

ผนวก ข

การประเมินค่า จำนวนแอลลีล, Polymorphism Information Content และ Discrimination Power ของเครื่องหมาย EST-SSR จำนวน 302 คู่ไพรเมอร์ แสดงแถบดีเอ็นเอ 280 เครื่องหมาย

Marker	motif	AlleleNo	GeneDiversity	Heterozygosity	PIC	D
PESTM101_130	(A)12	3.0000	0.505	0.509	0.434	0.704
PESTM101_200	(A)12	2.0000	0.017	0.018	0.017	0.035
PESTM11_200	(T)10	3.0000	0.544	0.596	0.471	0.554
PESTM11_249	(T)10	3.0000	0.301	0.263	0.275	0.426
PESTM110_311	(GCA)6	2.0000	0.068	0.000	0.065	0.069
PESTM113_151	(TTC)5	2.0000	0.465	0.000	0.357	0.474
PESTM119_230	(A)13	4.0000	0.550	1.000	0.448	0.197
PESTM121_680	(AT)9	2.0000	0.361	0.474	0.296	0.508
PESTM130_390	(GCT)7	2.0000	0.215	0.070	0.192	0.283
PESTM141_126	(AG)11	2.0000	0.160	0.105	0.147	0.253
PESTM141_249	(AG)11	3.0000	0.265	0.158	0.248	0.369
PESTM142_220	(AAG)5	2.0000	0.494	0.754	0.372	0.402
PESTM308_200	(AG)7	4.0000	0.683	0.456	0.621	0.776
PESTM315_200	(TC)9	4.0000	0.618	0.842	0.547	0.506
PESTM315_249	(TC)9	2.0000	0.352	0.246	0.290	0.516
PESTM317_151	(AT)7	3.0000	0.395	0.281	0.354	0.583
PESTM331_151	(AT)6	2.0000	0.499	0.965	0.375	0.069
PESTM332_311	(AT)6	4.0000	0.180	0.158	0.175	0.313
PESTM336_380	(ATA)8	2.0000	0.034	0.035	0.034	0.069
PESTM337_249	(CAT)5	2.0000	0.352	0.456	0.290	0.505
PESTM338_130	(AAG)5	2.0000	0.426	0.579	0.335	0.511
PESTM341_105	(TC)6	4.0000	0.668	0.912	0.603	0.530
PESTM342_120	(AG)6	2.0000	0.352	0.456	0.290	0.505
PESTM343_151	(GA)6	2.0000	0.266	0.316	0.231	0.440
PESTM343_249	(CCA)5	2.0000	0.332	0.421	0.277	0.496
PESTM344_180	(TCT)5	4.0000	0.671	0.825	0.621	0.772
PESTM349_280	(ATT)5	4.0000	0.708	0.789	0.655	0.599
PESTM351_130	(GAG)6	3.0000	0.331	0.404	0.291	0.528
PESTM351_249	(GAG)6	3.0000	0.331	0.404	0.291	0.528
PESTM352_460	(AGG)6	4.0000	0.654	0.649	0.588	0.689
PESTM359_145	(ATC)5	4.0000	0.638	0.474	0.567	0.747
PESTM359_180	(ATC)5	2.0000	0.496	0.281	0.373	0.670
PESTM363_300	(AAGA)4	2.0000	0.432	0.105	0.339	0.530
PESTM386_726	(TGCG)4	2.0000	0.100	0.000	0.095	0.102
PESTM394_114	(ATAC)4	2.0000	0.034	0.035	0.034	0.069

ผนวก ข (ต่อ)

