

## บทที่ 5

### สรุปและวิจารณ์ผลการวิจัย

#### 1. สรุปผลการวิจัย

##### 1.1 พันธุศาสตร์เซลล์ของค้างแวนถิ่นใต้ด้วยเทคนิคการย้อมแถบสีแบบจี

การศึกษาจำนวนและรูปร่างโครโมโซมของค้างแวนถิ่นใต้ พบว่าค้างแวนถิ่นใต้ทั้งเพศผู้และเพศเมียมีจำนวนโครโมโซมดิพลอยด์เท่ากับ 44 แท่ง และมีจำนวนโครโมโซมพื้นฐานเท่ากับ 88 ทั้งในเพศผู้และเพศเมีย โครโมโซมคู่ที่ 19 เป็นโครโมโซมเครื่องหมาย โดยมีรอยคอดที่สองที่อยู่บนแขนข้างยาวของโครโมโซมคู่ที่ 19 โครโมโซมร่างกายประกอบด้วยโครโมโซมชนิดเมทาเซนทริก 22 แท่ง ซับเมทาเซนทริก 18 แท่ง และอะโครเซนทริก 2 แท่ง โครโมโซมเพศประกอบด้วยโครโมโซมเอ็กซ์เป็นชนิดเมทาเซนทริก และโครโมโซมวายเป็นชนิดซับเมทาเซนทริก

##### 1.2 การศึกษาพันธุศาสตร์เซลล์ของค้างแวนถิ่นใต้ด้วยเทคนิค fluorescence *in situ*

###### hybridization (FISH)

การศึกษาจำนวนและรูปร่างโครโมโซมของค้างแวนถิ่นใต้เปรียบเทียบกับมนุษย์ พบว่าจำนวนโครโมโซมดิพลอยด์ของค้างแวนถิ่นใต้เท่ากับ 44 แท่ง ซึ่งน้อยกว่าจำนวนโครโมโซมดิพลอยด์ของมนุษย์อยู่ 2 แท่ง คือ เท่ากับ 46 แท่ง โดยสามารถอธิบายได้ว่าโครโมโซมของค้างแวนถิ่นใต้มีการจัดเรียงตัวใหม่ ซึ่งเกิดขึ้นในช่วงวิวัฒนาการของบรรพบุรุษร่วมกันของมนุษย์ โดยที่โครโมโซมคู่ที่ 14 กับ 15 และ 21 กับ 22 ของมนุษย์ซึ่งเป็นโครโมโซมชนิดอะโครเซนทริกเกิดการรวมตัวกัน 2 คู่ ซึ่งเหมือนกับโครโมโซมคู่ที่ 5 และ 19 ของค้างแวนถิ่นใต้ ทำให้โครโมโซมจากจำนวน 46 แท่ง ลดลงเหลือ 42 แท่ง และโครโมโซมคู่ที่ 2 ของมนุษย์เกิดการแยกตัวกัน 1 คู่ ซึ่งเหมือนกับโครโมโซมคู่ที่ 7 และ 14 ของค้างแวนถิ่นใต้ ทำให้จำนวนโครโมโซมดิพลอยด์ของค้างแวนถิ่นใต้เท่ากับ 44 แท่ง นอกจากนี้โครโมโซมของค้างแวนถิ่นใต้คู่ที่ 10 กับ 16 และ คู่ที่ 6 กับ 8 ยังเกิดกระบวนการแลกเปลี่ยนชิ้นส่วนของโครโมโซมที่ไม่ใช่โครโมโซมคู่เหมือน และเกิดการต่อสลับแบบมีเซนโทรเมียร์ร่วมด้วยเฉพาะในโครโมโซมคู่ที่ 8 ของค้างแวนถิ่นใต้เมื่อเปรียบเทียบกับมนุษย์ แต่ทั้งนี้กระบวนการเหล่านี้เป็นเพียงวิวัฒนาการของโครโมโซมของสิ่งมีชีวิต ซึ่งมีได้หมายความว่ามนุษย์เป็นบรรพบุรุษของค้างแวนถิ่นใต้ หรือในทางตรงข้ามค้างแวนถิ่นใต้เป็นบรรพบุรุษของมนุษย์ แต่ถ้าพิจารณาจากองค์ประกอบของลำดับเบสในจีโนมจะพบว่า ค้างแวน

ถิ่นใต้และมนุษย์มีการอนุรักษ์ทางพันธุกรรมสูงมาก เนื่องจากเกิดการเปลี่ยนแปลงในระดับโครโมโซมของโครโมโซมเพียงไม่กี่คู่ โดยจะเห็นได้จากผลการศึกษาโดยเทคนิค FISH ซึ่งพบว่า โพรบโครโมโซมของมนุษย์ที่ใช้ศึกษาสามารถไฮบริไดซ์กับโครโมโซมของค้างแวนใต้ได้ทุกโพรบ และโพรบโครโมโซมของมนุษย์สามารถไฮบริไดซ์กับโครโมโซมของค้างแวนถิ่นใต้ได้ตลอดทั้งแท่งหรือเกือบทั้งแท่งของโครโมโซม มีเพียงบางโพรบโครโมโซมของมนุษย์ที่ไฮบริไดซ์ได้เพียงบางส่วน หรือจับกับโครโมโซมของค้างแวนถิ่นใต้คู่เดียวกัน (โครโมโซมคู่ที่ 14 กับ 15 และ 21 กับ 22 ของค้างแวนถิ่นใต้) หรือสองคู่ในโพรบชนิดเดียวกัน (โครโมโซมคู่ที่ 6 กับ 8 และ 10 กับ 16 ของค้างแวนถิ่นใต้)

