บทที่ 6

สรุปผลการทดลอง และข้อเสนอแนะ

สรุป

จากผลการวิเคราะห์ความสัมพันธ์ของเครื่องหมายโมเลกุลดีเอ็นเอของยีนเป้าหมาย จำนวน 4 ยีน ประกอบด้วย *Ryanodine receptor (RYR), Rendement Napole (RN), Insulin-like growth factor 2 (IGF2)* และ *Leptin (LEP)* ต่อลักษณะ drip loss ของเนื้อสุกร สรุปได้ว่า

1) เครื่องหมายโมเลกุลดีเอ็นเอของยีน *LEP* ไม่มีความสัมพันธ์กับลักษณะ drip loss ของเนื้อสุกรทั้งในสุกรพันธุ์ Duroc และสายพันธุ์ลูกผสม 3 สาย

2) เครื่องหมายโมเลกุลดีเอ็นเอของยีน *IGF2* มีความสัมพันธ์กับลักษณะ drip loss ของเนื้อสุกรสายพันธุ์ลูกผสม 3 สาย

3) เครื่องหมายโมเลกุลดีเอ็นเอของยีน *PRKAG3* มีความสัมพันธ์กับลักษณะ drip loss ของเนื้อสุกรพันธุ์ Duroc

4) เครื่องหมายโมเลกุลดีเอ็นเอของยีน *RYR* มีความสัมพันธ์กับลักษณะ drip loss ของเนื้อสุกรทั้งในสุกรพันธุ์ Duroc และสายพันธุ์ลูกผสม 3 สาย

5) เครื่องหมายโมเลกุลดีเอ็นเอของยีน *LEP* และ *IGF2* มีความสัมพันธ์กับลักษณะ drip loss ของเนื้อสุกรสายพันธุ์ลูกผสม 3 สาย

6) เครื่องหมายโมเลกุลดีเอ็นเอของยีน *LEP* และ *PRKAG3* มีความสัมพันธ์กับลักษณะ drip loss ของเนื้อสุกรพันธุ์ Duroc

7) เครื่องหมายโมเลกุลดีเอ็นเอของยีน *LEP* และ *RYR* มีความสัมพันธ์กับลักษณะ drip loss ของเนื้อสุกรสายพันธุ์ลูกผสม 3 สาย

8) เครื่องหมายโมเลกุลดีเอ็นเอของยีน *IGF2* และ *PRKAG3* มีความสัมพันธ์กับลักษณะ drip loss ของเนื้อสุกรพันธุ์ Duroc และสายพันธุ์ลูกผสม 3 สาย

9) เครื่องหมายโมเลกุลดีเอ็นเอของยีน *IGF2* และ *RYR* มีความสัมพันธ์กับลักษณะ drip loss ของเนื้อสุกรพันธุ์ Duroc และสายพันธุ์ลูกผสม 3 สาย

10) เครื่องหมายโมเลกุลดีเอ็นเอของยีน *PRKAG3* และ *RYR* มีความสัมพันธ์กับลักษณะ drip loss ของเนื้อสุกรพันธุ์ Duroc และสายพันธุ์ลูกผสม 3 สาย

ข้อเสนอแนะ

ในการศึกษาครั้งนี้เป็นการคัดเลือกและค้นหาเครื่องหมายโมเลกุลดีเอ็นเอของยีนบนตำแหน่งที่มีความสำคัญต่อลักษณะ drip loss ของสุกรพบว่าหากมีการใช้จำนวนเครื่องหมายโมเลกุลดีเอ็นเอ แบบ multiple marker จะมีศักยภาพในการหาความสัมพันธ์กับลักษณะ drip loss มากกว่าการใช้จำนวนเครื่องหมายโมเลกุลดีเอ็นเอแบบ single marker

นอกจากนี้คณะผู้วิจัยได้ค้นพบว่าเครื่องหมายโมเลกุลดีเอ็นเอบางตำแหน่งมีความสัมพันธ์กับลักษณะ drip loss นอกจากนี้ยังมีรายงานทางวิชาการ ที่ระบุตำแหน่ง QTL ที่เกี่ยวข้องกับลักษณะ drip loss เป็นจำนวนมาก แต่ยังไม่ได้ถูกวิเคราะห์เพื่อระบุ candidate gene อย่างชัดเจน อย่างไรก็ตามในปัจจุบันเทคโนโลยี SNP chip สามารถตรวจสอบ markers ได้ครั้งละประมาณ 60,000 ตำแหน่ง ซึ่งเอื้ออำนวยต่อการค้นหาเครื่องหมายโมเลกุลดีเอ็นเออื่นๆที่เกี่ยวข้องกับลักษณะ drip loss โดยครอบคลุมจีโนมทั้งหมดของสุกร ดังนั้นเทคโนโลยีนี้จึงน่าจะเป็นแนวทางในค้นหาเครื่องหมายโมเลกุลดีเอ็นเอใหม่ๆ ได้อย่างมีประสิทธิภาพในอนาคตต่อไป