

ภาคผนวก ข.

รายละเอียดผลการทดลองการจำแนกข้อมูลชุดต่างๆ

1. ผลการจำแนกข้อมูลขอบจำกัดโครงข่าย

ตารางที่ ข.1

ตารางแสดงผลของการจำแนกข้อมูลขอบจำกัดโครงข่าย

ไฟล์ดีที	เปอร์เซ็นต์ความถูกต้อง		
	โปรแกรมตรรกะเชิงอุปนัย	กฎย่อยถ่วงน้ำหนัก	กฎกึ่งเกียจคร้าน
1	50.00	53.85	52.88
2	53.85	60.57	58.65
3	50.96	51.92	59.62
4	53.85	53.85	56.73
5	51.92	52.88	52.88
ค่าเฉลี่ย	52.12	54.62	56.15
ค่าเบี่ยงเบน มาตรฐาน	1.72	3.43	3.16
ค่าสถิติที	0.018	0.212	

2. ผลการจำแนกข้อมูลความสามารถก่อกลายพันธุ์ของโมเลกุล

ตารางที่ ข.2

ตารางแสดงผลของการจำแนกข้อมูลความสามารถก่อกลายพันธุ์ของโมเลกุล

ไฟล์ที่	เปอร์เซ็นต์ความถูกต้อง		
	โปรแกรมตรวจหาเชื้อจุลินทรีย์	กฎย่อยถ่วงน้ำหนัก	กฎที่เกี่ยวข้อง
1	78.38	83.78	83.78
2	70.27	75.68	75.68
3	75.68	72.97	72.97
4	81.08	86.49	81.08
5	81.08	81.08	89.19
ค่าเฉลี่ย	77.29	80.00	80.54
ค่าเบี่ยงเบนมาตรฐาน	4.52	5.6	6.45
ค่าสถิติที่	0.088	0.407	

3. ผลการจำแนกข้อมูลการก่อมะเร็ง

ตารางที่ ๗.3

ตารางแสดงผลการจำแนกข้อมูลการก่อมะเร็ง

ไฟล์ที่	เปอร์เซ็นต์ความถูกต้อง		
	โปรแกรมตรวจเชิงอุปนัย	กฎย่อยถ่วงน้ำหนัก	กฎกึ่งเกียจคร้าน
1	53.33	55	51.67
2	43.33	48.33	48.33
3	46.67	46.66	48.33
4	50	53.33	55
5	50	50	53.33
ค่าเฉลี่ย	48.67	50.67	51.33
ค่าเบี่ยงเบน มาตรฐาน	3.8	3.46	2.98
ค่าสถิติที	0.049	0.29	