## 2. วิจารณ์ผลการวิจัย

### 2.1 การเปรียบเทียบพันธุศาสตร์เซลล์ของค้างแวนถิ่นใต้กับสัตว์วงศ์ย่อย Colobinae ชนิดอื่น ๆ

การศึกษาครั้งนี้ใช้รูปแบบการจัดคาริโอไทป์ตามวิธีการของ อมรา คัมภีรานนท์ (2540) พบว่าค้างแวนถิ่นใต้มีจำนวนโครโมโซม  $2n$  เท่ากับ 44 แท่ง และมีจำนวนโครโมโซมพื้นฐานเท่ากับ 88 ทั้งในเพศผู้และเพศเมีย ซึ่งเท่ากับจำนวนโครโมโซมและจำนวนโครโมโซมพื้นฐานของค้างแอฟริกา ค้างเทา ค้างหัวมงกุฎ ค้างแวนถิ่นเหนือ ค้างแวนถิ่นใต้ และค้างห้าสี ยกเว้นลิงวงวง (proboscis monkey) ซึ่งมีจำนวนโครโมโซม  $2n$  เท่ากับ 48 แท่ง และมีจำนวนโครโมโซมพื้นฐานเท่ากับ 96 ซึ่งจัดได้ว่าเป็นสัตว์ในวงศ์ค้างที่มีลักษณะล้ำหลังที่สุดในด้านวิวัฒนาการของโครโมโซม (Hsu and Benirschke, 1971; Bigoni et al., 1997a, 1997b; Nie et al., 1998; Bigoni et al., 2003, 2004)

โครโมโซมร่างกายของค้างแวนถิ่นใต้ประกอบด้วยโครโมโซมชนิดเมทาเซนทริก 22 แท่ง ซับเมทาเซนทริก 18 แท่ง และอะโครเซนทริก 2 แท่ง ซึ่งแตกต่างกับโครโมโซมร่างกายของค้างชนิดอื่น ได้แก่ ค้างแอฟริกาที่รายงานเฉพาะชนิดของโครโมโซมโดยมีโครโมโซมร่างกายชนิดเมทาเซนทริก และซับเมทาเซนทริก (Bigoni et al., 1997b) ค้างเทามีโครโมโซมร่างกายชนิดเมทาเซนทริก ซับเมทาเซนทริก และอะโครเซนทริกที่เล็กที่สุด 2 แท่ง (Bigoni et al., 1997a) ค้างหัวมงกุฎและค้างแวนถิ่นเหนือมีโครโมโซมร่างกายชนิดเมทาเซนทริก 22 แท่ง ซับเมทาเซนทริก 18 แท่ง และอะโครเซนทริก 2 แท่ง (Nie et al., 1998) ค้างแวนถิ่นใต้มีโครโมโซมร่างกายชนิดเมทาเซนทริก และซับเมทาเซนทริก รวม 40 แท่ง และชนิดอะโครเซนทริก 2 แท่ง (Hsu and Benirschke, 1971) ค้างห้าสีมีโครโมโซมร่างกายชนิดเมทาเซนทริกและซับเมทาเซนทริก

(Bigoni et al., 2004) ลิงวงมีโครโมโซมร่างกายชนิดเมทาเซนทริกและซับเมทาเซนทริก (Bigoni et al., 2003)

โครโมโซมเพศของค้างแวนถิ่นใต้ประกอบด้วยโครโมโซมเอ็กซ์ชนิดเมทาเซนทริก และโครโมโซมวายชนิดเมทาเซนทริกเช่นกัน ซึ่งแตกต่างจากโครโมโซมเพศของค้างชนิดอื่น ได้แก่ ค้างแอฟริกาที่มีโครโมโซมเพศเอ็กซ์ชนิดเมทาเซนทริก และโครโมโซมเพศวายชนิดซับเมทาเซนทริก (Bigoni et al., 1997b) ค้างเทาเพศผู้มีระบบโครโมโซมเพศเป็น  $X_1X_2/Y_1Y_2$  โดยโครโมโซมเพศเอ็กซ์เป็นชนิดเมทาเซนทริกทั้งสองแท่ง ส่วนโครโมโซมเพศวายหนึ่ง ( $Y_1$ ) เป็นชนิดอะโครเซนทริก และโครโมโซมเพศวายสอง ( $Y_2$ ) เป็นชนิดเมทาเซนทริก ค้างเทาเพศเมียมีโครโมโซมเพศเอ็กซ์ทั้งสองแท่งเป็นชนิดเมทาเซนทริก (Bigoni et al., 1997a) ค้างห้วงงูและค้างแวนถิ่นเหนือเพศเมียมีโครโมโซมเพศเอ็กซ์เป็นชนิดซับเมทาเซนทริก (Nie et al., 1998) ค้างแวนถิ่นใต้มีโครโมโซมเพศเอ็กซ์และโครโมโซมเพศวายชนิดซับเมทาเซนทริก (Hsu and Benirschke, 1971) ค้างห้าสีมีโครโมโซมเพศเอ็กซ์เป็นชนิดเมทาเซนทริก และโครโมโซมเพศวายชนิดอะโครเซนทริก (Bigoni et al., 2004) ลิงวงมีโครโมโซมเพศเอ็กซ์ชนิดเมทาเซนทริก และโครโมโซมเพศวายชนิดซับเมทาเซนทริก (Bigoni et al., 2003)

