

บทที่ 1

บทนำ

ความเป็นมา และความสำคัญของปัญหา

การระบาดของโรคติดเชื้อไวรัสเอวีน อินฟลูเอน札 ชนิดรุนแรง (Highly Pathogenic Avian Influenza, HPAI) ของสัตว์ปีกในพื้นที่ประเทศไทยในปี พ.ศ. 2547 เป็นสาเหตุให้มีการทำลาย สัตว์ปีกชนิดต่างๆ มากกว่า 60 ล้านตัว และก่อให้เกิดความสูญเสียชีวิตของประชากรไทย ถึง 17 คน จากผู้ป่วยที่ยืนยันการติดเชื้อ 25 คน โรคคังกล่าวมีสาเหตุจากไวรัสอินฟลูเอน札 ชนิด A กลุ่มย่อย H5N1 เป็นไวรัสชนิดอาร์เอ็นเอ (RNA virus) ในวงศ์ Orthomyxoviridae ซึ่งสามารถจำแนกกลุ่มย่อย (subtype) ของไวรัส จากการเข้าคุ้นของไอลโคโปรตีนไฮเมกา글ูตินิน (hemagglutinin) และนิวรามินิดาส (neuraminidase) ที่ปราบภูมิเปลือกหุ้ม ปัจจุบันสามารถจำแนกออกได้ 16 ชนิด (H1-H16) และ 9 ชนิด (N1-N9) ตามลำดับ (Fouchier et al., 2005) ความรุนแรงในการก่อโรคขึ้นกับชนิดของสัตว์ สายพันธุ์ของเชื้อไวรัสและปัจจัยอื่นๆ เช่น อายุ การติดเชื้อแรกซ้อน ระดับภูมิคุ้นของสัตว์ที่ติดเชื้อ ทางที่สัตว์ได้รับเชื้อ ปริมาณของเชื้อและระยะเวลาที่สัตว์สัมผัสเชื้อ รวมทั้งปัจจัยภายนอก เช่น อุณหภูมิและปัจจัยทางสิ่งแวดล้อมที่ส่งผลให้เกิดความเครียด การเกิดโรคชนิดรุนแรงในสัตว์ปีกพบว่ามีอัตราการตายที่อาจสูงถึง 100% องค์การโรคระบาดสัตว์ระหว่างประเทศหรือ Office International des Epizooties (OIE) ได้จัดให้โรคติดเชื้อไวรัสเอวีน อินฟลูเอน札 ชนิดรุนแรง อยู่ในกลุ่มโรคที่ต้องรายงาน (notifiable diseases) เนื่องจากเป็นโรคอันตรายร้ายแรงและมีความสามารถในการแพร่กระจายไวรัสไปสู่สัตว์ชนิดอื่น นอกจากนี้พบว่าไวรัสเอวีน อินฟลูเอน札 สามารถติดต่อเข้าสู่ร่างกายของมนุษย์และก่อให้เกิดอาการป่วยที่รุนแรงจนถึงขั้นเสียชีวิตได้ โรคนี้จึงจัดว่าเป็นภัยคุกคามที่สำคัญต่อสุขภาพอนามัยของประชากรภายในประเทศไทยและภูมิภาคต่างๆทั่วโลก โดยเฉพาะภูมิภาคเอเชียตะวันออกเฉียงใต้และเอเชียตะวันออก เชื้อไวรัสเอวีน อินฟลูเอน札 นอกจากก่อให้เกิดปัญหาทางด้านสุขภาพสัตว์และมนุษย์แล้วนั้น การระบาดของโรคบังส่งผลกระทบต่ออุตสาหกรรมการผลิตสัตว์ปีกและการส่งออกผลิตภัณฑ์ของสัตว์ปีก ซึ่งมีมูลค่าการส่งออกไก่สดแท้เงินมากถึง 4 หมื่นล้านบาท ในปี พ.ศ. 2545 แต่ภายหลังการระบาดของโรคในพื้นที่ประเทศไทยตั้งแต่ปลายปี พ.ศ. 2546 ปัจจุบันพบว่ามูลค่าการส่งออกไก่สดแท้เพิ่งลดลงกว่า 90%

