

การวิเคราะห์ข้อมูล

1. น้ำหนัก ความยาว และ คำนวณความสมบูรณ์เพศของปลาอุกอยู่ในรอบปี

น้ำหนัก ความยาว และ คำนวณความสมบูรณ์เพศของปลาอุกอยู่ในรอบปี ถูกวิเคราะห์ด้วยวิธี one-way ANOVA โดยใช้โปรแกรม SPSS version 17.0 และถูกนำมาจัดคลัสเตอร์ (cluster) ด้วยโปรแกรม R-package จากนั้น ความแตกต่างของข้อมูลในรอบปีจะถูกวิเคราะห์ด้วย Tukey's multiple range test

2. ความสัมพันธ์ของน้ำหนัก และความยาว กับ คำนวณความสมบูรณ์เพศของปลาอุกอยู่ในรอบปี

ความสัมพันธ์ระหว่าง น้ำหนัก และความยาว กับ คำนวณความสมบูรณ์เพศ จะถูกนำมาวิเคราะห์โดยใช้โปรแกรม SPSS version 17.0

3. ความสัมพันธ์ของยีน *CH-GnRH* ของปลาอุกอยู่กับปลาชนิดอื่น

ลำดับเบสของยีน *CH-GnRH* ของปลาอุก จะถูกนำมาทำแผนผังทางพันธุกรรม (phylogenetic tree) โดยใช้โปรแกรม MEGA 3.0 เพื่อเทียบกับลำดับเบสของปลาชนิดอื่น โดยอ้างอิงจาก <http://www.ncbi.nlm.nih.gov>

4. การแสดงออกของยีน *CH-GnRH* ในเนื้อเยื่อของปลาอุก

การแสดงออกของยีน *CH-GnRH* ในเนื้อเยื่อสมอง ต่อมใต้สมอง และ อวัยวะสืบพันธุ์ในรอบปี จะทำการเทียบกับยีน *beta actin* (house keeping gene)