

## บทที่ 2

### วิธีการทดลอง

#### 1. การแยกและคัดเลือกเชื้อสเตรปโตมัยซีทจากดินตัวอย่าง

1.1 เก็บตัวอย่างดินจากเกาะตะรุเตา 20 จุด เกาะอาดัง 10 จุด เกาะราวี 10 จุด รวม 40 จุด ที่มีภูมิประเทศที่แตกต่างกัน โดยนำดิน 5.0 g มาเจือจางในสารละลาย 0.85 % NaCl ปริมาตร 45.0 ml เขย่าที่ 120 rpm เป็นเวลา 6 ชั่วโมง แล้วจึงนำดินตัวอย่างที่ได้มาทำการเจือจางต่อเป็น  $10^{-2}$ ,  $10^{-3}$  และ  $10^{-4}$  ตามลำดับ แล้วจึงทำการวัด pH ของดินตัวอย่าง

1.2 เพาะเลี้ยงเชื้อในดินที่เจือจางแล้วที่  $10^{-2}$ ,  $10^{-3}$  และ  $10^{-4}$  ด้วยวิธีการ spread plate ลงบนอาหาร Glucose Yeast extract Malt (GYM) agar (Boudemagh *et al.*, 2005) ที่เติมยาปฏิชีวนะ cycloheximide 50  $\mu\text{g/ml}$  และ nalidixic acid 20  $\mu\text{g/ml}$  บ่มที่อุณหภูมิ  $30^{\circ}\text{C}$  เป็นเวลา 14 วัน

1.3 นับและแยกเชื้อกลุ่มแอคไทโนมัยซีทที่เจริญบนอาหารเลี้ยงเชื้อ GYM agar

1.4 แยกเชื้อให้บริสุทธิ์โดย streak plate ลงบนอาหาร GYM agar ให้ได้เชื้อประมาณ 300 สายพันธุ์

1.5 เก็บเชื้อใน glycerol 20% ที่อุณหภูมิ  $-80^{\circ}\text{C}$

#### 2. การจัดจำแนกชนิดของเชื้อ *Streptomyces* spp.

##### 2.1 ลักษณะทางสัณฐานวิทยาของสายสปอร์

ศึกษาลักษณะทางสัณฐานวิทยาของสายสปอร์ด้วยเทคนิค slide culture (Bergey's Manual of Determinative Bacteriology Eighth Edition) โดยการเตรียมอาหาร GYM agar plate จากนั้นตัดอาหารเป็นชิ้นสี่เหลี่ยมขนาด 5 x 5 mm นำอาหารที่ตัดแล้ววางลงบนสไลด์ที่อยู่ในจานอาหารเลี้ยงเชื้อที่นิ่งมาเชื้อแล้ว ใช้ loop ปลอดเชื้อแตะสปอร์ของเชื้อ *Streptomyces* spp. ที่บริสุทธิ์ แล้วแตะบริเวณด้านข้างของชิ้นอาหารแล้วปิดทับชิ้นอาหารด้วย cover slip ที่ปลอดเชื้อ บ่มที่อุณหภูมิ  $30^{\circ}\text{C}$  เป็นเวลา 5 - 21 วัน จึงตรวจดูลักษณะของเส้นใยด้วยกล้องจุลทรรศน์พร้อมถ่ายภาพ โดยลักษณะที่จัดเป็น genus *Streptomyces* คือ substrate mycelium ที่เจริญเข้าไปในอาหารวันต้องไม่แตกหักเป็น

ท่อนๆ และสังเกตลักษณะของ aerial mycelium ที่เจริญอยู่บนผิวหน้าอาหารร่วน ซึ่งต่อมาพัฒนาเป็นสายสปอร์ในลักษณะต่างๆ เช่น สายสปอร์ที่มีปลายตรง (straight), คดงอเล็กน้อย (flexuous), รูปตะขอ (hook) และเป็นเกลียว (spiral) เป็นต้น

## 2.2 ลักษณะทางสรีรวิทยา

### 2.2.1 การสร้าง diffusible pigment

เลี้ยงเชื้อในอาหาร oatmeal agar slant (ภาคผนวก ก) บ่มที่อุณหภูมิ 30°C บันทึกผลหลังจาก 14 วัน โดยนำ slant ไปเทียบสีกับสีมาตรฐาน The NBS-ISCC Color System (<http://www.dodomagnifico.com/Colors/Cent.html>)