โครโมโซมเครื่องหมายที่เรียกว่า “นอร์” ของค้างแวนถิ่นใต้ คือ โครโมโซมคู่ที่ 19 ชนิดซับเมทาเซนทริก ซึ่งแตกต่างจากค้างชนิดอื่น ได้แก่ ค้างเทาที่มีโครโมโซมคู่ที่ 15 ชนิดซับเมทาเซนทริกเป็นโครโมโซมเครื่องหมาย (Bigoni et al., 1997a) ค้างแอฟริกาที่มีโครโมโซมคู่ที่ 16 ชนิดซับเมทาเซนทริกเป็นโครโมโซมเครื่องหมาย (Bigoni et al., 1997b) ค้างห้วงงู ค้างแวนถิ่นเหนือ และค้างห้าสีมีโครโมโซมคู่ที่ 21 ชนิดซับเมทาเซนทริกเป็นโครโมโซมเครื่องหมาย (Nie et al., 1998; Bigoni et al., 2004) ลิงวงมีโครโมโซมคู่ที่ 14 ชนิดซับเมทาเซนทริกเป็นโครโมโซมเครื่องหมาย (Bigoni et al., 2003)

## 2.2 การเปรียบเทียบการศึกษาพันธุศาสตร์โมเลกุลของค้างแวนถิ่นใต้กับสัตว์วงศ์ย่อย Colobinae ชนิดอื่น ๆ

### 2.2.1 โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 1

จากผลการศึกษาโดยเทคนิค FISH พบว่าโพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 1 สามารถไฮบริไดซ์หรือจับกับโครโมโซมของค้างแวนถิ่นใต้คู่ที่ 6 และ 8 ได้ ซึ่งเหมือนกันกับค้างเทาจากรายงานของ Bigoni et al. (1997a) แต่แตกต่างจากค้างชนิดอื่นโดยที่โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 1 ไฮบริไดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 5 และ 13 ของค้างแอฟริกา (Bigoni et al., 1997b) ไฮบริไดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 4 และ 5 ของค้างห้วงงูและค้างแวนถิ่นเหนือ (Nie et al., 1998)

ไฮบริดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 5 และ 6 ของลิงวง (Bigoni et al., 2003) ไฮบริดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 8 และ 9 ของค้างห้าสี (Bigoni et al., 2004)

#### 2.2.2 โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 2

จากผลการศึกษาทางเทคนิค FISH พบว่าโพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 2 สามารถไฮบริดซ์กับโครโมโซมของค้างแวนถิ่นใต้คู่ที่ 7 และ 14 ได้ทั้งแท่ง แต่แตกต่างจากค้างชนิดอื่น โดยที่โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 2 ไฮบริดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 11 และ 17 ของค้างเทา (Bigoni et al., 1997a) ไฮบริดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 8 และ 17 ของค้างแอฟริกา (Bigoni et al., 1997b) ไฮบริดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 14 และ 19 ของค้างห้วงมกฏและค้างแวนถิ่นเหนือ (Nie et al., 1998) ไฮบริดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 8 และ 13 ของลิงวง (Bigoni et al., 2003) ไฮบริดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 12 และ 13 ของค้างห้าสี (Bigoni et al., 2004)

#### 2.2.3 โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 3

โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 3 สามารถไฮบริดซ์กับโครโมโซมของค้างแวนถิ่นใต้คู่ที่ 1 ได้ทั้งแท่ง ซึ่งเหมือนกันกับค้างชนิดอื่น ได้แก่ ค้างห้วงมกฏและค้างแวนถิ่นเหนือ (Nie et al., 1998) ลิงวง (Bigoni et al., 2003) และค้างห้าสี (Bigoni et al., 2004) แต่แตกต่างจากค้างชนิดอื่น โดยที่โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 3 ไฮบริดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 2 ของค้างเทา (Bigoni et al., 1997a) ไฮบริดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 12 และ 18 ของค้างแอฟริกา (Bigoni et al., 1997b)

#### 2.2.4 โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 4

โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 4 สามารถไฮบริดซ์กับโครโมโซมของค้างแวนถิ่นใต้คู่ที่ 3 ได้ทั้งแท่ง ซึ่งเหมือนกันกับค้างเทา (Bigoni et al., 1997a) ค้างห้วงมกฏ และค้างแวนถิ่นเหนือ (Nie et al., 1998) แต่แตกต่างจากค้างชนิดอื่น โดยที่โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 4 ไฮบริดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 1 ของค้างแอฟริกา (Bigoni et al., 1997b) โครโมโซมคู่ที่ 2 ของลิงวง (Bigoni et al., 2003) และโครโมโซมคู่ที่ 7 ของค้างห้าสี (Bigoni et al., 2004)

#### 2.2.5 โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 5

โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 5 สามารถไฮบริดซ์กับโครโมโซมของค้างแวนถิ่นใต้คู่ที่ 2 ได้ทั้งแท่ง ซึ่งเหมือนกันกับค้างแอฟริกา (Bigoni et al., 1997b) ค้างห้วงมกฏ และค้างแวนถิ่นเหนือ (Nie et al., 1998) แต่ต่างจากค้างชนิดอื่น โดยที่โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 5 ไฮบริดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 1 ( $X_2$ ),  $Y_1$ ,  $Y_2$  ของค้างเทา (Bigoni et al., 1997a) โครโมโซมคู่ที่ 3 ของลิงวง และค้างห้าสี (Bigoni et al., 2003, 2004)

