

170678

ทศพร เรืองรักษ์ลิขิต : แลกติกแอนด์แบคทีเรียที่ใช้เป็นโพรงในโอดิกสำหรับปลากระพงขาว *Lates calcarifer* (LACTIC ACID BACTERIA AS PROBIOTICS IN WHITE SEABASS *Lates calcarifer*) อ. ที่ปรึกษา : วศ. ดร. สมเกียรติ ปิยะธีรวิชัย, อ.ที่ปรึกษาร่วม : วศ. ดร. ศิริรัตน์ เรืองพิพัฒน์ 165 หน้า. ISBN 974-17-6477-4.

แยกแลกติกแอนด์แบคทีเรียจากทางเดินอาหารของปลากระพงขาว เพื่อคัดเลือกแบคทีเรียที่มีสมบัติเป็นโพรงในโอดิก ด้วยเทคนิค well agar diffusion พบ 5 ไอโซเลต (กำหนดให้เป็น LAB-1 - LAB-5) ที่สามารถยับยั้งการเจริญของ *Aeromonas hydrophila* แบคทีเรียก่อโรคในปลาได้ ผลการวิเคราะห์ ปริมาณองค์ประกอบในอาหารผสมแบบเบี้ยง พบว่า ในอาหารมีปริมาณสารอาหารต่างๆเพียงพอ กับความต้องการของปลากระพงขาว ยกเว้นปริมาณไขมันที่ต่ำเกินไป ความเข้มข้นของ *A. hydrophila* ที่ทำให้ปลาตาย 50 เปอร์เซ็นต์ (LC_{50}) หลังจากที่ปลาได้รับเชื้อแล้ว 72 ชั่วโมง มีค่าเท่ากับ $7.76 \log_{10}$ เชลล์/มิลลิลิตร และที่ 96 และ 120 ชั่วโมง มีค่าเท่ากับ 7.47 และ $7.26 \log_{10}$ เชลล์/มิลลิลิตร ตามลำดับ นำอาหารที่เตรียมได้ไปเลี้ยงปลากระพงขาวในตู้กระจก โดยผสมอาหารกับแต่ละไอโซเลตที่คัดแยกได้ให้มีความเข้มข้น 10^5 เชลล์/กรัมอาหาร พบว่า มีเพียง LAB-4 เท่านั้น ที่มีความสามารถในการเสริมการเจริญเติบโตของปลาและต้านโรคที่เกิดจาก *A. hydrophila* ได้อย่างมีนัยสำคัญ ($p<0.05$) เมื่อทำการเลี้ยงปลากระพงขาวในกระชังโดยใช้ LAB-4 ผสมในอาหารปลาโดยใช้ความเข้มข้น 10^5 และ 10^7 เชลล์/กรัมอาหาร พบว่า ทุกกลุ่มทดลองมีอัตราการรอดชีวิต การเจริญเติบโตและความสามารถในการต้านโรคที่เกิดจาก *A. hydrophila* ไม่แตกต่างกันอย่างมีนัยสำคัญ ($p>0.05$) สามารถตรวจพบ LAB-4 ในลำไส้ของปลากระพงขาวทั้ง 2 กลุ่ม ทดลอง และไม่พบ LAB-4 ในกลุ่มควบคุม ปลากระพงขาวที่ตายหลังจากการเนื้อยาน้ำให้เกิดโรคด้วย *A. hydrophila* แสดงวิเคราะห์ของโรคอย่างชัดเจนและสามารถตรวจพบ *A. hydrophila* ในเนื้อยาน้ำของปลาที่ตายด้วยเทคนิคทาง Immunohistochemistry พิสูจน์เอกลักษณ์ของ LAB-4 ด้วยการตรวจสอบฐานร่องลักษณะ ปริมาณกรดแลกติกด้วยเทคนิค HPLC และสมบัติทางประการทางชีวเคมี รวมทั้งการหาลำดับนิวคลีโอไทด์บริเวณ 16S rDNA เพื่อใช้เทียบเคียงกับลำดับนิวคลีโอไทด์บริเวณ 16S rDNA ของ *Weissella confusa* ที่มีรายงานใน Genbank พบว่า ลำดับนิวคลีโอไทด์ของ LAB-4 มีความใกล้เคียงกับ *Weissella* sp.

สาขาวิชา.....เทคโนโลยีชีวภาพ.....ลายมือชื่อนิสิต.....
ปีการศึกษา.....2547.....ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา.....
ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม.....

KEY WORD: LACTIC ACID BACTERIA / PROBIOTICS / WHITE SEABASS *Lates calcarifer*

THOSAPORN RUEANGRUKLIKHIT : LACTIC ACID BACTERIA AS PROBIOTICS
IN WHITE SEABASS *Lates calcarifer*. THESIS ADVISOR : ASSOC. PROF. SOMKIAT
PIYATIRATITIVORAKUL, Ph.D., THESIS-COADVISOR : ASSOC. PROF. SIRIRAT
RENGPIPAT, Ph.D., 165 pp. ISBN 974-17-6477-4.

Lactic acid bacteria were screened from gastrointestinal tract (GI tract) of white seabass in order to investigate the possibility of being probiotics. Using well agar diffusion technique, five isolates(designated as LAB-1 – LAB-5) were found and could inhibit *Aeromonas hydrophila*, a causative agent in white seabass *in vitro*. Proximate analysis of prepared fish feed reached the nutrient requirement for white seabass growth, only lipid was low. Median lethal concentration(LC_{50}) of *A. hydrophila* in white seabass were tested at 7.76, 7.47 and 7.26 \log_{10} cells/ml for 72, 96 and 120 hours, respectively. Culturing white seabass in aquarium with individual LAB at the concentration of 10^7 cells/g feed were tested. Only LAB-4 could grow and resist to *A. hydrophila* infection better than those of the control group ($p<0.05$). White seabass cultured in net cages with LAB-4 feed at two different doses (10^5 and 10^7 cells/g) did not show any significant difference on growth, survival and *A. hydrophila*'s resistance as compared to those results from the control group ($p>0.05$). Under scanning electron microscopic examination showed LAB-4 adherence on fish intestines' surface in both LAB-4 treatment groups while no detection in control group. Confirmation of *A. hydrophila* challenge on white seabass was performed by observing disease manifestation and immunohistochemistry technique. After examination of morphology, biochemical test, lactic acid determination by HPLC from LAB-4 broth culture, including 16S rDNA sequencing ($E=0.0$ and 99% homology with 16S rDNA of *Weissella confusa*, Genbank), LAB-4 was identified as *Weissella* sp.

Field of study.....Biotechnology.....Student's signature.....*Jiraporn*
Academic year.....2004.....Advisor's signature.....*Surinat Neesadap*
Co-advisor's signature.....*Arinrat Yodpitak*