### 2.2.2 การสร้าง melanin pigment

เลี้ยงเชื้อในอาหาร peptone yeast – extract iron agar และ tyrosine agar (ภาคผนวก ก) บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 4 วัน ตรวจผลการทดสอบในวันที่ 4 โดยเปรียบเทียบกับอาหารที่ไม่ได้ปลูกเชื้อ ถ้าเชื้อสามารถสร้าง melanin pigment จะมีรงควัตถุสีน้ำตาล สีน้ำตาลแกมเขียวหรือสีดำลงในอาหารทดสอบ ผลการทดสอบเป็นบวกโดยเชื้ออาจสร้าง melanin pigment ในอาหารทดสอบชนิดใดชนิดหนึ่ง

### 2.2.3 การเจริญที่อุณหภูมิต่าง ๆ

ทำการ streak เชื้อบนอาหาร GYM agar บ่มที่อุณหภูมิ 10, 20, 28, 37 และ 45°C บันทึกผลการเจริญหลังจาก 14 วัน ถ้าเชื้อมีการเจริญให้ผลการทดสอบเป็นบวก แต่ถ้าเชื้อไม่เจริญให้ผลการทดสอบเป็นลบ

### 2.2.4 การเจริญที่ pH ต่าง ๆ

ทำการ streak เชื้อบนอาหาร GYM agar ที่ปรับ pH 4.0, 5.0, 6.0, 7.0, 8.0, 9.0 10.0 และ 11.0 บ่มที่อุณหภูมิ 30°C บันทึกผลการเจริญหลังจาก 14 วัน ถ้าเชื้อมีการเจริญให้ผลการทดสอบเป็นบวก แต่ถ้าเชื้อไม่เจริญให้ผลการทดสอบเป็นลบ

### 2.2.5 การใช้คาร์โบไฮเดรตเป็นแหล่งคาร์บอน

เลี้ยงเชื้อ *Streptomyces* spp. บนอาหาร GYM agar บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 5 วันหลังจากนั้นใช้ไม้จิ้มฟันที่ปลอดเชื้อแตะสปอร์ของเชื้อแทงลงในอาหาร basal medium agar (ภาคผนวก ก) ซึ่งเติมคาร์โบไฮเดรต 18 ชนิด ได้แก่ adonitol,

L-arabinose, cellobiose, dextran, D-fructose, D-galactose, meso-inositol, inulin, D-lactose, mannitol, D-mannose, D-melezitose, raffinose, L-rhamnose, sucrose, trehalose, xylitol และ D-xylose ความเข้มข้นสุดท้าย 1% w/v บ่มที่ 30°C เป็นเวลา 14 วัน ตรวจสอบผลโดยใช้ D - glucose เป็น positive control และ อาหาร basal medium ที่ไม่เติมแหล่งคาร์บอนเป็น negative control ถ้าการเจริญของเชื้อมากกว่า negative control ให้ผลเป็นบวก ถ้าเชื้อเจริญน้อยกว่าหรือเท่ากับ negative control ให้ผลเป็นลบ

### 2.2.6 การใช้แหล่งไนโตรเจน

เลี้ยงเชื้อ *Streptomyces* spp. บนอาหาร GYM agar บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 5 วันหลังจากนั้นใช้ไม้จิ้มฟันที่ปลอดเชื้อแตะสปอร์ของเชื้อแทงลงในอาหาร basal medium agar (ภาคผนวก ก) ซึ่งเติมแหล่งไนโตรเจน 8 ชนิด ได้แก่ L-arginine, L-histidine, L- methionine, potassium nitrate, L-phenylalanine, L-serine, L-threonine และ L-valine ความเข้มข้นสุดท้าย 0.1% w/v บ่มที่ 30°C เป็นเวลา 14 วัน ใช้ glucose 1% w/v เป็นแหล่งคาร์บอน ตรวจสอบผลโดยใช้ L-asparagine เป็น positive control และ อาหาร basal medium ที่ไม่เติมแหล่งไนโตรเจนเป็น negative control ถ้าการเจริญของเชื้อมากกว่า negative control ให้ผลเป็นบวก ถ้าเชื้อเจริญน้อยกว่าหรือเท่ากับ negative control ให้ผลเป็นลบ

