวหนีบ (3) ยึดกระจกทั้งสองข้าง	50

2.5 การแยกโปรตีนโดย SDS-PAGE ซึ่งประกอบด้วย Power supply (1) และชุดอิเล็กโตรโฟรีซิส (2)	52
2.6 อุปกรณ์ที่ใช้ในการทำไอโซอิเล็กตริกโฟคัสซิงซึ่งประกอบด้วยแผ่น gel support film (1), แผ่นกระจก (2), ถาดเตรียมเจล (3), แผ่นแบบช่องใส่ตัวอย่าง (4), chamber นอก (5), ฝาปิด chamber พร้อมล้อภายในที่มีขั้วไฟฟ้า (6) และอิเล็กโตรดกราไฟท์ (7)	55
2.7 การตรวจสอบค่า pI ของสารละลายโปรตีนโดยวิธีไอโซอิเล็กตริกโฟคัสซิง ซึ่งประกอบด้วยเจลที่มีสารทดสอบวางใน chamber นอก (1) ซึ่งต่อเข้ากับ power supply (2) ด้วยอิเล็กโตรดกราไฟท์ (3)	56
2.8 การทำอัลตราฟิเลชันของสารละลายโปรตีนบริสุทธิ์โดยผ่านแก๊สไนโตรเจน (1) เข้าสู่อัลตราฟิเลชันยูนิต (2) ซึ่งมีสารละลายโปรตีนบริสุทธิ์ที่ถูกควบคุมเวลาด้วยแท่งกวนแม่เหล็ก (3) และเก็บสารละลายที่ผ่านเมมเบรนไว้ในบีกเกอร์ (4)	57
2.9 การทำบริสุทธิ์และการหาค่า pI ของโปรตีนจากแบคทีเรีย F13 โดยโครมาโตกราฟีโฟคัสซิง ซึ่งประกอบด้วยคอลัมน์ของ polybuffer exchanger 94 (1) สารละลาย polybuffer 74/96 (2) โดยใช้ peristaltic pump ควบคุมอัตราการไหลที่ 40 ลบ.ซม./ชม. (3) และเก็บสารละลายจากคอลัมน์ด้วย fraction collector (4)	58
3.1 การเจริญเติบโตของแบคทีเรีย F13 (●) TLS43 (○) และ P2 (■) ที่ 65°C ในอาหารที่ประกอบด้วยสิ่งสกัดจากยีสต์และทรีปโทนอย่างละ 0.1% ในสารละลายเบสผสมพีเอช 7.2	60
3.2 แอคติวิตีในการไฮโดรไลสเคซีนของโปรตีนซึ่งผลิตจากแบคทีเรีย F13 (●) TLS43 (○) และ P2 (■) ในช่วงเวลาต่าง ๆ ของการเลี้ยงที่ 65°C	61
3.3 กราฟมาตรฐานไทโรซีนในการหาแอกติวิตีโปรตีนโดยการไฮโดรไลสเคซีน	64
3.4 แอคติวิตีในการไฮโดรไลสเคซีนของโปรตีนจากแบคทีเรีย F13 (●) TLS43 (○) ในอาหารที่ประกอบด้วยสิ่งสกัดจากยีสต์และทรีปโทนอย่างละ 0.1% ในสารละลายเบสผสมพีเอช 7.2	65
3.5 รูปถ่ายลักษณะของแบคทีเรีย F13 ซึ่งถ่ายผ่านกล้องจุลทรรศน์ที่มีกำลังขยาย 200 เท่า	65
3.6 การเจริญเติบโตของแบคทีเรีย F13 ซึ่งเลี้ยงที่ 65°C ในสารละลายอาหารที่มีสิ่งสกัดจากยีสต์และทรีปโทนอย่างละ 0.01% (●), 0.1% (○) และ 1.0% (■)	67

