

เชื้อไวรัสตับอักเสบชนิดซีที่เป็นสาเหตุสำคัญของโรคตับอักเสบชนิดเฉียบพลันและเรื้อรังสามารถแบ่งได้เป็น 6 จีโนทัยปี ความแตกต่างของจีโนทัยปีมีความสำคัญทางด้านการศึกษาระบบดิบ วิทยา การรักษาทางด้านคลินิก และการตรวจวินิจฉัยการติดเชื้อที่มีความจำเพาะในแต่ละภูมิภาค การศึกษานี้ต้องการศึกษาภาวะการกระจายการติดเชื้อไวรัสตับอักเสบชนิดซีสายพันธุ์ต่างๆ ในกลุ่มผู้บริจากโลหิตจากสถานที่ต่างๆ จังหวัดพิษณุโลก ประเทศไทย ได้ทำการศึกษาตัวอย่างจำนวน 134 ตัวอย่างจากผู้บริจากโลหิตที่ตรวจพบแอนติบอดีต่อเชื้อไวรัสตับอักเสบชนิดซี โดยตรวจพบว่า เอ็น เอ ของเชื้อไวรัสตับอักเสบชนิดซีโดยวิธี nested PCR ได้ในตัวอย่างจำนวน 108 ตัวอย่าง (80.6%) ตรวจจีโนทัยปีโดยใช้ primer ที่มีความจำเพาะต่อสายพันธุ์ของเชื้อไวรัสตับอักเสบชนิดซี ในตำแหน่ง core region โดยพบจีโนทัยปีที่แตกต่างกันได้ 4 จีโนทัยปี จีโนทัยปีที่พบมากที่สุดคือ จีโนทัยปี 3a (38%) รองลงมาคือ จีโนทัยปี 6 (29.6%), 1a (19.4%) และ 1b (6.5%) ตามลำดับ ตัวอย่างจำนวน 7 ตัวอย่างไม่สามารถออกจีโนทัยปีได้ (6.5%) จากรายงานที่ผ่านมาพบว่าเปอร์เซ็นต์ของการแพร่กระจายของเชื้อไวรัสตับอักเสบชนิดซีในประเทศไทยได้แก่ จีโนทัยปี 3, 1 และ 6 ตามลำดับ อย่างไรก็ตามผลจากการศึกษาครั้งนี้แสดงให้เห็นถึงการแพร่กระจายของจีโนทัยปี 6 ที่เพิ่มมากขึ้นในกลุ่มผู้บริจากโลหิต

223042

Hepatitis C virus (HCV), a major causative agent of acute and chronic hepatitis, is classified into six genotypes. Genotyping of HCV is significant for epidemiology, clinical management and region specific diagnostic assays. This study is to determine the distribution of HCV genotype among blood donors from Phisanulok regional blood center, Thailand. Samples from 134 anti-HCV positive blood donors were analyzed. HCV RNA was detected in 108 samples (80.6%) by Nested PCR. HCV genotyping was carried out using type-specific primer for a portion of the core region. Genotype analysis demonstrated four different genotypes. The most frequently detected genotype were genotype 3a (38%), followed by genotype 6 (29.6%), 1a (19.4%) and 1b (6.5%), respectively. Seven samples were untyped (6.5%). In previous reports, the percentage of HCV genotype distributed in Thailand was 3, 1 and 6, respectively. However, the result from this study indicated high prevalence of HCV genotype 6 infection in blood donor group.