## 2.3 การทดสอบทางชีวเคมี

### 2.3.1 ความสามารถในการย่อยสลายอาบูติน (arbutin)

เลี้ยงเชื้อ *Streptomyces* spp. บริสุทธิ์ที่เจริญบนอาหาร GYM มาเลี้ยงในอาหารเอียง arbutin soft agar (ภาคผนวก ก) บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 10 วัน ตรวจสอบผลจากการเกิดสีน้ำตาลดำหรือสีดำในอาหาร

### 2.3.2 ความสามารถในการย่อยสลายซิเตรท (citrate)

เลี้ยงเชื้อ *Streptomyces* spp. บริสุทธิ์ที่เจริญบนอาหาร GYM มาเลี้ยงในอาหารเอียง citrate medium (ภาคผนวก ก) บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 12 วัน ตรวจสอบผลการเปลี่ยนสีอาหารจากสีเขียวเป็นสีน้ำเงินบันทึกผล

### 2.3.3 ความสามารถในการย่อยสลายดีเอ็นเอ (DNA)

เขียนเชื้อ *Streptomyces* spp. ที่เจริญบนอาหาร GYM โดยการ streak บน slant ของอาหาร DNase test agar (ภาคผนวก ก) จานละ 8 ไอโซเลท บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 7 วัน ตรวจสอบผลจากการเกิดบริเวณใสรอบโคโลนีของเชื้อบันทึกผล

#### 2.3.4 ความสามารถในการย่อยสลายเอสคูลิน (esculin)

เขียนเชื้อ *Streptomyces* spp. มาเลี้ยงในอาหารเอียง esculin soft agar (ภาคผนวก ก) บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 10 วัน ตรวจสอบผลจากการเกิดสีน้ำตาลดำหรือสีดำในอาหาร

#### 2.3.5 ความสามารถในการย่อยสลายยูเรีย (urea)

เขียนเชื้อ *Streptomyces* spp. ปริสุทธิ์ที่เจริญบนอาหาร GYM มาเลี้ยงในอาหารเอียง urea medium (ภาคผนวก ก) บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 7 วัน ตรวจสอบผลการเปลี่ยนสีอาหารเป็นสีบานเย็นบันทึกผล

#### 2.3.6 การรีดิวซ์ไนเตรท (nitrate reduction)

เลี้ยงเชื้อ *Streptomyces* spp. ในอาหาร nitrate broth (ภาคผนวก ก) บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 7 วัน โดยหยด sulfanilic acid solution และ alpha-naphthylamine solution อัตราส่วน 1:1 (ภาคผนวก ก) ถ้าเกิดสีแดงแสดงว่าไนเตรทถูกรีดิวซ์ผลการทดลองเป็นบวก ถ้าไม่เกิดสีแดงให้เติมผงสังกะสีลงไป ถ้าเกิดสีแดงในขั้นตอนนี้แสดงว่าไนเตรทในอาหารถูกรีดิวซ์ด้วยผงสังกะสีได้ผลเป็นลบ แต่ถ้าไม่เกิดสีแดงในอาหารสรุปผลเป็นบวกเนื่องจากเชื้อใช้ในเตรทในอาหารได้เปลี่ยนเป็นไนไตรท์แล้วถูกรีดิวซ์ต่อไปเป็นแอมโมเนียหรือก๊าซไนโตรเจน จึงทำให้ไม่มีสีแดงเกิดขึ้น

### 2.4 ความสามารถในการย่อยสลายสารอินทรีย์

#### 2.4.1 ความสามารถในการย่อยสลายเคซีน (casein)

เขียนเชื้อ *Streptomyces* spp. ปริสุทธิ์ที่เจริญบนอาหาร GYM นำมา spot ลงบนอาหารแข็งที่มี skimmed milk 1% w/v (ภาคผนวก ก) จานละ 8 ไอโซเลท บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 7 วัน ตรวจสอบผลการเกิดบริเวณใสรอบโคโลนีของเชื้อ วัดเส้นผ่านศูนย์กลางของบริเวณย่อยสลายบันทึกผล

#### 2.4.2 ความสามารถในการย่อยสลายเซลลูโลส (cellulose)

เชื้อเชื้อ *Streptomyces* spp. บริสุทธิ์ที่เจริญบนอาหาร GYM นำมา spot ลงบนอาหารแข็งที่มี Carboxyl methyl cellulose 1% w/v (ภาคผนวก ก) จานละ 8 ไอโซเลท บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 7 วัน ตรวจสอบผลโดยหยด congo red 0.1% ให้ท่วมจาน แช่ทิ้งไว้ 15 นาที แล้วเติม NaCl 1 N ให้ท่วมจาน จะเห็นการเกิดบริเวณใสรอบโคโลนีของเชื้อวัดเส้นผ่านศูนย์กลางของบริเวณย่อยสลายบันทึกผล