Marker	motif	AlleleNo	GeneDiversity	Heterozygosity	PIC	D
PESTM403_260	(AAAAG)5	2.0000	0.500	0.982	0.375	0.035
PESTM405_380	(AAAAT)5	4.0000	0.739	1.000	0.691	0.740
PESTM413_180	(TTCTT)4	3.0000	0.133	0.070	0.129	0.197
PESTM421_150	(ATTTTT)4	2.0000	0.444	0.000	0.346	0.452
PESTM428_180	(CAA)5, (A)11	4.0000	0.660	0.772	0.601	0.761
PESTM43_417	(AG)8	2.0000	0.419	0.246	0.331	0.571
PESTM432_500	(ACCG)4	2.0000	0.188	0.000	0.171	0.192
PESTM435_200	(A)15	2.0000	0.051	0.053	0.050	0.102
PESTM457_100	(GA)12	3.0000	0.336	0.263	0.302	0.521
PESTM458_141	(CT)10	3.0000	0.472	0.193	0.389	0.613
PESTM459_118	(AG)11	3.0000	0.449	0.298	0.401	0.636
PESTM461_118	(GA)8	2.0000	0.145	0.158	0.135	0.271
PESTM463_200	(AC)10	4.0000	0.656	0.456	0.608	0.784
PESTM463_280	(AC)10	2.0000	0.499	0.000	0.374	0.508
PESTM463_311	(AC)10	4.0000	0.464	0.439	0.391	0.643
PESTM464_220	(AT)8	2.0000	0.492	0.316	0.371	0.670
PESTM467_130	(AG)11	4.0000	0.552	0.421	0.461	0.739
PESTM468_230	(AT)8	3.0000	0.489	0.491	0.399	0.665
PESTM469_200	(TA)8	4.0000	0.165	0.070	0.161	0.200
PESTM470_200	(GT)8	3.0000	0.444	0.491	0.382	0.606
PESTM471_151	(CT)9	2.0000	0.499	0.579	0.375	0.586
PESTM471_180	(CT)9	2.0000	0.499	0.368	0.375	0.676
PESTM472_151	(AG)13	3.0000	0.560	0.211	0.498	0.702
PESTM474_200	(CT)12	3.0000	0.519	0.368	0.459	0.715
PESTM475_311	(GA)12	4.0000	0.546	0.316	0.458	0.724
PESTM476_427	(AG)10	2.0000	0.202	0.193	0.182	0.345
PESTM477_180	(CT)8	2.0000	0.485	0.053	0.367	0.543
PESTM478_180	(CT)10	5.0000	0.682	0.246	0.642	0.789
PESTM478_427	(CT)10	2.0000	0.017	0.018	0.017	0.035
PESTM479_180	(TA)11	2.0000	0.017	0.018	0.017	0.035
PESTM479_249	(TA)11	4.0000	0.681	0.175	0.620	0.763
PESTM481_380	(GCT)7	3.0000	0.548	0.912	0.445	0.167
PESTM484_311	(GGT)6	2.0000	0.278	0.333	0.239	0.452
PESTM485_311	(CGC)6	2.0000	0.241	0.035	0.212	0.279
PESTM486_249	(AAT)9	2.0000	0.499	0.474	0.375	0.648
PESTM486_500	(AAT)9	3.0000	0.482	0.439	0.434	0.684
PESTM487_249	(AGA)6	2.0000	0.474	0.772	0.362	0.358
PESTM488_130	(ATA)6	4.0000	0.517	0.684	0.472	0.711
PESTM494_360	(GCG)6	4.0000	0.457	0.333	0.418	0.607
PESTM495_360	(AAAT)5	2.0000	0.379	0.509	0.307	0.509
PESTM496_460	(TAAT)5	2.0000	0.456	0.702	0.352	0.426

ผนวก ข (ต่อ)

