

ชื่อเรื่อง	การศึกษาลักษณะการถ่ายทอดสีเหลืองของผักในกระเจี๊ยบเขียว
ชื่อผู้เขียน	นายปรีดา นาเทเวศน์
ชื่อปริญญา	วิทยาศาสตรมหาบัณฑิต สาขาวิชาพืชสวน
ประธานกรรมการที่ปรึกษา	อาจารย์ฉันทนา วิชรัตน์

## บทคัดย่อ

**T166521**

ลักษณะสีเหลืองของผักในกระเจี๊ยบเขียว เป็นลักษณะที่เกี่ยวข้องกับคุณภาพของผลผลิตและความต้องการของผู้บริโภค หากมีความเข้าใจเกี่ยวกับสีนี้ที่ควบคุมลักษณะทั้งสองนี้ว่าถูกควบคุมด้วยลักษณะเชิงปริมาณหรือคุณภาพ ย่อมเกิดประโยชน์ต่องานปรับปรุงพันธุ์ การผลิตและการจัดการคุณภาพ กิจกรรมที่เกี่ยวข้องกับการศึกษาในครั้งนี้เพื่อศึกษาลักษณะการถ่ายทอดสีของผัก โดยใช้กระเจี๊ยบเขียวพันธุ์ A010221 (ผักมีสีแดงเข้ม) เป็นแม่พันธุ์ พันธุ์ G2 (ผักมีสีเขียว) เป็นพ่อพันธุ์ ส่วนการศึกษาลักษณะการถ่ายทอดจำนวนเหลืองของผักใช้กระเจี๊ยบเขียวพันธุ์ A010198 (ผักมีเหลือง) เป็นแม่พันธุ์ และพันธุ์ A010188 (ผักกลม) เป็นพ่อพันธุ์ โดยศึกษาจากลูกผสมชั้วที่ 2 ( $F_2$ ) ลูกผสมกลับหาแม่ ( $BC_{P_1}$ ) และลูกผสมกลับหาพ่อ ( $BC_{P_2}$ ) ของกระเจี๊ยบเขียวตามกระบวนการผสมพันธุ์ ดำเนินการทดลองระหว่างมิถุนายน 2546 ถึงพฤษภาคม 2547 ณ สถาบันวิจัยและพัฒนาวิชาชีวศึกษา มหาวิทยาลัยแม่โจ้ จังหวัดเชียงใหม่ ผลการทดลองพบว่าการถ่ายทอดลักษณะสีเหลืองของผักในกระเจี๊ยบเขียวเป็นแบบต่อเนื่อง คือไม่สามารถจัดกลุ่มได้อย่างชัดเจน โดยเห็นได้จากการกระจายตัวของลักษณะปรากฏ (phenotype) สรุปได้ว่าทั้งสองลักษณะนี้ถูกควบคุมด้วยยีนมากกว่า 3 คู่ จึงแสดงพฤติกรรมการถ่ายทอดยีนแบบ polygenic inheritance

เมื่อวิเคราะห์ความแตกต่างทางพันธุกรรม ระหว่างลูกผสมกระเจี๊ยบเขียวและพ่อแม่ด้วยเทคนิคการเออพีดีในปฏิกริยาพิชิอร์ โดยการใช้ไฟร์เมอร์ที่มีลำดับเบส 10 เบส จำนวน 23 ไฟร์เมอร์ ผลการวิเคราะห์พบว่ามีไฟร์เมอร์จำนวน 3 หมายเลข หรือร้อยละ 13.04 ที่สามารถเข้าสู่จับคู่กับดีเอ็นเอต้นแบบแล้วแสดงความแตกต่างกัน ซึ่งใช้จำแนกและตรวจสอบความเป็นลูกผสม และความแตกต่างระหว่างสายพันธุ์พ่อแม่ได้ โดยไฟร์เมอร์ OPF หมายเลข 02 และ OPG หมายเลข 02 สามารถสุ่มเข้าจับคู่กับดีเอ็นเอต้นแบบของลูกผสมกระเจี๊ยบเขียว และไฟร์เมอร์ OPF หมายเลข 13 สามารถสุ่มเข้าจับคู่กับดีเอ็นเอต้นแบบสายพันธุ์แม่ (A010198 และ A010221) และสายพันธุ์พ่อ (A010188 และ G2) แล้วแสดงผลดีเอ็นเอที่แตกต่างกัน ตำแหน่งที่ดีเอ็นเอปะรากฎอยู่นั้นสามารถ

(๔)

**T166521**

ใช้จำแนกพื้นที่และความแตกต่างทางพื้นที่กรรม และตรวจสอบความเป็นลูกผสมของกระเจี๊ยบ  
นำมาศึกษาในงานทดลองนี้ได้

**Title** A Study on Inheritance of Pod Color and Pod Edge in Okra (*Abelmoschus esculentus* L. Moench.)

**Author** Mr.Preeda Nathewet

**Degree of** Master of Science in Horticulture

**Advisory Committee Chairperson** Mrs.Chantana Wicharatana

### ABSTRACT

**TE166521**

The features of pod color and pod edge of Okra (*Abelmoschus esculentus* L. Moench) suggest the quality production and hence are desirable by consumers. If we could understand the nature of the genes controlling the traits they are quantitative or qualitative, there would be a number of benefit to plant breeding programs, plant production and management. The aims of this research were to study inheritance of pod color in Okra by using A010221 (dark red) and G2 (green) varieties, and study pod edge by using A010198 (edged) and A010288 (round) varieties. To investigate gene action,  $F_2$ , BC<sub>1</sub> and BC<sub>2</sub> generations were recorded for plant characteristics. The inheritance studies were conducted at Division of Vegetable Technology, Department of Horticulture, Faculty of Agricultural Production, Maejo University, Chaing Mai from June 2003 to November 2004. The results indicated that the inheritances of the pod color and edge in Okra were normal distributions. That is, they could not be clearly classified based on continuous distribution of  $F_2$  phenotype which suggested the polygenic inheritance.

To better understand these findings, DNA samples from the leaves of a  $F_1$  hybrid and their parents (i.e. A010221, G2, A010198 and A010288) were then extracted and analysed by mean of random amplified polymorphic DNA (RAPD) method using 23 arbitrary oligonucleotide (10-mers). The results showed that three primers (or about 13.04 percent) yielded polymorphic bands. The results suggested that  $F_1$  hybrids were confirmed to be genetically intermediate of their parents as 2 primers, OPF-02 and OPG-02 showed different banding for both  $F_1$  hybrids. All parental lines (A010198, A010221, A010188 and G2) could be identified by using one primer (OPF-13). Therefore, these 3 primers could be used to classify the varieties, genetic differences, and purity of  $F_1$  hybrid Okra in this study.