

วัตถุประสงค์

1. เพื่อให้ทราบถึงลำดับเบสไมโทคอนเดรียลดีเอ็นเอทั้งหมดของช้างไทย
2. เพื่อให้ทราบถึงความหลากหลายทางพันธุกรรมของลำดับเบสไมโทคอนเดรียลดีเอ็นเอของช้างไทย โดยใช้ลำดับเบสบางส่วนของ Cytochrome b และ D-loop ในการเปรียบเทียบ