มาตรการการควบคุมโรคที่ยอมรับในระดับสากล คือ การทำลายผู้ง่วงสัตว์ที่ติดเชื้อและประกาศเป็นเขตการระบาดของโรค การควบคุมการเคลื่อนย้ายสัตว์และเฝ้าระวังโรคในพื้นที่ควบคุม รวมทั้งมีมาตรการประกอบอย่างอื่น เช่น การกำหนดเขตทำวัคซีนเพื่อลดการแพร่กระจาย

ของไวรัสในพื้นที่ โดยพบว่าข้อดีของการให้วัคซีน คือ สามารถลดการปล่อยไวรัสออกสู่สิ่งแวดล้อม มีการทดลองยืนยันการใช้วัคซีนในสัตว์ปีก สามารถลดการเพิ่มจำนวนและปริมาณการแพร่กระจายของไวรัสได้ (Ruben, 1987) อย่างไรก็ตาม รายงานการทดลองใช้วัคซีนที่ผลิตจากไวรัสสายพันธุ์แตกต่างกัน แม้จะสามารถลดระดับของแอนติบอดี แต่แอนติบอดีดังกล่าวไม่สามารถป้องกันการติดเชื้อไวรัสในท้องถิ่นได้ (Trevor et al., 2000) และพบว่าไวรัสที่นำมาผลิตเป็นวัคซีนจะต้องมีความเหมือนกันของลำดับสารพันธุกรรมมากกว่า 90% จึงสามารถกระตุ้นให้เกิดแอนติบอดีที่มีประสิทธิภาพในการทำลายไวรัส รวมทั้งสามารถลดการปล่อยไวรัสได้ (Swayne et al., 2000) ดังนั้นการให้วัคซีนที่เหมาะสมกับระบบของโรคในท้องถิ่นต่างๆ ควรต้องมีการตรวจสอบลำดับสารพันธุกรรมเป็นประจำ เพื่อพัฒนาวัคซีนให้เหมาะสมกับไวรัสที่ระบบในขณะนั้น การประภากเป็นเหตุผลโรคในพื้นที่เป้าหมายที่กำหนด ควรต้องมีการตรวจแยกระหว่างสัตว์ปีกที่เคยได้รับวัคซีนและสัตว์ปีกที่ติดเชื้อในธรรมชาติ ซึ่งทำได้โดยการแยกชนิดของแอนติบอดีที่เกิดขึ้นในร่างกาย การใช้วัคซีนชนิดเชือต้ายในสื่อน้ำมันเตรียมจากไวรัสทั้งโมเลกุล หรือการใช้วัคซีนที่เตรียมได้จากการนำส่วนประกอบต่างๆ ของไวรัส เช่น ชีเมกกลูตินิน, นิวราминิเดส, โปรตีน M และนิวคลิโอลอโปรตีน (nucleoproteins) รวมทั้งการแยกเอาเฉพาะส่วนของยีน (genes) หรือดีเอ็นเอ (DNA) ที่ทำหน้าที่ในการควบคุมการสร้างโปรตีนดังกล่าว โดยนำไปประกอบเข้าตัวกลางอื่นๆ เช่น วัคซีนที่เตรียมจากการตัดต่อยีนที่ควบคุมการสร้างโปรตีนชีเมกกลูตินินเข้ากับยีนของไวรัสฝ้ายสัตว์ปีก (fowl pox virus) (Webster et al., 1991) หรือ baculovirus-expressed HA proteins (Swayne et al., 2000) แต่การใช้วัคซีนดังกล่าวข้างต้น อาจจะก่อให้เกิดปัญหาในการวินิจฉัยแยกชนิดของแอนติบอดีที่เกิดจากไวรัสที่ก่อโรคในธรรมชาติและไวรัสที่มีอยู่ในวัคซีน