### 2.2.6 โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 6

โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 6 สามารถไฮบริไดซ์กับโครโมโซมของค้างแวนถิ่นใต้คู่ที่ 10 และ 16 ได้ แต่แตกต่างจากค้างชนิดอื่น โดยที่โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 6 ไฮบริไดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 9 และ 16 ของค้างเทา (Bigoni et al., 1997a) โครโมโซมคู่ที่ 3 ของค้างแอฟริกา (Bigoni et al., 1997b) โครโมโซมคู่ที่ 15 และ 18 ของค้างห้วงมกฏและค้างแวนถิ่นเหนือ (Nie et al., 1998) โครโมโซมคู่ที่ 18 และ 19 ของลิงวง (Bigoni et al., 2003) และโครโมโซมคู่ที่ 2 ของค้างห้าสี (Bigoni et al., 2004)

### 2.2.7 โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 7

โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 7 สามารถไฮบริไดซ์กับโครโมโซมของค้างแวนถิ่นใต้คู่ที่ 4 ได้ทั้งแท่ง ซึ่งเหมือนกันกับค้างเทา ค้างแอฟริกา และลิงวง (Bigoni et al., 1997a, 1997b, 2003) แต่แตกต่างจากค้างชนิดอื่น โดยที่โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 7 ไฮบริไดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 11 ของค้างห้วงมกฏ และค้างแวนถิ่นเหนือ (Nie et al., 1998) โครโมโซมคู่ที่ 6 ของค้างห้าสี (Bigoni et al., 2004)

### 2.2.8 โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 8

โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 8 สามารถไฮบริไดซ์กับโครโมโซมของค้างแวนถิ่นใต้คู่ที่ 11 ได้ทั้งแท่ง แต่แตกต่างจากค้างชนิดอื่น โดยที่โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 8 ไฮบริไดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 7 ของค้างเทา (Bigoni et al., 1997a) โครโมโซมคู่ที่ 9 ของค้างแอฟริกา (Bigoni et al., 1997b) โครโมโซมคู่ที่ 13 ของค้างห้วงมกฏและค้างแวนถิ่นเหนือ (Nie et al., 1998) โครโมโซมคู่ที่ 7 ของลิงวง (Bigoni et al., 2003) และโครโมโซมคู่ที่ 5 ของค้างห้าสี (Bigoni et al., 2004)

### 2.2.9 โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 9

โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 9 สามารถไฮบริไดซ์กับโครโมโซมของค้างแวนถิ่นใต้คู่ที่ 13 ได้ทั้งแท่ง แต่แตกต่างจากค้างชนิดอื่น โดยที่โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 9 ไฮบริไดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 14 ของค้างเทา (Bigoni et al., 1997a) โครโมโซมคู่ที่ 10 ของค้างแอฟริกา (Bigoni et al., 1997b) โครโมโซมคู่ที่ 17 ของค้างห้วงมกฏและค้างแวนถิ่นเหนือ (Nie et al., 1998) โครโมโซมคู่ที่ 12 ของลิงวง (Bigoni et al., 2003) และโครโมโซมคู่ที่ 14 ของค้างห้าสี (Bigoni et al., 2004)



โครโมโซมคู่ที่ 17 และ 21 ของลิงวงว (Bigoni et al., 2003) และโครโมโซมคู่ที่ 4 ของค้างห้าสี (Bigoni et al., 2004)

#### 2.2.15 โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 16

โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 16 สามารถไฮบริไดซ์กับโครโมโซมของค้างแว่นถิ่นใต้คู่ที่ 10 และ 16 ได้ แต่แตกต่างจากค้างชนิดอื่นโดยที่โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 16 ไฮบริไดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 9 ของค้างเทา (Bigoni et al., 1997a) โครโมโซมคู่ที่ 15 ของค้างแอฟริกา (Bigoni et al., 1997b) โครโมโซมคู่ที่ 15 และ 18 ของค้างห้วยมงกุฏและค้างแว่นถิ่นเหนือ (Nie et al., 1998) โครโมโซมคู่ที่ 20 ของลิงวงว (Bigoni et al., 2003) และโครโมโซมคู่ที่ 19 ของค้างห้าสี (Bigoni et al., 2004)

#### 2.2.16 โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 17

โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 17 สามารถไฮบริไดซ์กับโครโมโซมของค้างแว่นถิ่นใต้คู่ที่ 18 ได้ทั้งแท่ง แต่แตกต่างจากค้างชนิดอื่นโดยที่โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 17 ไฮบริไดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 16 ของค้างเทา ลิงวงว และ ค้างห้าสี (Bigoni et al., 1997a, 2003, 2004) โครโมโซมคู่ที่ 11 และ 13 ของค้างแอฟริกา (Bigoni et al., 1997b) โครโมโซมคู่ที่ 7 ของค้างห้วยมงกุฏ และค้างแว่นถิ่นเหนือ (Nie et al., 1998)

#### 2.2.17 โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 18

โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 18 สามารถไฮบริไดซ์กับโครโมโซมของค้างแว่นถิ่นใต้คู่ที่ 20 ได้ทั้งแท่ง ซึ่งเหมือนกันกับค้างเทา และค้างแอฟริกา (Bigoni et al., 1997a, 1997b) แต่แตกต่างจากค้างชนิดอื่นโดยที่โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 18 ไฮบริไดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 10 ของค้างห้วยมงกุฏและค้างแว่นถิ่นเหนือ (Nie et al., 1998) โครโมโซมคู่ที่ 22 ของลิงวงว (Bigoni et al., 2003) และโครโมโซมคู่ที่ 18 ของค้างห้าสี (Bigoni et al., 2004)