รูป	หน้า
3.7 แอคติวิตีในการไฮโดรไลสเอนไซม์ของโปรตีนจากแบคทีเรีย F13 ซึ่งเลี้ยงที่ 65°C ในสารละลายอาหารที่มีสิ่งสกัดจากยีสต์และทรีปโทนอย่างละ 0.01% (●), 0.1% (○) และ 1.0% (■)	68
3.8 แอคติวิตีในการไฮโดรไลสเอนไซม์ของโปรตีนจากแบคทีเรีย F13 ซึ่งเลี้ยงที่ 65°C ในสารละลายอาหารที่มีสิ่งสกัดจากยีสต์และทรีปโทนอย่างละ 0.01% (●), 0.1% (○) และ 1.0% (■)	68
3.9 ขั้นตอนการทำโปรตีนจาก F13 ให้บริสุทธิ์	69
3.10 กราฟมาตรฐานในการหาปริมาณโปรตีนโดยวิธี Bradford	72
3.11 แอคติวิตีของโปรตีน (○) และ A_{280} (●) ของสารละลายต่าง ๆ ที่ได้จากการแยกโปรตีนที่ผลิตจาก F13 โดยใช้คอลัมน์ Sephadex G 100-120 ครั้งที่ 1 ขนาด 1.5x50 ซม.	74
3.12 แอคติวิตีของโปรตีน (○) และ A_{280} (●) ของสารละลายต่าง ๆ ที่ได้จากการแยกโปรตีนที่ผลิตจาก F13 โดยใช้คอลัมน์ Sephadex G 100-120 ครั้งที่ 2 ขนาด 1.5x50 ซม.	74
3.13 แอคติวิตีของโปรตีน (○) และ A_{280} (●) ของสารละลายต่าง ๆ ที่ได้จากการแยกโปรตีนที่ผลิตจาก F13 โดยใช้คอลัมน์ Sephadex G-75 ขนาด 1.5x50 ซม.	78
3.14 ค่าการดูดกลืนแสงที่ความยาวคลื่น 280 นาโนเมตรของสารละลายโปรตีนมาตรฐานชนิดต่าง ๆ ได้แก่ BSA (66,000) Ovalbumin (45,000) Carbonic anhydrase (29,000) และ Lysozyme (14,300) เมื่อผ่านคอลัมน์ Sephadex G-75	80
3.15 กราฟมาตรฐานระหว่าง V_0/V_0 และ log MW ของโปรตีนมาตรฐานผ่าน Sephadex G-75 (1.5x50 ซม.)	81
3.16 แอคติวิตีของโปรตีนในสารละลายพีเอชต่าง ๆ กัน เมื่อใช้เอนไซม์เป็นสับสเตรทที่อุณหภูมิ 40° (●) 50° (○) 60° (▲) 65° (Δ) 70° (■) 80° (□) และ 90°C (+)	83
3.17 แอคติวิตีที่ปรากฏ (%) ของโปรตีนในสถานะที่มี Mg^{2+} (●), Ca^{2+} (○), Mn^{2+} (■), Fe^{3+} (□), Cu^{2+} (▲), Zn^{2+} (Δ) และ Co^{2+} (+) ที่ความเข้มข้นต่าง ๆ	86
3.18 การเปลี่ยนแปลงของ A_{405} ในระหว่างการเร่งปฏิกิริยาไฮโดรไลซิส BAPNA โดยทรีปซินที่อุณหภูมิ 27°C	88

