

ภาคผนวก

ชุดคำสั่งสำหรับประมาณค่าพารามิเตอร์ทางพันธุกรรม

DATAFILE

reDat.prn

NUMBER_OF_TRAITS

1

NUMBER_OF_EFFECTS

8

OBSERVATION(S)

7

WEIGHT(S)

EFFECTS: POSITIONS_IN_DATAFILE NUMBER_OF_LEVELS TYPE_OF_EFFECTS

1 899 cross

2 50 cross

3 6 cross

6 13975 cross

8 13975 cov 6

6 13975 cross

8 13975 cov 6

8 1 cov

RANDOM_RESIDUAL VALUES

9.86

RANDOM_GROUP

4 5

RANDOM_TYPE

add_animal

FILE

rePed.prn

(CO) VARIANCES

4.23 -0.425

-0.425 0.203

RANDOM_GROUP

6 7

RANDOM_TYPE

diagonal

FILE

(CO) VARIANCES

4.80 -0.30

-0.30 0.11

OPTION conv_crit 1d-08





คำองค์ประกอบความแปรปรวนของพันธุกรรม สภาพแวดล้อมถาวร และความคลาดเคลื่อน

REMLF90/BLUPF90-PCPAK by I.Misztal, S.Tsuruta, T.Druet and M.Duangjinda

=====
Variance Estimation
=====

Genetic variance(s) for effect:

4

G

4.40 -0.793E-01
-0.793E-01 0.286E-01

Genetic correlation(s):

CorrG

1.00 -0.223
-0.223 1.00

Genetic variance(s) for effect:

6

G

8.80 -0.505
-0.505 0.107

Genetic correlation(s):

CorrG

1.00 -0.520
-0.520 1.00

Residual variance(s):

R

9.77

Total variance(s):

22.5198

=====
Heritability Estimation
=====

Ratio of variance for effect:

4

0.1955
-0.0035
-0.0035
0.0013

Ratio of variance for effect:

6

0.3908
-0.0224
-0.0224
0.0048

=====
Likelihood
=====

-2logL = 281900.424740929 + constant
AIC = 395604.424740929 + constant
BIC = 922737.600960309 + constant