#### 2.2.18 โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 19

โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 19 สามารถไฮบริไดซ์กับโครโมโซมของค้างแว่นถิ่นใต้คู่ที่ 6 และ 8 ได้ ซึ่งเหมือนกันกับค้างเทา (Bigoni et al., 1997a) แต่แตกต่างจากค้างชนิดอื่น โดยที่โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 19 ไฮบริไดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 12 และ 18 ของค้างแอฟริกา (Bigoni et al., 1997b) โครโมโซมคู่ที่ 4 และ 5 ของค้างห้วยมงกุฏและค้างแว่นถิ่นเหนือ (Nie et al., 1998) โครโมโซมคู่ที่ 5 และ 6 ของลิงวงว (Bigoni et al., 2003) และโครโมโซมคู่ที่ 8 และ 10 ของค้างห้าสี (Bigoni et al., 2004)

### 2.2.19 โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 20

โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 20 สามารถไฮบริดซ์กับโครโมโซมของค้างแว่นถิ่นใต้คู่ที่ 21 ได้ทั้งแท่ง ซึ่งเหมือนกันกับค้างเทา และค้างแอฟริกา (Bigoni et al., 1997a, 1997b) แต่แตกต่างจากค้างชนิดอื่น โดยที่โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 20 ไฮบริดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 20 ของค้างห้วมงกุฏและค้างแว่นถิ่นเหนือ (Nie et al., 1998) โครโมโซมคู่ที่ 23 ของลิงวง (Bigoni et al., 2003) และ โครโมโซมคู่ที่ 20 ของค้างห้าสี (Bigoni et al., 2004)

### 2.2.20 โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 21 และ 22

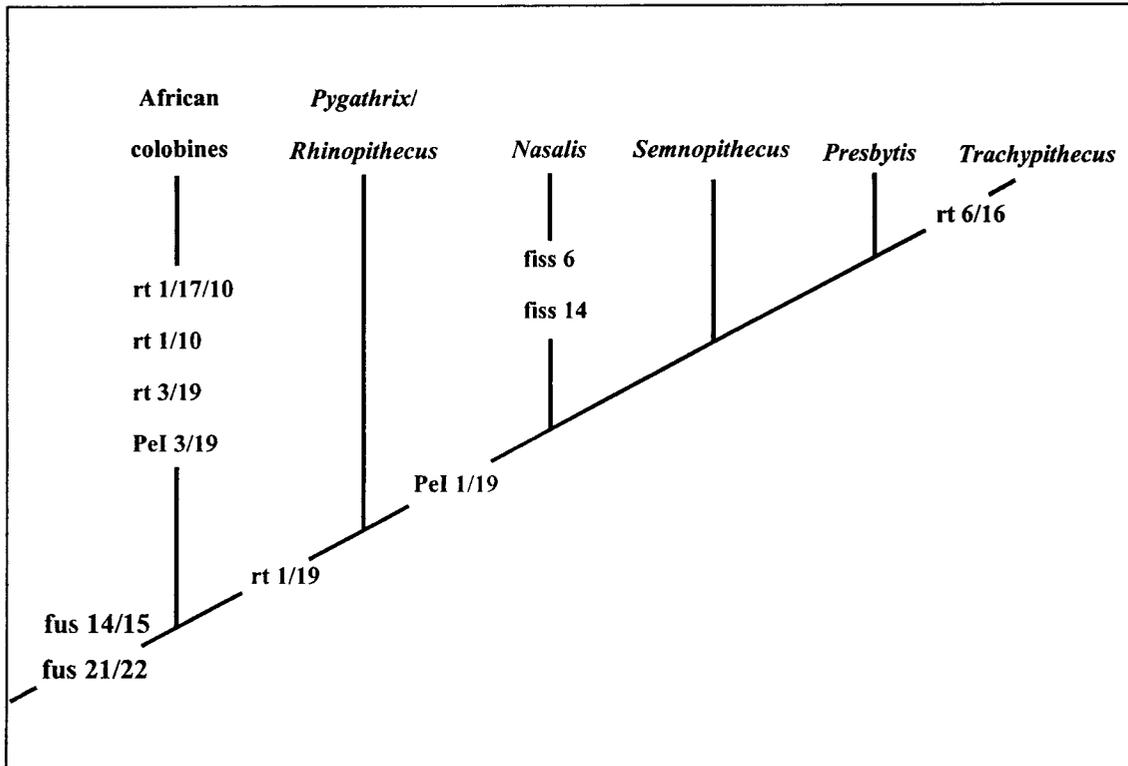
โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 21 และ 22 สามารถไฮบริดซ์กับโครโมโซมของค้างแว่นถิ่นใต้คู่ที่ 19 ได้ แต่แตกต่างจากค้างชนิดอื่น โดยที่โพรบโครโมโซมของมนุษย์คู่ที่ 21 และ 22 ไฮบริดซ์กับโครโมโซมคู่ที่ 15 ของค้างเทา (Bigoni et al., 1997a) โครโมโซมคู่ที่ 16 ของค้างแอฟริกา (Bigoni et al., 1997b) โครโมโซมคู่ที่ 21 ของค้างห้วมงกุฏและค้างแว่นถิ่นเหนือ (Nie et al., 1998) โครโมโซมคู่ที่ 14 ของลิงวง (Bigoni et al., 2003) และโครโมโซมคู่ที่ 21 ของค้างห้าสี (Bigoni et al., 2004)

### 2.2.21 โพรบโครโมโซมเพศ X และ Y ของมนุษย์

โพรบโครโมโซมเพศ X และ Y ของมนุษย์ สามารถไฮบริดซ์กับโครโมโซมเพศ X และ Y ของค้างแว่นถิ่นใต้ได้ทั้งแท่ง ซึ่งเหมือนกันกับค้างชนิดอื่น ได้แก่ ค้างแอฟริกา (Bigoni et al., 1997b) ค้างห้วมงกุฏ และค้างแว่นถิ่นเหนือ (รายงานเฉพาะโครโมโซม X) (Nie et al., 1998) ลิงวง และค้างห้าสี (Bigoni et al., 2003, 2004) แต่แตกต่างจากค้างเทาที่รายงานโดย Bigoni et al. (1997a) โดยที่โพรบโครโมโซมเพศ X และ Y ของมนุษย์ สามารถจับกับโครโมโซมเพศ  $X_1$ ,  $Y_1$  และ  $Y_2$  ของค้างเทาได้

