

เอกสารและสิ่งอ้างอิง

กรมวิชาการเกษตร. 2541. ถัวหรังสงขลา 1. สถาบันวิจัยพืชไร่ กรมวิชาการเกษตร. กรุงเทพฯ.

กฤษฎา สัมพันธารักษ์. 2544. **ปรับปรุงพันธุ์พืช: ความหลากหลายของแนวคิด.**
มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์, กรุงเทพฯ. 271n.

พัฒนา ศรีฟ้า. 2539. เอกสารประกอบการประชุมเชิงปฏิบัติการ. ภาควิชารังสีประยุกต์และ
ไอโซโทป คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์, กรุงเทพฯ. 197n.

วิสุทธิ์ ใบไม้, พงศ์พันธ์ กองทอง, พวงเพ็ญ ศิริรักษ์, พเยาว์ บุญประกอบ, พานี เชี่ยววนิช, พุฒิ
พงศ์ วรรุติ, มาลียา เครื่อตราฉู่, วชิโรบด ชีวคุปต์, ศรีสุมนต์ สีทะนี, สมศักดิ์ กลินสุข,
สุวนษา พรหมบุญ, สรันนต์ สุกัทรพันธุ์ และอรรถ บุญนิช. 2530. ชีววิทยา. โครงการ
ปรับปรุงหลักสูตรวิทยาศาสตร์ระดับมหาวิทยาลัย, ทบทวนมหาวิทยาลัย, กรุงเทพ. 819 n.

สมวงศ์ ตระกูลรุ่ง. 2540. Molecular marker technology, น. 122 - 129. ใน เอกสารประกอบการ
ฝึกอบรมเชิงปฏิบัติการ National Training Course on “Crop Improvement by Using
Mutation Technique and Biotechnology” 10 – 14 พฤษภาคม 2540.

มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์, กรุงเทพฯ.

สุกัญญา พัวพันธ์. 2547. ถัวหรัง. แหล่งที่มา :http://www.doa.go.th/data-agri/02-LOCAL/oard8/bean_rlung/body.html. 24 สิงหาคม 2547.

สุทธิศน์ ศรีวัฒนพงศ์. 2539. การปรับปรุงพันธุ์พืช. มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์, กรุงเทพฯ. 210n.

สุรินทร์ ปิยะโชคนาคุล. 2540. การจำแนกพันธุ์พืชโดยใช้เครื่องหมายทางโมเลกุล, น. 57 - 82. ใน
ธีระชัย ธนาณัต, บรรณาธิการ. การจัดจำแนกพันธุ์พืชโดยเทคโนโลยีทางชีวโมเลกุล.
มหาวิทยาลัยธรรมศาสตร์ ศูนย์รังสิต, ปทุมธานี.

- _____. 2545. ຈົ່ານມແລະຄຣື່ອງໝາຍດີເອັນເອ ປົກິບຕິກາຣອາຣ໌ເອີຟຶແລະເອເອົຟແອລົຟ. ການວິຊາພັນຫຼຸກສາສຕ່ຽມ, ຄະນະວິທະຍາສາສຕ່ຽມ, ມາວິທະຍາລ້ຽກຍົດຮາສຕ່ຽມ, ກຽມທະເມ. 116 ນ.
- ສູຖາພ ວັດນພນໍ້. 2525. ກາຣຄືກ່າສປາພກາປຸກຄົ້ວຫັ້ງ. ກຽມສົ່ງເສີມກາຣເກຍດຣ, ກຽມທະເມ.
- Aggarwal, R.K., D.S. Brar, S. Nandi. N. Huang and G.S. Khush. 1999. Phylogenetic relationship among *Oryza* species revealed by AFLP markers. **Theor. Appl. Genet.** 98: 1320-1328.
- Amadou, H.I., P.J. Bebeli and P.J. Kaltsikes. 2001. Genetic diversity in bambara groundnut (*Vigna subterranea* L.) germplasm revealed by RAPD marker. **Genome** 44: 995-999.
- Bai, G., P. Guo and F.L. Kolb. 2003. Genetic relationships among head blight resistant cultivars of wheat assessed on the basis of molecular markers. **Crop Sci.** 43: 498-507.
- De Gruijter, J.M., A.M. Polderman, L. Dijkshoorn, H. Roberts, J. Ziem, C.B. Kunwar and R.B. Gasser. 2006. AFLP fingerprinting for the analysis of genetic diversity within *Necator americanus*. **Mole. and Cell. Probe.** 20: 317-321.
- Duke, J.A. 1981. **Handbook of Legumes of World Economic Importance**. Plenum Press, New York.
- Goli, A.E. 1995. Introduction and bibliographical review, pp. 3-11. *In Proceeding of the Workshop on Conservation and Improvement of Bambara Groundnut (*Vigna subterranean* (L.) Verdc.) 14 – 16 November 1995*, Harare, Zimbabwe.
- IPGRI, IITA and BAMNET. 2000. **Descriptors for bambara groundnut (*Vigna subterranea*)**. International Plant Genetic Resource Institute, Italy; International Institute of Tropical Agriculture, Nigeria and The International Bambara Groundnut Network, Germany.