#### 2.4.3 ความสามารถในการย่อยสลายไคติน (chitin)

เชื้อเชื้อ *Streptomyces* spp. บริสุทธิ์ที่เจริญบนอาหาร GYM มาเลี้ยงในอาหารแข็ง colloidal chitin agar (ภาคผนวก ก) จานละ 8 ไอโซเลท บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 7 วัน ตรวจสอบผลจากการเกิดบริเวณใสรอบโคโลนีของเชื้อ วัดเส้นผ่านศูนย์กลางของบริเวณย่อยสลายบันทึกผล

#### 2.4.4 ความสามารถในการย่อยสลายเจลาติน (gelatin)

เชื้อเชื้อ *Streptomyces* spp. บริสุทธิ์ที่เจริญบนอาหาร GYM นำมา spot ลงบนอาหารแข็งที่มี gelatin 0.4% w/v (ภาคผนวก ก) จานละ 8 ไอโซเลท บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 7 วัน ตรวจสอบผลโดยหยด HgCl<sub>2</sub> 0.1 N ให้ท่วมจาน จะเห็นการเกิดบริเวณใสรอบโคโลนีของเชื้อวัดเส้นผ่านศูนย์กลางของบริเวณย่อยสลายบันทึกผล

#### 2.4.5 ความสามารถในการย่อยสลายแป้ง (starch)

เชื้อเชื้อ *Streptomyces* spp. บริสุทธิ์ที่เจริญบนอาหาร GYM มาเลี้ยงในอาหารแข็งที่มี starch soluble 1% w/v (ภาคผนวก ก) จานละ 8 ไอโซเลท บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 7 วัน ตรวจสอบผลจากการเกิดบริเวณใสรอบโคโลนีของเชื้อ วัดเส้นผ่านศูนย์กลางของบริเวณย่อยสลายบันทึกผล

#### 2.4.6 ความสามารถในการย่อยสลายไทโรซีน (tyrosine)

เชื้อเชื้อ *Streptomyces* spp. บริสุทธิ์ที่เจริญบนอาหาร GYM มาเลี้ยงในอาหารแข็ง L-tyrosine medium (ภาคผนวก ก) จานละ 8 ไอโซเลท บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 14 วัน ตรวจสอบผลจากการเกิดบริเวณใสรอบโคโลนีของเชื้อ วัดเส้นผ่านศูนย์กลางของบริเวณย่อยสลายบันทึกผล

#### 2.4.7 ความสามารถในการย่อยสลายทวิน 80 (tween 80)

เชื้อเชื้อ *Streptomyces* spp. บริสุทธิ์ที่เจริญบนอาหาร GYM นำมา spot ลงบนอาหารแข็งที่มี tween 80 1% w/v (ภาคผนวก ก) จานละ 8 ไอโซเลท บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 7 วัน ตรวจสอบการเกิดบริเวณใสรอบโคโลนีของเชื้อ วัดเส้นผ่านศูนย์กลางของบริเวณย่อยสลายบันทึกผล

#### 2.4.8 ความสามารถในการย่อยสลายแซนทีน (xanthine)

เชื้อเชื้อ *Streptomyces* spp. บริสุทธิ์ที่เจริญบนอาหาร GYM มาเลี้ยงในอาหารแข็งที่มี xanthine 0.4 % w/v (ภาคผนวก ก) จานละ 8 ไอโซเลท บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 14 วัน ตรวจสอบจากการเกิดบริเวณใสรอบโคโลนีของเชื้อ วัดเส้นผ่านศูนย์กลางของบริเวณย่อยสลายบันทึกผล

#### 2.4.9 ความสามารถในการย่อยสลายไซแลน (xylan)

เชื้อเชื้อ *Streptomyces* spp. บริสุทธิ์ที่เจริญบนอาหาร GYM มาเลี้ยงในอาหารแข็งที่มี xylan 0.5 % w/v (ภาคผนวก ก) จานละ 6 ไอโซเลท บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 7 วัน ตรวจสอบโดยหยดไอโอดีนให้ท่วมจาน จะการเกิดบริเวณใสรอบโคโลนีของเชื้อ วัดเส้นผ่านศูนย์กลางของบริเวณย่อยสลายบันทึกผล