Marker	motif	AlleleNo	GeneDiversity	Heterozygosity	PIC	D
PESTM498_280	(TAAA)5	3.0000	0.459	0.386	0.411	0.591
PESTM499_240	(TTTA)7	2.0000	0.266	0.316	0.231	0.440
PESTM50_145	(CGC)7	2.0000	0.478	0.298	0.364	0.654
PESTM50_280	(CGC)7	2.0000	0.498	0.860	0.374	0.253
PESTM500_311	(ATTT)7	4.0000	0.621	0.544	0.564	0.805
PESTM502_340	(AAAAAT)5	3.0000	0.598	0.947	0.524	0.508
PESTM502_360	(AAAAAT)5	3.0000	0.629	0.965	0.558	0.590
PESTM503_311	(CGATTT)5	4.0000	0.525	0.018	0.427	0.544
PESTM504_427	(GGTTAG)5	4.0000	0.620	0.456	0.544	0.801
PESTM505_200	(CCGA)6, (CCGA)6	2.0000	0.444	0.561	0.346	0.543
PESTM506_280	(TA)7, (TG)9	5.0000	0.677	0.298	0.637	0.805
PESTM509_360	(A)16	3.0000	0.499	0.298	0.447	0.635
PESTM511_200	(T)16	2.0000	0.450	0.404	0.349	0.620
PESTM512_118	(A)16	4.0000	0.646	0.737	0.581	0.710
PESTM512_180	(A)16	3.0000	0.587	0.211	0.521	0.692
PESTM513_151	(A)16	3.0000	0.431	0.509	0.389	0.645
PESTM514_140	(A)16	3.0000	0.278	0.246	0.259	0.435
PESTM515_151	(A)16	3.0000	0.161	0.158	0.151	0.276
PESTM517_427	(A)16	2.0000	0.084	0.053	0.080	0.135
PESTM518_151	(A)16	2.0000	0.188	0.000	0.171	0.199
PESTM519_145	(A)16	4.0000	0.516	0.509	0.454	0.711
PESTM520_151	(A)16	4.0000	0.611	0.702	0.536	0.652
PESTM521_249	(A)16	3.0000	0.585	0.596	0.510	0.708
PESTM523_360	(A)16	3.0000	0.328	0.351	0.300	0.543
PESTM524_360	(A)16	3.0000	0.532	0.439	0.430	0.721
PESTM525_220	(A)16	2.0000	0.496	0.386	0.373	0.670
PESTM526_360	(A)16	3.0000	0.251	0.105	0.236	0.341
PESTM527_427	(A)16	3.0000	0.586	0.018	0.515	0.611
PESTM528_140	(A)16	3.0000	0.500	0.684	0.383	0.504
PESTM529_151	(T)17	4.0000	0.535	0.351	0.489	0.721
PESTM533_140	(A)17	4.0000	0.635	0.298	0.567	0.780
PESTM534_311	(A)17	2.0000	0.481	0.000	0.366	0.490
PESTM535_200	(A)17	2.0000	0.488	0.421	0.369	0.654
PESTM536_526	(T)18	2.0000	0.361	0.474	0.296	0.508
PESTM540_118	(A)18	2.0000	0.456	0.421	0.352	0.622
PESTM541_311	(A)18	3.0000	0.585	0.228	0.508	0.671
PESTM542_360	(A)18	3.0000	0.491	0.386	0.442	0.672
PESTM545_151	(A)18	3.0000	0.561	0.842	0.464	0.286
PESTM546_700	(A)18	2.0000	0.488	0.842	0.369	0.271
PESTM547_311	(A)18	3.0000	0.352	0.175	0.321	0.491

ผนวก ข (ต่อ)

Marker	motif	AlleleNo	GeneDiversity	Heterozygosity	PIC	D
PESTM548_320	(G)18	3.0000	0.395	0.246	0.354	0.565
PESTM549_413	(A)18	4.0000	0.562	0.772	0.501	0.665
PESTM550_180	(A)18	2.0000	0.499	0.298	0.375	0.676
PESTM551_311	(A)18	2.0000	0.301	0.368	0.255	0.474
PESTM552_360	(T)19	4.0000	0.626	0.842	0.568	0.620
PESTM554_151	(A)19	4.0000	0.559	0.702	0.487	0.675
PESTM555_320	(A)19	2.0000	0.188	0.105	0.171	0.282
PESTM556_151	(A)20	4.0000	0.630	0.912	0.563	0.524
PESTM557_553	(A)20	3.0000	0.526	0.175	0.433	0.658
PESTM558_130	(A)21	4.0000	0.348	0.281	0.312	0.530
PESTM558_180	(A)21	2.0000	0.034	0.000	0.034	0.035
PESTM560_380	(A)23	2.0000	0.450	0.158	0.349	0.581
PESTM561_311	(CT)7	2.0000	0.311	0.386	0.263	0.482
PESTM562_427	(CT)7	2.0000	0.301	0.123	0.255	0.408
PESTM564_140	(GT)7	3.0000	0.653	0.825	0.578	0.588
PESTM565_151	(AC)7	3.0000	0.478	0.456	0.379	0.638
PESTM566_249	(AG)7	2.0000	0.432	0.561	0.339	0.530
PESTM567_118	(GA)7	3.0000	0.247	0.246	0.227	0.424
PESTM568_130	(CT)7	3.0000	0.223	0.211	0.211	0.388
PESTM569_140	(TC)7	4.0000	0.555	0.895	0.456	0.372
PESTM573_249	(AT)7	2.0000	0.322	0.228	0.270	0.481
PESTM574_340	(CT)7	2.0000	0.404	0.456	0.322	0.558
PESTM576_249	(AT)7	3.0000	0.611	1.000	0.528	0.451
PESTM577_360	(TC)7	2.0000	0.461	0.649	0.355	0.486
PESTM579_200	(TA)7	3.0000	0.564	0.614	0.476	0.568
PESTM579_249	(TA)7	4.0000	0.636	0.807	0.573	0.544
PESTM579_480	(TA)7	2.0000	0.438	0.649	0.342	0.464
PESTM580_200	(TA)7	3.0000	0.571	0.351	0.501	0.755
PESTM581_249	(TC)7	2.0000	0.034	0.000	0.034	0.035
PESTM581_360	(TC)7	2.0000	0.034	0.000	0.034	0.035
PESTM582_130	(AT)7	2.0000	0.215	0.175	0.192	0.351
PESTM583_150	(AT)7	2.0000	0.241	0.281	0.212	0.411
PESTM585_360	(TA)7	2.0000	0.444	0.596	0.346	0.516
PESTM586_427	(AC)7	2.0000	0.411	0.579	0.327	0.496
PESTM587_200	(CT)7	3.0000	0.462	0.474	0.370	0.601
PESTM588_430	(AT)7	3.0000	0.235	0.228	0.219	0.408
PESTM591_180	(AT)7	4.0000	0.612	0.895	0.558	0.670
PESTM592_140	(CT)7	3.0000	0.508	0.965	0.387	0.103
PESTM592_360	(CT)7	2.0000	0.160	0.175	0.147	0.294
PESTM593_118	(AG)7	2.0000	0.017	0.018	0.017	0.035
PESTM594_360	(TC)7	2.0000	0.474	0.772	0.362	0.358