Jeffreys, J.D., V. Wilson and S.L. Thein. 1985. Individual specific fingerprints of human DNA. **Nature** 316: 76-79.

Jeong, S.C., S. Kristipati, A.J. Hayes, P.J. Maughan, S.L. Noffsinger, I. Gunduz, G.R. Buss and M.A. Saghi Maroof. 2002. Genetic and sequence analysis of markers tightly linked to the *soybean mosaic virus* resistance Gene, *Rsv3*. **Crop Sci.** 42: 265-270.

Kokotovic, B., N.F. Friis, J.S. Jensen and P. Ahrens. 1999. Amplified fragment length polymorphism fingerprint of Mycoplasma species. **J. Clin. Microbiol.** 37: 3300-3307.

Lamote, V., M. de Loose, E.V. Bockstaele and I. Roldan-Ruiz. 2005. Evaluation of AFLP markers to reveal genetic diversity in *Typha*. **Aquatic Bot.** 83: 296-309.

Li, Y., L. Dierens, K. Byrne, E. Miggiano, S. Lehnert, N. Preston and R. Lyons. 2006. QTL detection of production traits for the kuruma prawn *Penaeus japonicus* (Bate) using AFLP markers. **Aquaculture** 258: 198-210.

Linnemann, A.R. and S.N. Azam-Ali. 1993. **Bambara groundnut (*Vigna Subterranea*)** pp. 19-58. In Williams JT, ed. Pulses and Vegetables Chapman & Hall. London.

Lopandic, K., O. Molnar and H. Prillinger. 2005. Application of ITS sequence analysis, RAPD and AFLP fingerprinting the yeast Genus *Fellomyces*. **Microbiol.** 160: 13-26.

Malathi, L. and S.N. Madan. 2000. **Molecular tagging for seed coat colour in *B. juncea* and conversion of AFLP to scar marker.** Available Source: <http://www.static.teriin.org/division/eibdiv/pmb/docs/abs33.htm>, April 21, 2006.

Massawe, F.J., S.N. Azam-Ali and J.A. Roberts. 2000. Use of molecular markers to explore phenotypic variation between and within landraces of bambara groundnut (*Vigna subterranea* L. Verdc.). **Abst. J. Exp. Bot.** 51: 71.