### 2.3 การเปรียบเทียบโครโมโซมทางพันธุศาสตร์โมเลกุลของค้างแวนถิ่นใต้กับโครโมโซมของค้างชนิดอื่นในวงศ์ย่อย Colobinae โดยยึดโครโมโซมมนุษย์เป็นหลักในการเปรียบเทียบ

จากผลการศึกษาทางพันธุศาสตร์โมเลกุล โดยเทคนิค FISH ซึ่งใช้โพรบโครโมโซมของมนุษย์ทั้ง 22 คู่ รวมโครโมโซมเพศเอ็กซ์และวายไฮบริไดซ์กับโครโมโซมของค้างแวนถิ่นใต้ในรายงานการศึกษาของ Bigoni et al. (1997a, 1997b, 2003, 2004) และ Nie et al. (1998) พบว่ามีรูปแบบของการไฮบริไดเซชันที่แตกต่างกับค้างชนิดอื่นในวงศ์ย่อย colobinae อยู่ไม่มากนัก ในทางตรงกันข้ามก็มีรูปแบบของการไฮบริไดเซชันที่เหมือนกับค้างชนิดอื่น ๆ ในวงศ์ย่อยนี้ แต่ทั้งนี้ไม่สามารถที่จะบ่งชี้ได้แน่ชัดว่าค้างสกุลใดในวงศ์ย่อยนี้มีความใกล้เคียงกันมาก หรือน้อยทางสายวิวัฒนาการ แต่สามารถสรุปได้จากผลการศึกษาทางพันธุศาสตร์โมเลกุล โดยเทคนิค FISH ซึ่งใช้โพรบโครโมโซมของมนุษย์ทั้ง 22 คู่ รวมโครโมโซมเพศเอ็กซ์และวายเป็นหลักในการศึกษาเปรียบเทียบโครโมโซมของค้างในวงศ์ย่อยนี้ แสดงในภาพที่ 31 และสามารถอธิบายในเชิงวิวัฒนาการของโครโมโซมได้ว่า ค้างในวงศ์ย่อย colobinae ที่มีลักษณะโบราณ (primitive) มากที่สุด คือ ลิงวง สังกัดได้จากลิงวงมีโครโมโซมดิพลอยด์เท่ากับ 48 แห่ง ซึ่งโดยปกติค้างในวงศ์ย่อยนี้จะมีโครโมโซมดิพลอยด์เท่ากับ 44 แห่ง แต่เนื่องจากมีโครโมโซมที่เกิดการแยกกันสองคู่ ซึ่งเป็นโครโมโซมคู่ที่ 6 และ 14 ของบรรพบุรุษเดิม แสดงในภาพที่ 31 ทำให้ลิงวงมีโครโมโซมดิพลอยด์เป็น 48 แห่ง ส่วนค้างที่มีการเปลี่ยนแปลงทางโครโมโซมไปจากบรรพบุรุษเดิมมากที่สุดคือ ค้างแอฟริกา เนื่องจากค้างแอฟริกามีการเกิดการแลกเปลี่ยนชิ้นส่วนของโครโมโซมที่ไม่ใช่โครโมโซมคู่เหมือน มากกว่าค้างชนิดอื่น ๆ แสดงในภาพที่ 31 ค้างที่มีการเปลี่ยนแปลงทางโครโมโซมน้อยที่สุดจากบรรพบุรุษเดิม คือ ค้างห้าสี เนื่องจากมีเฉพาะการเกิดกระบวนการแลกเปลี่ยนชิ้นส่วนของโครโมโซมที่ไม่ใช่โครโมโซมคู่เหมือนในโครโมโซมคู่ที่ 1 และ 19 ของบรรพบุรุษเดิมนั้น แต่ไม่มีการเปลี่ยนแปลงของโครโมโซมแบบต่อสลับแบบมีเซน โทรมีเยร์ร่วมด้วยเหมือนค้างในสกุล *Semnopithecus*, *Presbytis* และ *Trachypithecus* แสดงในภาพที่ 31



ภาพที่ 31 Phylogenetic tree ของค้างในวงศ์ย่อย Colobinae แสดงการจัดเรียงตัวของโครโมโซมที่เป็นเอกลักษณ์ทางลักษณะคาริโอไทป์ของแต่ละสกุลในเชิงวิวัฒนาการ (PeI = pericentric inversion; rt = reciprocal translocation; fus = fusion; fission) (ที่มา: คัดแปลงจาก Bigoni et al., 2003)

#### 2.4 วิวัฒนาการของโครโมโซมที่เกิดขึ้นระหว่างมนุษย์ถึงขนาดใหญ่ไม่มีหาง และถึงโลกเก่า

คาริโอไทป์ของมนุษย์มีความใกล้เคียงกันมากกับสัตว์ที่อยู่ในวงศ์ Pongidae ได้แก่ ชิมแพนซี (chimpanzee) กอริลลา (gorilla) และอูรังอุตัง (orangutan) แต่ก็ยังมีข้อแตกต่างเล็กน้อยอยู่ในเรื่องของจำนวนโครโมโซม ซึ่งเกิดจากการเรียงตัวใหม่ของโครโมโซม (chromosomes rearrangement) เช่น การต่อสลับแบบมีเซนโทรมีร์ร่วมด้วย และการรวมตัวกันของโครโมโซม 1 คู่ ทำให้โครโมโซมจากเดิมที่มี 48 แห่ง ของสัตว์ในวงศ์ Pongidae ลดลงเหลือ 46 แห่ง ในมนุษย์