ผนวก ข (ต่อ)

Marker	motif	AlleleNo	GeneDiversity	Heterozygosity	PIC	D
PESTM595_427	(AG)7	2.0000	0.498	0.930	0.374	0.133
PESTM596_311	(AT)7	2.0000	0.396	0.544	0.318	0.505
PESTM597_110	(AT)7	2.0000	0.456	0.702	0.352	0.426
PESTM598_150	(AC)7	2.0000	0.490	0.860	0.370	0.246
PESTM599_280	(AT)7	2.0000	0.500	0.982	0.375	0.035
PESTM599_311	(AT)7	2.0000	0.034	0.000	0.034	0.035
PESTM60_200	(CGC)6	3.0000	0.474	0.105	0.401	0.543
PESTM601_249	(TC)7	4.0000	0.677	0.158	0.617	0.773
PESTM602_460	(TA)7	2.0000	0.488	0.842	0.369	0.271
PESTM603_151	(TC)7	2.0000	0.426	0.614	0.335	0.482
PESTM604_180	(AT)7	2.0000	0.485	0.193	0.367	0.633
PESTM605_280	(TA)7	3.0000	0.428	0.596	0.350	0.530
PESTM605_311	(TA)7	3.0000	0.509	0.579	0.428	0.657
PESTM606_249	(TA)7	2.0000	0.266	0.000	0.231	0.271
PESTM607_151	(GC)7	4.0000	0.555	0.895	0.468	0.437
PESTM607_300	(GC)7	2.0000	0.438	0.193	0.342	0.586
PESTM609_427	(GA)7	2.0000	0.494	0.895	0.372	0.192
PESTM61_520	(AAT)5	3.0000	0.433	0.561	0.359	0.536
PESTM610_130	(TA)7	5.0000	0.480	0.316	0.422	0.650
PESTM611_360	(AT)8	3.0000	0.329	0.351	0.303	0.546
PESTM612_100	(GA)8	2.0000	0.456	0.526	0.352	0.576
PESTM612_400	(GA)8	2.0000	0.456	0.526	0.352	0.576
PESTM613_200	(TC)8	2.0000	0.490	0.719	0.370	0.441
PESTM614_210	(TA)8	3.0000	0.613	0.193	0.540	0.737
PESTM614_360	(TA)8	2.0000	0.215	0.246	0.192	0.377
PESTM615_140	(GT)8	3.0000	0.599	0.930	0.528	0.546
PESTM615_311	(GT)8	2.0000	0.474	0.000	0.362	0.482
PESTM616_180	(CT)8	2.0000	0.419	0.421	0.331	0.584
PESTM616_360	(CT)8	2.0000	0.160	0.140	0.147	0.276
PESTM618_360	(AT)8	2.0000	0.496	0.316	0.373	0.674
PESTM619_311	(AT)8	2.0000	0.131	0.140	0.122	0.246
PESTM62_154	(TTC)7	2.0000	0.379	0.509	0.307	0.509
PESTM62_311	(TTC)7	2.0000	0.379	0.474	0.307	0.526
PESTM621_140	(TG)8	2.0000	0.131	0.000	0.122	0.133
PESTM621_180	(TG)8	2.0000	0.051	0.053	0.050	0.102
PESTM622_260	(TA)8	3.0000	0.341	0.368	0.312	0.561
PESTM623_140	(GA)8	2.0000	0.411	0.579	0.327	0.496
PESTM624_200	(TC)8	2.0000	0.456	0.702	0.352	0.426
PESTM627_350	(TA)8	3.0000	0.488	0.351	0.405	0.672
PESTM628_249	(AT)8	3.0000	0.523	0.281	0.418	0.695
PESTM629_200	(AG)8	2.0000	0.051	0.053	0.050	0.102