รูป	หน้า
3.19 การเปลี่ยนแปลง A_{345} จากการทำปฏิกิริยาไฮโดรไลส FAGLA โดยการเร่งปฏิกิริยาของโปรติเอส F13 (ก) โปรติเอส S2 (ข) และ Metalloprotease type IX (ค)	89
3.20 ความสัมพันธ์ระหว่าง A_{345} กับความเข้มข้นของ FAGLA	90
3.21 การเปลี่ยนแปลง A_{253} จากการทำปฏิกิริยาไฮโดรไลส BAEE โดยการเร่งปฏิกิริยาของ Alcalase (ก) และโปรติเอส S2 (ข)	91
3.22 การเปลี่ยนแปลงค่าการดูดกลืนแสงจากการทำปฏิกิริยาไฮโดรไลส ATEE (I), ATpEE (II) และ PME (III) (ก) และ TAME (ข) โดยการเร่งปฏิกิริยาของโปรติเอส S2	91
3.23 กราฟมาตรฐานของ leucine	94
3.24 SDS-PAGE ของ Sigma Marker [ประกอบด้วย BSA (66,000), Ovalbumin (45,000), Glyceraldehyde-3-phosphate dehydrogenase (36,000), Carbonic anhydrase (29,000), Trypsinogen (24,000), Trypsin inhibitor (20,000), α -Lactalbumin (14,200) และ Aprotinin (6,500)] (ช่องที่ 1 และ 9) BSA (ช่องที่ 2) Trypsin inhibitor (ช่องที่ 3) Lysozyme (ช่องที่ 4) โปรติเอส F13 จากไลโอไฟไลส (ช่องที่ 5) โปรติเอส F13 จากไดอะไลซิส (ช่องที่ 6) โปรติเอส I (ช่องที่ 7) และโปรติเอส II (ช่องที่ 8)	98
3.25 กราฟมาตรฐานมวลโมเลกุลของโปรตีนมาตรฐาน Sigma Marker M-3193 โดย SDS-PAGE	100
3.26 การแยกโปรติเอสจาก F13 ด้วยไอโซอิเล็กตริกโฟคัสซิง ช่องที่ 1, 4 และ 8 คือโปรตีนมาตรฐาน ประกอบด้วย Amyloglucosidase pI 3.6, Trypsin inhibitor pI 4.6, β -Lactoglobulin A pI 5.1, Carbonic anhydrase I และ II pI 5.9 และ 6.6, Myoglobin pI 6.8 และ 7.2, Lentil Lectin pI 8.2, 8.6 และ 8.8, และ Trypsinogen pI 9.3 ช่องที่ 2, 3, 5, 6 และ 7 คือสารละลายโปรติเอส	101
3.27 กราฟมาตรฐานของการหาค่า pI ด้วยไอโซอิเล็กตริกโฟคัสซิง ประกอบด้วย Amyloglucosidase pI 3.6, Trypsin inhibitor pI 4.6, β -Lactoglobulin A pI 5.1 และ Lentil Lectin pI 8.2, 8.6 และ 8.8 ตามลำดับ	102
3.28 แอคติวิตี (o), A_{280} (●) และ pH (■) ของสารละลายที่ได้จากการแยกโปรติเอสบริสุทธิ์ผ่านคอลัมน์ polybuffer exchanger 94 (1.0x30 ซม.)	103

รายการอักษรย่อ

ซม	ซัณง
ซม	เซนตเมตร
มก	มิลลกรัม
ลบ.ซม.	ลูกบาศก์เซนตเมตร
A ₂₇₅	Absorbance at 275 nm
ATpEE	Acetyl-tryptophan ethyl ester
ATEE	Acetyl-tyrosine ethyl ester
BAEE	Benzoyl-arginine ethyl ester
BAPNA	N-α-Benzoyl-DL-arginine-p-nitronilide
°C	degree of celsius
DH	degree of hydrolysis
DCI	Dichloroesocoumarin
DipF	Diisopropylphosphofluoride
EDTA	Ethylenediaminetetraacetic acid
FAGLA	3-(-2-Furylacryloyl)-glycyl-L-leucine amide
g	gram
kD	kilodalton
pI	isoelectric point
μg	microgram
μl	microlitre
μm	micrometre
μM	micromolar
mL	millilitre
mM	millimolar
M	Molar
MW	molecular weight
nm	nanometre

OD	Optical density
PME	L-Phenylalanine methyl ester
PMSF	Phenylmethanesulphonyl fluoride
R _m	Relative mobility
SDS-PAGE	Sodium dodecyl sulphate polyacrylamide gel electrophoresis
TAMED	N,N,N',N'-Tetramethylethylenediamine
TAME	p-Tosyl-L-arginine methyl ester
TNBS	Trinitrobenzenesulfonic acid
UA	Azocasein unit
UAm	Amide unit
UC	Casein unit
UE	Ester unit