### 2.5 ความสามารถในการเจริญบนอาหารที่ผสมสารยับยั้ง

#### 2.5.1 ความสามารถในการเจริญบนอาหารที่ผสม cobalt (II) chloride (CoCl<sub>2</sub>)

เชื้อเชื้อ *Streptomyces* spp. บริสุทธิ์ที่เจริญบนอาหาร GYM มาเลี้ยงในอาหารที่มี CoCl<sub>2</sub> 0.01 % w/v (ภาคผนวก ก) โดยการ streak plate จานละ 8 ไอโซเลท บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 7 วัน ถ้าเชื้อมีการเจริญให้ผลการทดสอบเป็นบวก แต่ถ้าเชื้อไม่เจริญให้ผลการทดสอบเป็นลบ

#### 2.5.2 ความสามารถในการเจริญบนอาหารที่ผสม crystal violet

เชื้อเชื้อ *Streptomyces* spp. บริสุทธิ์ที่เจริญบนอาหาร GYM มาเลี้ยงในอาหารแข็งที่มี crystal violet 0.0001% w/v (ภาคผนวก ก) โดยการ streak plate จานละ 8 ไอโซเลท บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 7 วัน ถ้าเชื้อมีการเจริญให้ผลการทดสอบเป็นบวก แต่ถ้าเชื้อไม่เจริญให้ผลการทดสอบเป็นลบ

### 2.5.3 ความสามารถในการเจริญบนอาหารที่ผสม iron (II) sulfate ( $\text{FeSO}_4$ )

เชื้อเชื้อ *Streptomyces* spp. บริสุทธิ์ที่เจริญบนอาหาร GYM มาเลี้ยงในอาหารที่มี  $\text{FeSO}_4$  0.05 และ 0.1 % w/v (ภาคผนวก ก) โดยการ streak plate จานละ 8 ไอโซเลท บ่มที่อุณหภูมิ  $30^\circ\text{C}$  เป็นเวลา 7 วัน ถ้าเชื้อมีการเจริญให้ผลการทดสอบเป็นบวก แต่ถ้าเชื้อไม่เจริญให้ผลการทดสอบเป็นลบ

### 2.5.4 ความสามารถในการเจริญบนอาหารที่ผสมฟีนอล (phenol)

เชื้อเชื้อ *Streptomyces* spp. บริสุทธิ์ที่เจริญบนอาหาร GYM มาเลี้ยงในอาหารแข็งที่มี phenol 0.1% w/v (ภาคผนวก ก) โดยการ streak plate จานละ 8 ไอโซเลท บ่มที่อุณหภูมิ  $30^\circ\text{C}$  เป็นเวลา 7 วัน ถ้าเชื้อมีการเจริญให้ผลการทดสอบเป็นบวก แต่ถ้าเชื้อไม่เจริญให้ผลการทดสอบเป็นลบ

### 2.5.5 ความสามารถในการเจริญบนอาหารที่ผสมโพแทสเซียมเทลลูไรท์

(potassium tellurite)

เชื้อเชื้อ *Streptomyces* spp. บริสุทธิ์ที่เจริญบนอาหาร GYM มาเลี้ยงในอาหารแข็งที่มี potassium tellurite 0.001 และ 0.01 % w/v (ภาคผนวก ก) โดยการ streak plate จานละ 8 ไอโซเลท บ่มที่อุณหภูมิ  $30^\circ\text{C}$  เป็นเวลา 7 วัน ถ้าเชื้อมีการเจริญให้ผลการทดสอบเป็นบวก แต่ถ้าเชื้อไม่เจริญให้ผลการทดสอบเป็นลบ

### 2.5.6 ความสามารถในการเจริญบนอาหารที่ผสมโซเดียมคลอไรด์

(sodium chloride)

เชื้อเชื้อ *Streptomyces* spp. บริสุทธิ์ที่เจริญบนอาหาร GYM agar มาเลี้ยงในอาหารที่เติม sodium chloride ระดับความเข้มข้น 4, 7, 10 และ 13 % w/v โดยการ streak plate จานละ 8 ไอโซเลท บ่มที่อุณหภูมิ  $30^\circ\text{C}$  เป็นเวลา 14 วัน จึงสังเกตการเจริญของเชื้อ ถ้าเชื้อสามารถเจริญเติบโตได้ผลการทดสอบเป็นบวก ถ้าเชื้อไม่สามารถเจริญเติบโต ผลการทดสอบเป็นลบ เปรียบเทียบกับอาหารที่ไม่ได้เติม sodium chloride