ผนวก ข (ต่อ)

Marker	motif	AlleleNo	GeneDiversity	Heterozygosity	PIC	D
PESTM629_311	(AG)8	3.0000	0.485	0.404	0.375	0.662
PESTM632_249	(TC)9	2.0000	0.160	0.175	0.147	0.294
PESTM633_151	(GA)9	3.0000	0.664	0.316	0.590	0.749
PESTM633_311	(GA)9	2.0000	0.411	0.193	0.327	0.558
PESTM635_150	(TG)9	2.0000	0.188	0.140	0.171	0.305
PESTM636_150	(AC)10	3.0000	0.378	0.316	0.345	0.563
PESTM637_311	(AG)10	3.0000	0.278	0.175	0.260	0.414
PESTM638_151	(GA)10	3.0000	0.331	0.404	0.291	0.528
PESTM64_1000	(CAG)7	3.0000	0.528	0.561	0.444	0.588
PESTM641_118	(CA)11	2.0000	0.444	0.561	0.346	0.543
PESTM642_311	(TC)11	2.0000	0.492	0.140	0.371	0.614
PESTM643_150	(AG)11	4.0000	0.517	0.035	0.400	0.542
PESTM644_360	(TG)11	2.0000	0.174	0.193	0.159	0.317
PESTM648_180	(TG)12	3.0000	0.539	0.719	0.446	0.591
PESTM649_140	(GA)13	4.0000	0.669	0.421	0.612	0.808
PESTM650_280	(AG)14	2.0000	0.499	0.439	0.375	0.661
PESTM651_280	(TTA)6	2.0000	0.481	0.281	0.366	0.655
PESTM652_140	(GAG)6	2.0000	0.174	0.193	0.159	0.317
PESTM653_249	(TCC)6	3.0000	0.301	0.351	0.275	0.511
PESTM654_220	(AAG)6	2.0000	0.411	0.579	0.327	0.496
PESTM656_151	(GAA)6	3.0000	0.389	0.439	0.354	0.611
PESTM657_200	(AGA)6	2.0000	0.241	0.246	0.212	0.404
PESTM657_311	(AGA)6	2.0000	0.278	0.333	0.239	0.452
PESTM658_311	(AAT)6	2.0000	0.474	0.772	0.362	0.358
PESTM660_249	(TTA)7	4.0000	0.603	0.789	0.522	0.648
PESTM662_220	(GAT)7	3.0000	0.540	1.000	0.434	0.163
PESTM663_118	(AAT)7	3.0000	0.609	0.965	0.537	0.516
PESTM666_311	(GGA)7	2.0000	0.301	0.228	0.255	0.828
PESTM667_380	(AAT)7	2.0000	0.278	0.333	0.239	0.452
PESTM668_280	(GCC)7	2.0000	0.174	0.123	0.159	0.279
PESTM670_160	(ATA)7	3.0000	0.482	0.316	0.434	0.664
PESTM671_412	(ATT)8	2.0000	0.202	0.193	0.182	0.288
PESTM676_380	(AAT)9	3.0000	0.595	0.175	0.518	0.716
PESTM677_118	(GAT)9	2.0000	0.322	0.404	0.270	0.490
PESTM678_118	(TAT)11	5.0000	0.683	0.386	0.620	0.738
PESTM678_249	(TAT)11	4.0000	0.593	0.070	0.509	0.630
PESTM679_151	(TAAT)5	2.0000	0.481	0.456	0.366	0.637
PESTM680_380	(TTAT)5	4.0000	0.543	0.667	0.495	0.694
PESTM681_200	(AAAT)5	2.0000	0.492	0.316	0.371	0.670
PESTM682_230	(TTAT)5	2.0000	0.500	0.211	0.375	0.655
PESTM683_360	(ATGT)5	2.0000	0.068	0.000	0.065	0.069