- Ntundu, W.H. 2000. **Genetic diversity in bambara groundnut (*Vigna subterranea* L. Verde.) in Tanzania.** M.S. thesis, The Royal Veterinary and Agriculture University, Copenhagen, Denmark.
- Ntundu, W.H., I.C. Bach, J.L. Christiansen and S.B. Andersen. 2004. Analyses of genetic diversity in bambara groundnut (*Vigna subterranean* (L.) Verdc.) landrace using amplified fragment length polymorphism (AFLP). **African J. Biotech.** 3: 220-225.
- Nwokolo, E. and J. Smartt. 1996. **Food and feed legumes and oilseeds.** Chapman and Hall, London.
- Ouedraogo, J.T., V. Maheshwari, D.K. Berner, C.A. St-Pierre, F. Belzile and M.P. Timko. 2000. Identification of AFLP markers linked to resistance of cowpea (*Vigna unguiculata* L.) to parasitism by *Striga gesnerioides*. **Theor. Appl. Genet.** 102: 1029-1036.
- Pasquet, R.S., S. Schwedes and P. Gepts. 1999. Isozyme diversity in bambara groundnut. **Crop Sci.** 39 : 1228-1236.
- Perrone, G., A. Susca, F. Epifani and G. Mule. 2006. AFLP characterization of Southern Europe population of *Aspergillus* Section *Nigri* from grapes. **Int. J. Food Micro.** 111: 522-527.
- Sabharwal, V., M.S. Negi, S.S. Benga and M. Lakshmikumaran. 2004. Mapping of AFLP markers linked to seed coat colour loci in *Brassica juncea* (L.) Czern. **Theor. Appl. Genet.** 109: 160-160.
- Saiki, R.K., S. Scarf, F. Falloona, K.B. Mullks, G.T. Horn, H.A. Erlich and N. Amheim. 1985. Enzymatic amplification of beta-globin genomic sequence and restriction site analysis for diagnosis of sickle-cell anemia. **Science** 230: 1350-1354.

Saliba, V.C.M. Causse, L. Gervais and J. Philouze. 2000. Efficiency of RFLP, RAPD and AFLP markers for the construction of an intraspecific map of the tomato genome. **Genome** 43: 29-40.

Sivaprakash, K.R., S.R. Prashanth, B.P. Mohanty and A. Parida. 2004. Genetic diversity of black gram (*Vigna mungo*) landraces as evaluated by amplified fragment length polymorphism markers. **Current Sci.** 86: 1411-1416.

Shravani, B., J. Roberts, R. Mithen, S. Azam-Ali and R. Pasquet. 2006. **The genetic of bambara groundnut and the construction of a genetic linkage map.** Available Source: http://www.cropscience.org.au/icsi2004/poster/3/4/1/802_basusm.htm, April 21, 2006

Soleimani, V.D., B.R. Baum and D.A. Johnson. 2002. AFLP and pedigree – based genetic diversity estimates in modern cultivars of durum wheat [*Triticum turgidum* L. subsp. *durum* (Desf.) Husn.]. **Theor. Appl. Genet.** 104: 350-357.

Soller, M. and J.S. Beckman. 1983. Genetic polymorphism in varietal identification and genetic improvement. **Theor. Appl. Genet.** 67: 25-33.

Vos, P., R. Hogers, M. Bleeker, M. Reijans, T. van de Lee, M. Hornes, A. Feijters, J. Pot, J. Peleman, M. Kuiper and M. Zabeau. 1995. AFLP: a new technique for DNA fingerprinting. **Nucl. Acids Res.** 23: 4407-4414.

Welsh, J. and M. McClelland. 1990. Fingerprinting genome using PCR with arbitrary primers. **Nucl. Acids Res.** 19: 7213-7218

Williams, J.G.K., A.E. Kubelik, K.J. Levak, J.A. Rafalski and S.C. Tingey. 1990. DNA polymorphism amplified by arbitrary primer are useful as genetic marker. **Nucl. Acids Res.** 18: 6531-6535.

Xu, R.Q., N. Tomooka and D.A. Vaughan. 2000. AFLP markers for characterizing the azuki bean complex. **Crop Sci.** 40: 808-815.

Zhang, Y., J.R. Stommel. 2002. RAPD and AFLP tagging and mapping of *Beta* (B) and *Beta* modifier (Mo_B), two gene which influence β – carotene accumulation in fruit of tomato (*Lycopersicon esculentum* Mill.). **Theor. Appl. Genet.** 100: 368-375.