Dutrillaux et al. (1973, 1975, 1979) ได้ทำการจัดสายวิวัฒนาการของโครโมโซมใหม่ในสัตว์อันดับไพรเมท (order primate) โดยทำการเปรียบเทียบความสัมพันธ์ใหม่กับชนิดที่มีความห่างไกลกันทางสายวิวัฒนาการ ดังนั้นจึงต้องย้อนกลับไปเริ่มใหม่ตั้งแต่บรรพบุรุษร่วมกัน ทางสายวิวัฒนาการ คือ วงศ์ Pongidae, มหาวงศ์ (super family) Cercopithecoidea, อันดับล่าง (infraorder)

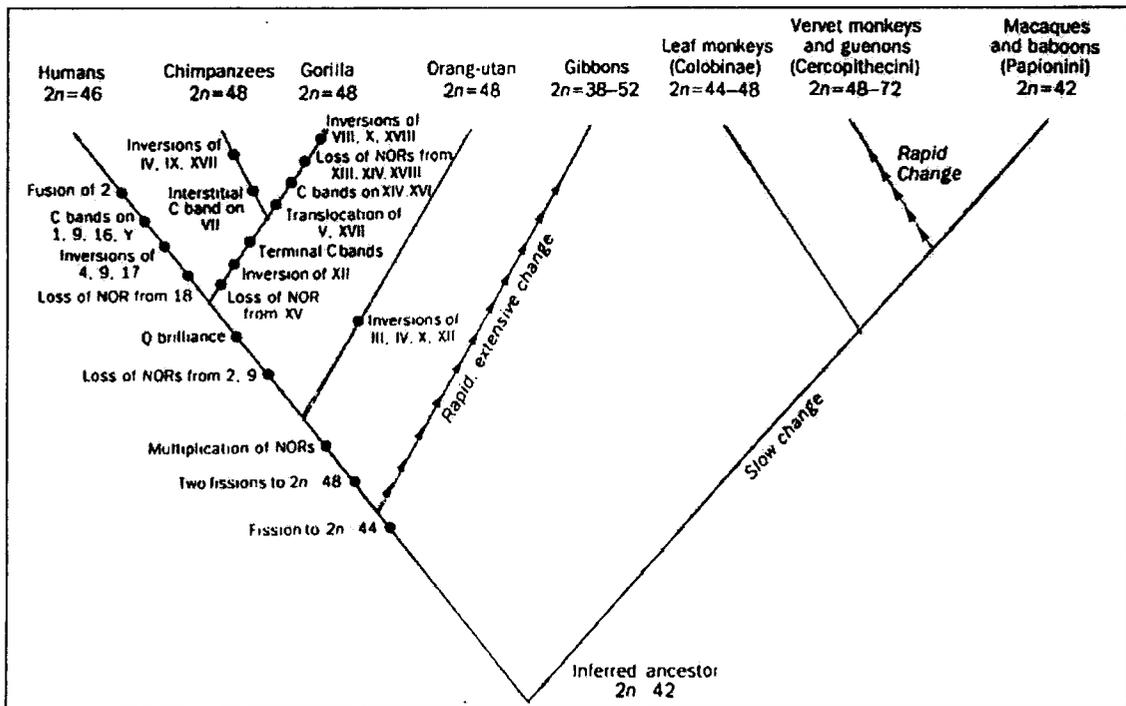
Catarrhini, อันดับล่าง Platyrrhini, อันดับย่อย (suborder) Prosimii และสุดท้าย คือ บรรพบุรุษร่วมกันของไพรเมตทุกชนิด แสดงในตารางที่ 2

Suborder	Infraorder	Superfamily	Family	Subfamily	Genus	Number of species				
Prosimii	Tupaiformes	Tupaioidea	Tupauidae	Tupalinae	<i>Tupaia</i>	9				
					<i>Dendrogale</i>	2				
				Ptilocercinae	<i>Urogale</i>	1				
					<i>Ptilocercus</i>	1				
	Loriformes	Lorisoidea	Lorisidae	Galagidae	<i>Loris</i>	1				
					<i>Nycticebus</i>	2				
					<i>Arctocebus</i>	1				
					<i>Perodicticus</i>	1				
					<i>Galago</i>	6				
					<i>Lemur</i>	5				
	Lemuriformes	Lemuroidea	Lemuridae	Lemuridae	Lemurinae	<i>Haplemur</i>	2			
						<i>Lepilemur</i>	1			
					Cheirogaleinae	<i>Cheirogaleus</i>	2			
						<i>Microcebus</i>	2			
					<i>Indri</i>	1				
					<i>Avahi</i>	1				
					<i>Propithecus</i>	2				
					Tarsiiformes	Tarsioidae	Tarsiidae	Tarsiidae	<i>Daubentonia</i>	1
									<i>Tarsius</i>	3
									<i>Callithrix</i>	3
Callithricidae	<i>Leontideus</i>	3								
	<i>Cebuella</i>	1								
Callimiconinae	<i>Callimico</i>	1								
	<i>Aotus</i>	1								
Platyrrhini	Platyrrhini	Cebidae	Cebidae	Aotinae					<i>Brachyteles</i>	1
									<i>Callicebus</i>	3
				Pitheciinae					<i>Pithecia</i>	2
					<i>Chiropotes</i>	2				
				Alouattinae	<i>Cacajao</i>	3				
					<i>Alouatta</i>	5				
				Cebinae	<i>Saimiri</i>	2				
					<i>Cebus</i>	4				
				Atelinae	<i>Ateles</i>	4				
					<i>Lagothrix</i>	2				
<i>Macaca</i>	13									
<i>Cercocebus</i>	5									
Anthropoidea	Anthropoidea	Cercopithecoidea	Cercopithecoidea	Papiinae	<i>Papio</i>	76				
					<i>Theropithecus</i>	1				
				Cercopithecinae	<i>Cercopithecus</i>	22				
					<i>Erythrocebus</i>	1				
				<i>Presbytis</i>	14					
				<i>Pygathrix</i>	1					
				Colobidae	<i>Rhinopithecus</i>	2				
					<i>Simias</i>	1				
				Catarrhini	Catarrhini	Hominoidea	Hominoidea	Hylobatidae	<i>Nasalis</i>	1
									<i>Colobus</i>	5
Pongidae	<i>Hylobates</i>	6								
	<i>Symphalangus</i>	1								
Hominidae	<i>Pongo</i>	1								
	<i>Pan</i>	2								
<i>Gorilla</i>	1									
<i>Homo</i>	1									