ไวโรโซม (virosomes) เป็นอนุภาคที่เกิดจากการจัดเรียงโนแลกุลของโปรตีนและไขมันที่เป็นองค์ประกอบบนเปลือกหุ้มไวรัส (viral envelopes) โครงสร้างใหม่ที่เกิดขึ้นมีลักษณะรูปร่างและส่วนประกอบของโปรตีนใกล้เคียงกับไวรัสด้านแบบ แต่จะไม่ประกอบส่วนประกอบของนิวคลีโอโปรตีนและสารพันธุกรรมอยู่ในโครงสร้างของไวโรโซม ส่งผลให้ไวโรโซมไม่มีความสามารถในการแบ่งตัวเพิ่มจำนวนภายในเซลล์ไฮสต์ (Huckrieda et al., 2003) แต่ยังคงความสามารถในการกระตุ้นการทำงานของระบบภูมิคุ้มกัน (Gluck and Metcalfe, 2003) ซึ่งคาดว่าจะเป็นทางเลือกที่อาจนำมาใช้เพื่อพัฒนาวิธีการเตรียมวัคซีนป้องกันการเกิดโรคติดเชื้อไวรัสอินฟลูเอน札ในสัตว์ปีก และเพื่อเป็นแนวทางในการเพิ่มขีดความสามารถของจำแนกความแตกต่างระหว่างแหล่งที่มาและชนิดของแอนติบอดีต่อไวรัสເອເວີນ ອິນຟລູເອນ札 ທີ່ເກີດຂຶ້ນ (Differential Infected from vaccinated animals ; DIVA)

1.1 วัตถุประสงค์ของการวิจัย

- 1.1.1 เพื่อศึกษาวิธีการเตรียมไวรัสจากไวรัสเอวีนอินฟลูเอนซ่า
- 1.1.2 เพื่อศึกษาลักษณะโครงสร้างและคุณสมบัติพื้นฐานทางชีววิทยาของไวรัสที่เตรียมจากไวรัสเอวีนอินฟลูเอนซ่า

1.2 สมมติฐานงานวิจัย

- 1.2.1 ไวรัสซึ่งเตรียมจากไวรัสเอวีนอินฟลูเอนซ่า ควรมีคุณลักษณะทางกายภาพและโปรตีนองค์ประกอบแตกต่างจากไวรัสดังเดิม โดยอนุภาคของไวรัสไม่ควรมีนิวคลิโอดีบีดี โปรตีนบรรจุอยู่ภายใน มากกว่า ไกลโค โปรตีนอีแมกเกลติดินและนิวรามินในเดส

1.3 ประโยชน์ที่คาดว่าจะได้รับจากการวิจัย

- 1.3.1 ทราบถึงโครงสร้างและองค์ประกอบของไวรัส รวมทั้งคุณสมบัติพื้นฐานของอนุภาคไวรัสที่เตรียมได้จากไวรัสเอวีนอินฟลูเอนซ่า
- 1.3.2 เป็นข้อมูลเบื้องต้นในการพัฒนารูปแบบและวิธีการในการเตรียมวัสดุป้องกันการเกิดโรคติดเชื้อไวรัสเอวีนอินฟลูเอนซ่าในสัตว์ปีก

1.4 ครอบแนวคิดงานวิจัย

การทดลองทางห้องปฏิบัติการ เพื่อศึกษาวิธีการเตรียมและทดสอบคุณลักษณะทางค้าน้ำยาและชีววิทยาของไวรัสที่เตรียมจากเชื้อไวรัสเอวีน อินฟลูเอนซ่า ชนิด เอชเออีน 1 โดยแบ่งออก เป็น 3 ส่วนดังนี้

- 1.4.1 ศึกษาวิธีการเตรียมไวรัสจากไวรัสที่ผ่านการลดฤทธิ์ (inactivated virus)
- 1.4.2 ศึกษาคุณลักษณะและคุณสมบัติทางกายภาพของไวรัสเตรียมเทียบกับไวรัสต้นแบบ
 - 1.4.2.1 การศึกษารูปร่างของไวรัสตามด้วยกล้องจุลทรรศน์อิเลคตรอน
 - 1.4.2.2 การศึกษาโปรตีนองค์ประกอบของไวรัส ด้วยวิธี sodium dodecyl sulfate polyacrylamide gel electrophoresis (SDS-PAGE)
 - 1.4.2.3 การตรวจสอบโปรตีนด้วยเทคนิค Western immunoblotting
- 1.4.3 ศึกษาคุณลักษณะและคุณสมบัติทางชีวภาพของไวรัสเตรียมเทียบกับไวรัสต้นแบบ
 - 1.4.3.1 การทดสอบด้วยวิธีการตกตะกอนของเม็ดเคลือดแดง (hemagglutination, HA activity)