

การศึกษาพันธุศาสตร์เซลล์ของสัตว์วงศ์เสือ 6 ชนิดในประเทศไทย ได้แก่ เมวดาว เสือดาว เสือลายเมฆ เสือกระต่าย เสือไฟ และเสือป่า ใช้ตัวอย่างสัตว์จากสวนสัตว์น้ำราชสีมา และสวนสัตว์สงขลา เตรียมโครงโน้มโชนโดยการเพาะเลี้ยงเซลล์เม็ดเดือดขาว เก็บเกี่ยวเซลล์ด้วยเทคนิค โคลชิชัน-ไอโซโนนิก-ฟิกเซชั่น-แวร์คราอยิง ข้อมูลโครงโน้มโชนแบบธรรมชาติ แบบสีแบบบี และแบบสีแบบบีที่ให้รายละเอียดสูง ผลการศึกษาพบว่าเสือทั้ง 6 ชนิด มีจำนวนโครงโน้มโชนคิดพลอยด์ เท่ากับ 38 แท่ง ประกอบด้วยโครงโน้มร่างกาย 36 แท่ง และโครงโน้มเพศ 2 แท่ง เมวดาว เสือป่า และเสือลายเมฆมีจำนวนโครงโน้มพื้นฐานเท่ากับ 74 เสือกระต่าย เสือไฟ และเสือดาวมีจำนวนโครงโน้มพื้นฐานเท่ากับ 72 ทำการจัดการวิทยาปีโดยแบ่งโครงโน้มร่างกายออกเป็น 6 กลุ่ม และจัดโครงโน้มเพศไว้คู่สุดท้าย ประกอบด้วยกลุ่ม A เป็นโครงโน้มชนิดซับเมทาเซนตริก ขนาดใหญ่ และขนาดกลาง 6 แท่ง กลุ่ม B เป็นชนิดอะโครงเซนตريكขนาดใหญ่ และขนาดกลาง 8 แท่ง กลุ่ม C เป็นชนิดเมทาเซนตริกขนาดใหญ่ 4 แท่ง กลุ่ม D เป็นชนิดซับเมทาเซนตريكขนาดเล็ก 8 แท่ง กลุ่ม E เป็นชนิดเมทาเซนตริกขนาดเล็ก จำนวน 6-8 แท่ง กลุ่ม F เป็นชนิดเทโลเซนตريكขนาดเล็ก 2-4 แท่ง โครงโน้มอีก๗เป็นโครงโน้มชนิดซับเมทาเซนตريكขนาดกลาง ยกเว้นเสือดาว โครงโน้มอีก๗เป็นชนิดซับเมทาเซนตริกขนาดเล็ก โครงโน้มวายของเมวดาว เสือดาว เสือลายเมฆ และเสือกระต่าย เป็นโครงโน้มชนิดซับเมทาเซนตريكขนาดเล็กที่สุด และสามารถตรวจพบนอร์ ออยบันแบบข้างต้นของโครงโน้ม E1 ซึ่งเป็นโครงโน้มที่มีรอยคอดที่สอง โครงโน้มคู่ที่ใหญ่ที่สุด คือ โครงโน้มร่างกายชนิดซับเมทาเซนตริก ผลจากการศึกษาการข้อมูลแบบสีแบบบีบัน โครงโน้มระยะเมทาเฟสในเมวดาว เสือป่า เสือกระต่าย เสือไฟ เสือลายเมฆ และเสือดาว พบร่วมกัน จำนวนแบบสีเท่ากับ 183, 184, 167, 204, 178 และ 163 แบบต่อชุดโครงโน้มแพลตฟอร์ม และมีจำนวนแบบสีบันโครงโน้มระยะโปรเฟสตอนปลายเท่ากับ 236, 211, 183, 245, 222 และ 191 แบบต่อชุดโครงโน้มแพลตฟอร์มตามลำดับ เสือทั้ง 6 ชนิดมีรูปร่างและขนาดของโครงโน้มใกล้เคียงกัน และจากการเปรียบเทียบโครงโน้มของเสือทั้ง 6 ชนิดกับโครงโน้มของเมวบ้าน พบร่วมกัน โครงโน้มของเสือดาวมีลักษณะคล้ายกันกับโครงโน้มของเมวบ้านมากที่สุด

Cytogenetics of six species in the family Felidae from Nakhonrachasima and Songkhla Zoos, Thailand was studied. Blood samples were taken from animals and examined using standard lymphocyte culture technique. The cultured blood cells were investigated by the colchicine-hypotonic-fixation-air-drying technique followed by conventional staining, G-banding and high-resolution techniques. There are six species, *Prionailurus bengalensis*, *Prionailurus viverrinus*, *Felis chaus*, *Catopuma temminckii*, *Neofelis nebulosa* and *Panthera pardus*. All members of the family Felidae have the same chromosome numbers, $2n = 38$. *P. bengalensis*, *P. viverrinus* and *N. nebulosa* have a fundamental number = 74, *F. chaus*, *C. temminckii* and *P. pardus* have a fundamental number = 72. There are 6 autosome groups. The chromosomes of group A has 6 large or medium submetacentric chromosomes; group B has 8 large or medium acrocentric chromosomes; group C has 4 large metacentric chromosomes; group D has 8 small submetacentric chromosomes; group E has 6-8 small metacentric chromosomes, and group F has 2-4 small telocentric chromosomes. The X chromosomes of *P. bengalensis*, *P. viverrinus*, *F. chaus*, *C. temminckii* and *N. nebulosa* were medium submetacentric chromosomes. The X chromosome of *P. pardus* was a small submetacentric chromosome. *P. bengalensis*, *F. chaus*, *N. nebulosa* and *P. pardus* have the smallest submetacentric Y chromosomes. The results suggested that the chromosomes E1 of these species have a secondary constriction and NOR on the short arm. G-banding showed that the numbers and locations of bands in the *P. bengalensis*, *P. viverrinus*, *F. chaus*, *C. temminckii*, *N. nebulosa* and *P. pardus* were 183, 184, 167, 204, 178 and 163 bands, and those from high-resolution techniques were 236, 211, 183, 245, 222 and 191 bands respectively. The six species in the family Felidae have similar shapes and sizes of chromosomes. Comparative chromosome studies showed that *P. pardus* and *F. catus* have similar chromosome banding.