

เอกสารอ้างอิง

- กรมประมง. (2544). สถิติการประมงแห่งประเทศไทย พ.ศ. 2544. กองเศรษฐกิจการประมง กรมประมง กระทรวงเกษตรและสหกรณ์. เอกสารฉบับที่ 10/2545
- วิสุทธิ ไบไม้. (2538). สถานภาพความหลากหลายทางชีวภาพในประเทศไทย. สำนักงานกองทุนสนับสนุนการวิจัย (สกว.) กรุงเทพฯ. 254 หน้า.
- สุรินทร์ มัจฉาชีพ. (2532). สัตว์ชายฝั่งทะเลไทย. กรุงเทพฯ: แพรวพิทยา.
- อิงอร เองพัฒนาพงศ์. (2556). ความแตกต่างทางสัณฐานวิทยาและพันธุศาสตร์ระหว่างปูม้าหินสกุล *Thalamita* 2 ชนิด (*T. prymna* และ *T. danae*). ปัญหาพิเศษ คณะวิทยาศาสตร์ (วาริชศาสตร์). มหาวิทยาลัยบูรพา.
- อานวย จรดวง และประดิษฐ์ แสงทอง. (2550). การจำแนกชนิดของปูทะเลในสกุล *Scylla* ด้วยการวิเคราะห์ลำดับดีเอ็นเอเพื่อการเพาะเลี้ยงและการจัดการทรัพยากรที่ยั่งยืน. ใน รายงานวิจัยฉบับสมบูรณ์ สำนักงานประสานงานวิจัยและพัฒนาอุตสาหกรรมเกษตร พืช และสัตว์น้ำ. (หน้า 1-108).
- Aljanabi, S.M. and Martinez, I. (1997) Universal and rapid salt-extraction of high quality genomic DNA for PCR-based techniques. *Nucleic Acid Research* 25: 4692-4693.
- Awise, J.C. (2004). *Molecular markers, natural history, and evolution*. (2nd ed.). Massachusetts: Sinauer Associates.
- Felsenstein J. (1985). Confidence limits on phylogenies: An approach using the bootstrap. *Evolution* 39:783-791.
- Hall, T.A. (1999). BioEdit: a user-friendly biological sequence alignment editor and analysis program for Windows 95/98/NT. *Nucl. Acids. Symp. Ser.* 41:95-98.
- Hasegawa M., Kishino H., and Yano T. (1985). Dating the human-ape split by a molecular clock of mitochondrial DNA. *Journal of Molecular Evolution* 22:160-174.
- Kim, W. and Abele, L.G.. (1990). Molecular Phylogeny of Selected Decapod Crustaceans Based on 18s rRNA Nucleotide Sequences. *Journal of Crustacean Biology* 10: 1-13
- Mathews, L. M. (2006). Cryptic biodiversity and phylogeographical patterns in a snapping shrimp species complex. *Molecular Ecology*. 15, 4049-4063
- Mathews, L. M. and Arthur, A. (2009). Molecular Phylogeny reveals extensive ancient and ongoing radiations in a snapping shrimp species complex (Crustacea, Alpheidae, *Alpheus armillatus*) *Molecular Phylogenetics and Evolution*. 50, 268-281
- Nei M. and Kumar S. (2000). *Molecular Evolution and Phylogenetics*. Oxford University Press, New York.
- Rzhetsky A. and Nei M. (1992). A simple method for estimating and testing minimum evolution trees. *Molecular Biology and Evolution* 9:945-967.
- Saitou N. and Nei M. (1987). The neighbor-joining method: A new method for reconstructing phylogenetic trees. *Molecular Biology and Evolution* 4:406-425.
- Schubart, C.D. and Reuschel, S. (2009). A proposal for a new classification of Portunoidea and Cancroidea (Brachyura: Heterotremata) based on two Independent molecular phylogenies. *Biologie 1, Universitdt Regensburg*, pp.533-549.

- Schubart, C.D., Cannicci S., Vannini M., and Fatini S. (2006). Molecular phylogeny of Grapsoid crabs (Decapoda, Brachyura) and allies based on two mitochondrial genes and a proposal for refraining from current Superfamily classification. *Journal Compilation*. Blackwell Verlag, Berlin. JZS. doi : 10.1111/j. 1439-0469.2006.00354.x
- Silva, J. M., Creer, S., Santos, A. D., Costa, A. C., Cunha, M. R., Costa, F. O., & Carvalho, G. R. (2011). Systematic and Evolutionary Insights Derived from mtDNA COI Barcode Diversity in the Decapoda (Crustacea: Malacostraca). *The Creative Commons Attribution License*, 6(5), 1-15.
- Tamura K. (1992). Estimation of the number of nucleotide substitutions when there are strong transition-transversion and G + C-content biases. *Molecular Biology and Evolution* 9:678-687.
- Tamura K. and Nei M. (1993). Estimation of the number of nucleotide substitutions in the control region of mitochondrial DNA in humans and chimpanzees. *Molecular Biology and Evolution* 10:512-526.
- Tamura K., Nei M., and Kumar S. (2004). Prospects for inferring very large phylogenies by using the neighbor-joining method. *Proceedings of the National Academy of Sciences (USA)* 101:11030-11035.
- Tamura K., Stecher G., Peterson D., Filipski A., and Kumar S. (2013). MEGA6: Molecular Evolutionary Genetics Analysis version 6.0. *Molecular Biology and Evolution* 30: 2725-2729.
- Tudge, C.C. and Cunningham, C.W. (2002). Molecular phylogeny of the mud lobsters and mud shrimps (Crustacea : Decapoda : Thalassinidea) using nuclear 18S rDNA and mitochondrial 16S rDNA. *Invertebrate Systematics* 16(6): 839 – 847.
- Wanna, W., Chotigeat, W. and Phongdara, A. (2005). Sequence variations of the first ribosomal internal transcribed spacer of *Penaeus* species in Thailand. *Journal of Experimental Marine Biology and Ecology* 311: 63-78.
- Wee, D.P.C., and Ng, P.K.L. (1995). Swimming Crabs of the Genera *Charybdis* De Haan, 1833, and *Thalamita* Latreille, 1829 (Crustacea: Decapoda: Brachyura: Portunidae) From Peninsular Malaysia and Singapore. *The Raffles Bulletin of Zoology*, 1, 1-128.
- Winfrey, M.R., Rott, M.A. and Wortman, A.T. (1994). *Unraveling DNA: Molecular Biology for the Laboratory*. Prentice-Hall, Inc., New Jersey.
- Yamindago, A., Senanan, W., and Tangkrock-Olan, N. (2012). Verification on Morphological Identification of Grapsid Crabs Genus *Metopograpsus* H. Milne-edwards, 1853 from Chon buri Province Using Partial Sequences of Mitochondrial 16S rRNA, 12S rRNA and Cytochrome c Oxidase Subunit I (COI). *Burapha sci. J*, 2, 181-193.