### 2.5.7 ความสามารถในการเจริญบนอาหารที่ผสมโซเดียมเอไซด์ (sodium azide)

เชื้อชื่อ *Streptomyces* spp. ปริสุทธิ์ที่เจริญบนอาหาร GYM มาเลี้ยงในอาหารที่มี sodium azide 0.01 และ 0.02 % w/v (ภาคผนวก ก) โดยการ streak plate จานละ 8 ไอโซเลท บ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 7 วัน ถ้าเชื่อมีการเจริญให้ผลการทดสอบเป็นบวก แต่ถ้าเชื่อไม่เจริญให้ผลการทดสอบเป็นลบ

## 2.6 ความสามารถในการยับยั้งแบคทีเรียอินดิเคเตอร์โดยวิธี Agar spot (Spelhaug and Harlander, 1989)

ทดสอบความสามารถในการยับยั้งแบคทีเรียอินดิเคเตอร์บนอาหารแข็งโดยวิธี agar spot เตรียมเชื้อเริ่มต้นโดยเลี้ยงแบคทีเรีย *Streptomyces* ในอาหารแข็ง GYM โดยบ่มไว้ที่ 30°C เป็นเวลา 5 วัน แล้วนำเชื้อที่ได้มา spot ลงใหม่ในอาหาร GYM จานละ 4 ไอโซเลท บ่มไว้ที่ 30°C เป็นเวลา 5 วัน แล้วรดทับด้วย TSYE soft agar (0.7% วัน) สำหรับเลี้ยงแบคทีเรีย และ SDA soft agar (0.7% วัน) สำหรับเลี้ยงยีสต์ ปริมาตร 7 ml ที่มีเชื้อแบคทีเรียอินดิเคเตอร์อยู่  $10^6$  CFU/ml นำไปบ่มที่ 30°C เป็นเวลา 24 ชั่วโมง จึงวัด clear zone รอบโคโลนีของแบคทีเรีย สเตรปโตมัยซีท ส่วนเชื้อแบคทีเรียอินดิเคเตอร์สามารถเตรียมได้โดยถ่ายเชื้อลงในอาหาร TSYE broth (แบคทีเรีย) และ SDB (ยีสต์) โดยบ่มที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 24 ชั่วโมง จากนั้นนำมาปรับให้ได้  $10^6$  CFU/ml แบคทีเรียอินดิเคเตอร์ที่ใช้ ได้แก่ *Bacillus subtilis* ATCC 6633 , *Escherichia coli* ATCC 25922 , *Staphylococcus aureus* ATCC 25923 , *Micrococcus luteus* ATCC 7468 , *Pseudomonas aeruginosa* ATCC 27853 และ *Candida albicans* ATCC 90028

## 3. การศึกษาองค์ประกอบทางเคมีของผนังเซลล์

### 3.1 วิธีการเตรียมเซลล์แบคทีเรียเพื่อทำการวิเคราะห์น้ำตาลและ DAP

ขูดเซลล์แบคทีเรียจากจานอาหารเลี้ยงเชื้อประมาณ 5 loop ลงในหลอดที่มี 1 ml ของ 100% ethanol alcohol หรือน้ำ alcohol ที่กึ่ง แล้วจึงใส่ลงใหม่อีก 1 ml เขย่าพอประมาณแล้วริน alcohol ที่กึ่ง นำหลอดไปอบแห้งที่อุณหภูมิประมาณ 37°C ประมาณ 1 คืน

### 3.2 การเตรียมน้ำตาลมาตรฐาน

น้ำตาลมาตรฐานจะแบ่งเป็น 2 ชุดคือ

ชุดที่ 1 : Galactose, Mannose, Xylose และ Rhamnose

ชุดที่ 2 : Glucose, Arabinose และ Ribose

โดยชั่งน้ำตาลอย่างละ 0.01 กรัม ละลายใน 0.5 N HCl 1 ml

### 3.3 Running solvent สำหรับการวิเคราะห์น้ำตาล

Ethyl acetate : Pyridine : Acetic acid : Distilled water ในอัตราส่วน

8 : 5 : 1 : 1.5

### 3.4 องค์ประกอบสารสเปรย์สำหรับการวิเคราะห์น้ำตาล

o-phthalic acid (C<sub>6</sub>H<sub>6</sub>O<sub>4</sub>) : Aniline (C<sub>6</sub>H<sub>5</sub>NH<sub>2</sub>) : n-Butanol saturated in water overnight ในอัตราส่วน 0.8 : 0.5 : 25

