

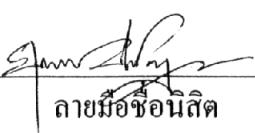
ยุทธนา สิงห์ชัย 2549: การสร้างเครื่องหมายดีเอ็นเอด้วยวิธี sequence-tagged site เพื่อตรวจสอบสายต้นยูคอลิปตัสที่ด้านหน้าหรืออ่อนแอด่าเชื้อรา

Cryptosporiopsis eucalypti ปริญญาวิทยาศาสตรมหาบัณฑิต (เทคโนโลยีชีวภาพเกษตร) สาขาวิทยาโน้มน้าว โครงการสหวิทยาการระดับบัณฑิตศึกษา

ประธานกรรมการที่ปรึกษา: รองศาสตราจารย์สาวนีรัตน์ พุทธิชาดา, วท.ม. 108 หน้า

ISBN 974-16-1564-7

เชื้อรา *Cryptosporiopsis eucalypti* สามารถแยกได้จากใบยูคอลิปตัสที่เป็นโรคใบจุดและใบใหม่ซึ่งเก็บมาจากสวนป่ายูคอลิปตัสในจังหวัดราชบุรี กาญจนบุรี และฉะเชิงเทรา ไอโซเลทของเชื้อราที่ได้ใช้ในการศึกษาสัพนฐานวิทยานอาหาร potato dextrose agar (PDA) และใช้ในการปลูกเชื้อเพื่อคัดเลือกสายต้นยูคอลิปตัสจำนวน 12 สายต้น ด้วยวิธีการปลูกเชื้อโดยตรงบนต้นกล้า และเทคนิค detached leaf โดยพบว่า เชื้อราทั้ง 9 ไอโซเลทที่แยกได้มีอัตราการเจริญเติบโตบนอาหาร PDA ที่แตกต่างกัน และจากการคัดเลือกสายต้นยูคอลิปตัสพบว่า สายต้น SF01, SF06, SF18, SF36, SF94 และ SF98 เป็นสายต้นด้านหน้า และสายต้น SF03, SF07, SF14, SF16, SF70 และ SF86 เป็นสายต้นอ่อนแอด เครื่องหมายดีเอ็นเอชนิด sequence-tagged site (STS) ได้นำมาใช้เพื่อแยกกลุ่มระหว่างกลุ่มสายต้นด้านหน้าและอ่อนแอด คู่ไพรเมอร์ออกแบบได้จากส่วนอนุรักษ์ของยีน pathogenesis-related (PR) protein ยีนด้านหน้าโรคของพืช และยีนที่เกี่ยวข้องกับการป้องกันอื่นๆ เพื่อใช้ทำปฏิกิริยา PCR ดีเอ็นเอที่เพิ่มปริมาณได้นำไปแยกขนาดด้วยเทคนิค อิเล็กโทรforese 以便สามารถแยกสายต้นด้านหน้าและอ่อนแอด แยกได้ 6 ชนิด ที่สามารถแยกกลุ่มระหว่างสายต้นด้านหน้าและอ่อนแอดนำไปทำการโคลน หาลำดับนิวคลีโอไทด์ และนำลำดับนิวคลีโอไทด์ที่ได้ไปเบรย์เบทิกความเหมือนกับยีนในฐานข้อมูล GenBank ผลที่ได้พบว่า จากคู่ไพรเมอร์ทั้งหมด 41 คู่ มีเครื่องหมายดีเอ็นเอ 6 ชนิด ที่สามารถแยกกลุ่มสายต้นด้านหน้าและอ่อนแอดได้ โดยเครื่องหมายดีเอ็นเอที่พบเฉพาะสายต้นด้านหน้าคือ Ce1, Ce2 และ Ce3 และเครื่องหมายดีเอ็นเอที่พบเฉพาะสายต้นอ่อนแอดคือ Ce4, Ce5 และ Ce6 เครื่องหมายดีเอ็นเอเหล่านี้จะเป็นประโยชน์อย่างยิ่งต่อโครงการปรับปรุงพันธุ์ยูคอลิปตัส


ลายมือชื่อนักวิจัย

พากนก พงษ์รัตนา
คณาจารย์ประจำ
คณาจารย์ประจำ
26/5/2549