ผนวก ข (ต่อ)

Marker	motif	AlleleNo	GeneDiversity	Heterozygosity	PIC	D
PESTM685_220	(CAAA)5	2.0000	0.241	0.211	0.212	0.392
PESTM687_140	(AAAT)6	3.0000	0.563	0.807	0.501	0.648
PESTM689_210	(CGAC)7	4.0000	0.165	0.105	0.160	0.230
PESTM690_230	(TCTCT)5	2.0000	0.444	0.667	0.346	0.452
PESTM691_300	(TGGGG)5	2.0000	0.051	0.053	0.050	0.102
PESTM692_380	(CTTTT)5	2.0000	0.371	0.456	0.302	0.524
PESTM694_200	(AAATA)5	2.0000	0.068	0.070	0.065	0.133
PESTM696_360	(GGTCTC)4	2.0000	0.229	0.263	0.202	0.395
PESTM698_140	(GCGAGG)5	2.0000	0.278	0.158	0.239	0.405
PESTM698_360	(GCGAGG)5	2.0000	0.278	0.158	0.239	0.405
PESTM700_220	(GTGGGA)5	2.0000	0.017	0.018	0.017	0.035
PESTM703_151	(GA)6, (GA)7	3.0000	0.271	0.281	0.242	0.454
PESTM706_220	(A)17, (A)13	4.0000	0.361	0.158	0.325	0.488
PESTM709_311	(A)13, (A)18	2.0000	0.352	0.386	0.290	0.490
PESTM710_311	(A)10, (A)16	3.0000	0.366	0.211	0.320	0.511
PESTM711_360	(A)19, (A)12	3.0000	0.306	0.193	0.269	0.448
PESTM712_200	(C)10, (A)16	3.0000	0.517	0.965	0.400	0.069
PESTM713_249	(TTC)6, (T)12, (T)10, (A)14	3.0000	0.328	0.246	0.300	0.506
PESTM714_249	(TTAT)5, (AATA)5	2.0000	0.361	0.404	0.296	0.530
PESTM715_360	(A)16, (A)10, (G)10	3.0000	0.574	0.193	0.494	0.706
PESTM717_260	(AG)9, (GT)7	4.0000	0.484	0.596	0.429	0.638
PESTM72_480	(CTT)5	2.0000	0.311	0.386	0.263	0.482
PESTM721_360	(A)11, (AAT)6	2.0000	0.311	0.070	0.263	0.381
PESTM722_180	(A)14, (AAG)6	2.0000	0.115	0.088	0.109	0.195
PESTM724_200	(TA)8, (TCGC)4	2.0000	0.254	0.088	0.222	0.336
PESTM724_500	(TA)8, (TCGC)4	2.0000	0.404	0.000	0.322	0.411
PESTM73_712	(TGC)5	2.0000	0.229	0.263	0.202	0.395
PESTM75_300	(AAG)5	2.0000	0.174	0.193	0.159	0.317
PESTM77_220	(GCA)5	3.0000	0.378	0.035	0.346	0.414
PESTM79_480	(AAG)5	2.0000	0.145	0.158	0.135	0.271
PESTM80_249	(GCG)6	2.0000	0.215	0.000	0.192	0.219
PESTM84_380	(TCGA)4	2.0000	0.499	0.965	0.375	0.069
PESTM85_260	(ATG)5	4.0000	0.434	0.228	0.395	0.563
PESTM87_118	(AAAAT)4	2.0000	0.311	0.000	0.263	0.317
PESTM87_360	(AAAAT)4	3.0000	0.600	0.456	0.533	0.652

ผนวก ข (ต่อ)

Marker	motif	AlleleNo	GeneDiversity	Heterozygosity	PIC	D
PESTM91_520	(GAA)7	3.0000	0.644	0.193	0.568	0.754
PESTM94_125	(GGCGCC)3, (GCAG)3	3.0000	0.633	0.158	0.557	0.736
PESTM96_500	(GCG)6	2.0000	0.229	0.193	0.202	0.372
PESTM97_330	(TTC)9	4.0000	0.614	0.561	0.537	0.767
PESTM98_400	(GA)14	5.0000	0.324	0.263	0.311	0.512
PESTM99_427	(T)10	3.0000	0.194	0.123	0.185	0.226
<b>Mean</b>		<b>2.6821</b>	<b>0.404</b>	<b>0.383</b>	<b>0.342</b>	<b>0.479</b>