

ไวรัสตับอักเสบบี (HBV) เป็นไวรัสที่มีความสำคัญทำให้เกิดโรคตับอักเสบบีเฉียบพลันเรื้อรัง หรือตับแข็ง และเกี่ยวข้องกับการเกิดมะเร็งตับ ไวรัสตับอักเสบบี สามารถป้องกันได้ด้วยวัคซีนซึ่งในปัจจุบันผลิตด้วย วิธีการ recombinant DNA ในการศึกษาครั้งนี้ เป็นการผลิตแอนติเจน DNA recombinant ด้วยระบบ *E.coli* และศึกษาถึงความเป็นไปได้ในการฝากถ่ายยีนเข้าสู่ระบบสาหร่าย *Dunaliella sp* S gene สำหรับการโคลนส่วน S gene เข้าใน *E.coli* เราใช้ส่วนของยีนที่มีตำแหน่ง restriction enzyme *Bam* HI, *Not* I เชื่อมขึ้นส่วนดีเอ็นเอจากไวรัสตับอักเสบบี ใน pGEX ที่มี gene ต้าน ampicillin แล้วถ่ายเข้าสู่ *E.coli* ด้วยวิธี heat shock การตรวจสอบคัดเลือกโคลนที่ได้ ว่ามีชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ HBsAg gene โดยทำ PCR ใช้ไพรเมอร์ในส่วนของ S gene ตรวจสอบ HBV ซึ่งให้ผลเป็นบวก และทำการหาลำดับนิวคลีโอไทด์จากโคลนที่ได้ เปรียบเทียบกับตัวอย่างที่ได้ก่อนโคลน พบว่ามีลำดับนิวคลีโอไทด์เหมือนกัน 99.4% และเมื่อเปรียบเทียบกับ HBV สายพันธุ์ adr (Accession No. D000630) มีความเหมือนกัน 94.1 % เมื่อเปรียบเทียบนิวคลีโอไทด์ส่วน "a" determinant จากโคลนกับตัวอย่างก่อนโคลนมีความเหมือนกัน 100% และเมื่อเปรียบเทียบกับ HBV สายพันธุ์ adr มีความเหมือนกัน 98.8%เปรียบเทียบกับตัวอย่างก่อนที่จะโคลนพบว่ามีกรดอะมิโนเหมือนกัน 98.2% และเมื่อเปรียบเทียบกับ HBV สายพันธุ์ adr มีความเหมือนกัน 90 % ในการเปรียบเทียบกรดอะมิโนตรงส่วน "a" determinant จากโคลนที่ได้กับตัวอย่างก่อนที่จะโคลนมีความเหมือนกัน 100% และเมื่อเปรียบเทียบกับ HBV สายพันธุ์ adr มีความเหมือนกัน 96.1 % การศึกษานี้ระยะเวลาที่มีการแสดงออกของโปรตีนผิว พบว่าระยะเวลา 5 และ 6 ชั่วโมงหลังจากที่กระตุ้นด้วย IPTG จะมีการสร้างโปรตีนแสดงออกมากที่สุด เมื่อตรวจสอบคุณสมบัติโปรตีนด้วยวิธี Dot Blot และวิธี Western Blot พบว่าโปรตีนที่ผลิตได้จากโคลนมีคุณสมบัติจับกับแอนติบอดีได้และมีขนาดเท่ากับโปรตีน HBsAg นอกจากนี้ได้ทำการหาความเป็นไปได้ในการฝากถ่ายยีน S ไวรัสตับอักเสบบี เข้าสู่สาหร่าย *Dunaliella sp* โดยฝากถ่ายเข้าสู่ *E.coli* ก่อนเพื่อเพิ่มจำนวน recombinant DNA ใน vector ซึ่งมีส่วน HBs gene อยู่กับ pBISB เพื่อใช้ในระบบสาหร่ายด้วยวิธี heat shock ทำการตรวจสอบโคลนที่ได้ว่ามีชิ้นส่วนดีเอ็นเอของ HBV โดยการทำให้ PCR โดยใช้ไพรเมอร์สำหรับ HBV ให้ผลเป็นบวก และทำการหาลำดับนิวคลีโอไทด์จากโคลนที่ได้ เปรียบเทียบกับตัวอย่างก่อนที่จะโคลนพบว่ามีลำดับนิวคลีโอไทด์เหมือนกัน 98.2% และเมื่อเปรียบเทียบกับ HBV สายพันธุ์ adr มีความเหมือนกัน 94.7 % เมื่อเปรียบเทียบนิวคลีโอไทด์ตรงส่วน "a" determinant จากโคลนที่กับตัวอย่างก่อนที่จะโคลนมีความเหมือนกัน 100% และเมื่อเปรียบเทียบกับ HBV สายพันธุ์ adr มีความเหมือนกัน 97.1 % และเมื่อเปรียบเทียบ amino acid จากโคลนที่กับตัวอย่างก่อนที่จะโคลนมีความเหมือนกัน 97% และเมื่อเปรียบเทียบกับ HBV สายพันธุ์ adr มีความเหมือนกัน 90 % เมื่อเปรียบเทียบกรดอะมิโนตรงส่วน "a" determinant จากโคลนที่ได้กับตัวอย่างก่อนที่จะโคลนมีความเหมือนกัน 100% และเมื่อเปรียบเทียบกับ HBV สายพันธุ์ adr มีความเหมือนกัน 95.8 % ก่อนที่จะฝากถ่ายยีน S ใน pB เข้าสู่สาหร่าย ได้ทำการศึกษาการฝากถ่ายยีน Green Fluorescent Protein (GFP) เพื่อใช้เป็น marker เข้าสู่ *Dunaliella sp* ก่อนและทดสอบว่ามียีน GFP ในสาหร่ายโดยใช้วิธี PCR พบว่าสามารถตรวจพบ GFP gene ในสาหร่าย ดังนั้นจึงต้องมีการศึกษาค้นคว้าต่อไปในการฝากถ่ายยีน HBs เข้าสู่สาหร่าย *Dunaliella sp*