ตารางที่ 2 วิวัฒนาการของสัตว์อันดับไพรเมต (order Primate) (ที่มา: Chiarelli, 1971)

สัตว์ในอันดับไพรเมท กลุ่มไซเมียนโลกเก่า ซึ่งประกอบด้วยลิงไม่มีหาง มนุษย์ และลิงโลกเก่า น่าจะมีบรรพบุรุษร่วมกันมาทางสายวิวัฒนาการ โดยที่บรรพบุรุษเดิมมีโครโมโซม  $2n=42$  แห่ง จากนั้นมีการแยกสายกันทางวิวัฒนาการ กลุ่มลิงโลกเก่าจะมีวิวัฒนาการของโครโมโซมน้อย ซึ่งมีความใกล้เคียงกับบรรพบุรุษเดิมมากที่สุด คือ ลิง (macaques) และลิงบาบูน (baboons) มีจำนวนโครโมโซม  $2n=42$  แห่ง เท่ากันกับบรรพบุรุษเดิม ซึ่งการเปลี่ยนแปลงของโครโมโซมนั้นเป็นไปอย่างช้า ๆ ส่วน *vervet monkeys* และ *guenons* แม้จะมีสายวิวัฒนาการใกล้กับพวกลิงสกุลมาคาค่า และลิงบาบูน แต่กลับมีการเปลี่ยนแปลงทางโครโมโซมอย่างมากเมื่อเปรียบเทียบกับบรรพบุรุษเดิม ซึ่งเห็นได้จากการที่มีจำนวนโครโมโซม  $2n=48-72$  ซึ่งมีการเปลี่ยนแปลงของโครโมโซมอย่างรวดเร็ว และในกลุ่มลิงที่กินใบไม้ (leaf monkeys) หรือค่างนั้นจะมีการเปลี่ยนแปลงของโครโมโซมในระดับปานกลาง ซึ่งมีจำนวนโครโมโซม  $2n=44-48$  ส่วนอีกสายหนึ่งของวิวัฒนาการที่แยกออกไปจากบรรพบุรุษเดิม คือ พวกลิงไม่มีหาง และมนุษย์

มนุษย์ ชิมแพนซี กอริลลา และอูรังอุตัง นั้นมีลักษณะของคาริโอไทป์ที่มีการเปลี่ยนแปลงไม่มากนัก เมื่อเปรียบเทียบกับบรรพบุรุษเดิม ซึ่งเห็นได้จากการที่มีจำนวนโครโมโซม  $2n=46$  ในมนุษย์ และ  $2n=48$  ใน ชิมแพนซี กอริลลา และอูรังอุตัง แต่ในด้านวิวัฒนาการของโครโมโซมนั้นมีการเปลี่ยนไปหลายขั้นตอน ซึ่งเกิดจากกระบวนการต่าง ๆ เช่น การแยกกันของโครโมโซม การรวมตัวกันของโครโมโซม การต่อสลับของโครโมโซม การสูญเสียบริเวณอร์และเฮเทอโรโครมาทินบางส่วน กระบวนการต่าง ๆ เหล่านี้เป็นอีกปัจจัยหนึ่งที่เกิดขึ้นในสายวิวัฒนาการของโครโมโซม ซึ่งทำให้สิ่งมีชีวิตเกิดความหลากหลาย และมีวิวัฒนาการแยกสายกัน ส่วนสัตว์กลุ่มลิงไม่มีหางที่มีการเปลี่ยนแปลงทางโครโมโซมมากที่สุด และซับซ้อนที่สุด คือ ชะนี โดยมีโครโมโซม  $2n=38-52$  แห่ง ซึ่งเป็นช่วงที่กว้างคล้ายกันกับกลุ่มลิงโลกเก่า ได้แก่ *vervet monkeys* และ *guenons* การเปลี่ยนแปลงนี้เกิดขึ้นอย่างซับซ้อนและรวดเร็ว โดยกระบวนการจัดเรียงตัวใหม่ของโครโมโซม การรวมตัว แยกตัวกันของโครโมโซม รวมทั้งการต่อสลับกันของโครโมโซม การแลกเปลี่ยนชิ้นส่วนของโครโมโซม แสดงในภาพที่ 32



ภาพที่ 32 วิวัฒนาการของโครโมโซมของกลุ่มไพรเมตโลกเก่าจากบรรพบุรุษร่วมกัน  
(ที่มา: Jones, 1994)