### 3.5 วิธีการวิเคราะห์น้ำตาลแบบ Paper Chromatography

เติมกรด HCl ความเข้มข้น 0.5 N 50-100 ul ลงในหลอดที่มีเซลล์แห้งของแบคทีเรียอยู่ นำหลอดไปอบที่อุณหภูมิ 110-120°C ประมาณ 15 นาทีหรือสังเกตจนกรดเปลี่ยนเป็นสีน้ำตาลอ่อน หยดสารละลายลงบนกระดาษ Whatman No.1 ที่เตรียมไว้ประมาณ 10 หยด หยดละ 1 ul โดยแต่ละตัวอย่างให้ห่างกันประมาณ 1.5-2 เซนติเมตร หยดน้ำตาลมาตรฐานที่เตรียมไว้ประมาณ 3 หยด หยดละ 1 ul เป่าให้แห้งด้วย dryer หรือเครื่องเป่าผม นำไปใส่ในถัง (chromatography tank) ที่มีสารผสมของ running solvent อิมตัวอยู่แล้ว (โดยทำในที่ที่มีเครื่องดูดอากาศ, hood) เมื่อสารผสมขึ้นมาเกือบขอบของแผ่นกระดาษโครมาโต-กราฟฟี ให้เอาออกเป่าให้แห้ง ฉีดพ่นสเปรย์ด้วยสารเคมีลงบนแผ่นกระดาษโครมาโต-กราฟฟีบางๆ นำแผ่นกระดาษโครมาโตกราฟฟีไปอบที่อุณหภูมิ 100°C ประมาณ 2-3 นาที จะปรากฏจุดของน้ำตาลแต่ละชนิด สังเกตและบันทึกผลตามชนิดของน้ำตาลมาตรฐานโดยจะเรียงลำดับจากข้างล่างของแผ่นโครมาโตกราฟฟี ดังนี้ น้ำตาลมาตรฐาน ชุดที่ 1 galactose, mannose, xylose, rhamnose น้ำตาลมาตรฐาน ชุดที่ 2 glucose, arabinose, ribose ส่วนน้ำตาล madurose จะปรากฏระหว่างน้ำตาล arabinose กับ xylose

### 3.6 วิธีการวิเคราะห์ DAP แบบ Paper Chromatography

การเตรียมเซลล์แบคทีเรียทำเช่นเดียวกับการวิเคราะห์น้ำตาลแต่ใช้กรด HCl ความเข้มข้น 6 N เมื่ออบเซลล์ประมาณ 15 นาที เซลล์จะเป็นสีดำหรือสีน้ำตาลเข้ม การหยดลงแผ่นกระดาษโครมาโตกราฟฟีเว้นระยะแบบเดียวกับการวิเคราะห์น้ำตาล สารมาตรฐานที่ใช้หยดคือ DL-2,6-Diaminopimelic acid เตรียมโดยละลายใน HCl 6 N Running solvent สำหรับการวิเคราะห์ DAP คือ Methanol : Pyridine : 10 N HCl : Distill water ในอัตราส่วน 32 : 4 : 1 : 7 ผึ่งกระดาษกรองให้แห้งในตู้ดูดควัน ฟันด้วยสารละลาย 0.2% ninhydrin ใน acetone ให้ชุ่มทั่วแผ่น ผึ่งกระดาษกรองพอหมาดแล้วนำไปอบที่ 100°C ประมาณ 15 นาที สังเกตจุดสีน้ำตาลที่เกิดขึ้นเปรียบเทียบกับตำแหน่งกับสารละลายมาตรฐานของ diaminopimelic acid

## 4. การจัดจำแนกเชื้อ *Streptomyces* spp. โดยใช้ numerical taxonomy (Kampfer et al., 1991)

นำข้อมูลที่ได้จากการศึกษาลักษณะทางสัณฐานวิทยา สรีรวิทยา การผลิตเม็ดสี และการทดสอบทางชีวเคมีของเชื้อสเตรปโตมัยซีทมาวิเคราะห์ทาง numerical taxonomy โดยใช้โปรแกรม NTSYS pc 2.1 วิเคราะห์ความสัมพันธ์โดยใช้ simple matching coefficient (Ssm) และทำการจัดกลุ่มโดยใช้ unweighted pair group method with arithmetic averages algorithm (UPGMA) และสร้าง dendrogram