Hepatitis B virus (HBV) is an important virus, which causes acute hepatitis, chronic hepatitis and cirrhosis and has been associated with hepatocellular carcinoma. A vaccine has been used to prevent HBV infection for more than 20 years. The vaccine may be produced from antigen derived from plasma, recombinant protein, yeast and CHO. In this study, we produced the antigen from recombinant DNA in an *E.Coli* system. We also attempted to produce recombinant antigen from Algae (*Dunaliella sp.*). In the *E.Coli* system the S gene was digested using *Bam*HI and *Not*I at the restriction site and then ligated into pGEX. The construct transformation of recombinant DNA in *E.Coli* was verified by PCR, using the S gene primer of HBV. The homology between nucleotide sequences of recombinant DNA in the S gene after transformation was 99.4 % with the clone prior to transformation; 94.1% with the HBV adr accession NoD000630; 100% with an "a" determinant clone; and 98.8% with an adr clone. For amino acid alignment the homology was 98.2%, 90.0%, 100.0%, and 96.1%, respectively. The peak expression period of HBsAg in *E.coli* occurred during in the 5th and 6th hour of incubation, following stimulation of the IPTG. To test the Characteristics of the HBsAg protein, Dot Blot and Western Blot of the antigen-antibody complex was performed. Protein that was expressed from the clone could be detected by anti-HBs with this method. Before transferring the S gene to algae (*Dunaliella sp.*), a transformation in the *E.Coli* system was performed first, to increase recombinant DNA in plasmid pBICP. Recombinant DNA was detected by PCR, using the S gene primer of HBV. In this case, homology for nucleotide sequencing after transformation was 98.2% with the clone prior to transformation; 94.7% with the HBV adr accession number D000630; 100% with an "a" determinant clone; 97.1% with an adr clone. For amino acid alignment the homology was 97.0%, 90.0%, 100.0% and 95.8%, respectively. Prior to the transfer of recombinant DNA into algae using electroporation, attempting to transfer the GFP gene into algae first tested the method. This test was performed successfully. Therefore, the same conditions were used with the recombinant DNA. However, this experiment proved unsuccessful. Thus, another method of transferring the HBs gene into algae will need to be developed.