## 5. คุณสมบัติทางด้านพันธุกรรม

### 5.1 ศึกษาลำดับนิวคลีโอไทด์ของส่วน 16S rRNA gene ในเชื้อ *Streptomyces* spp.

#### 5.1.1 การสกัด genomic DNA

สกัด genomic DNA ของสเตรปโตมัยซีทโดยใช้ G-spin™ Genomic DNA Extraction Kit โดยเลี้ยงเชื้อในอาหาร GYM broth ที่อุณหภูมิ 30°C เป็นเวลา 7 วัน จากนั้นนำเซลล์ที่ได้ใส่ eppendorf tube นำไป centrifuge ที่ 13,000 rpm เป็นเวลา 1 นาที เทน้ำเลี้ยงเซลล์ทิ้ง แล้วล้างเซลล์ให้สะอาดด้วยน้ำกลั่นที่ปลอดเชื้อ จำนวน 2 ครั้ง

#### 5.1.2 การเพิ่มปริมาณชิ้นส่วนดีเอ็นเอส่วน 16S rDNA ด้วยเทคนิค PCR

สังเคราะห์ส่วน 16S rRNA gene โดยแบ่ง genomic DNA จำนวน 1 µl มาเป็นต้นแบบในการเพิ่มปริมาณชิ้นส่วน 16S rDNA ของเชื้อ *Streptomyces* spp. โดยใช้ universal primer forward (8f) 5' AGAGTTTGATCCTGGCTCAG 3' และ reverse

(1525r) 5'AGAGTTTGATCCTGGCTCAGAGGAGGTGATCCAGCC 3' (Shrout *et al.*, 2005)

โดยส่วนผสมในปฏิกิริยามีดังนี้

ส่วนผสม	ปริมาตร (μl)
น้ำกลั่นที่ปลอดนิวคลีเอส	11.5
10x PCR buffer	2.0
2.5 mM dNTPs	1.0
10 pmol primer 8f	1.0
10 pmol primer 1525r	1.0
5 U/ μl <i>Taq</i> DNA polymerase (ยี่ห้อ RBC)	0.5
DNA	3.0
Total volume	20.0

นำเข้าเครื่อง Thermal cycle โดยจัดโปรแกรมอุณหภูมิและเวลาในแต่ละขั้นตอนดังนี้

ขั้นตอน	อุณหภูมิ (°C)	เวลา (นาที)	จำนวนรอบ
1. Hot start	94	3	1
2. Denature	94	1	30
3. Annealing	60	1	
4. Extension	72	3	
5. Final extension	72	10	1

เมื่อสิ้นสุดขั้นตอนทั้งหมด ทำ electrophoresis เพื่อตรวจวิเคราะห์การเพิ่มปริมาณดีเอ็นเอ ส่วน 16S rDNA ของเชื้อ *Streptomyces* spp. โดยใช้ agarose gel 1% ในสารละลาย TE ในการทำ electrophoresis ผสม PCR product 3 μl กับ loading dye 1 μl หยดใส่แผ่น gel แล้วจึงเปิดเครื่อง electrophoresis ให้มีความต่างศักย์ 100 volts ประมาณ 20 นาที หลังจากนั้นนำ gel ไปย้อมด้วย ethidium bromide เป็นเวลา 1 นาที แล้วนำ gel ไปล้างด้วยน้ำกลั่นเป็นเวลา 15 นาที ดูลักษณะการเกิดแถบดีเอ็นเอภายใต้แสงอัลตราไวโอเล็ต

### 5.1.3 การวิเคราะห์ลำดับนิวคลีโอไทด์

เปรียบเทียบลำดับนิวคลีโอไทด์ที่ได้กับนิวคลีโอไทด์ของเชื้อมาตรฐานวงศ์ Streptomycetaceas ที่มีรายงานอยู่ในฐานข้อมูลในเว็บไซต์ของ EzTaxon server (<http://www.eztaxon.org/>; Chun *et al.*, 2007) นำนิวคลีโอไทด์ของเชื้อที่มีความสัมพันธ์ใกล้เคียงที่สุด สร้าง phylogenetic tree ใช้วิธี neighbour-joining (Jukes & Cantor, 1969)