

จากการแยกเชื้อร้า *Cercospora* spp. สาเหตุโรคใบบุดจากพืชต่างๆ ได้จำนวน 60 ไอโซเลท และเมื่อตรวจสอบความต้านทานต่อสารการเบนดาซิมพสมบนอาหาร potato dextrose agar (PDA) ที่ 6 ระดับความเข้มข้น คือ 1, 10, 50, 100, 500 (อัตราแนวนำ) และ 1,000 ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร พบว่าเชื้อร้า *Cercospora* spp. ต้านทานสารการเบนดาซิมระดับสูง ($HR \geq 500$ ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร) มีจำนวน 48 ไอโซเลท และเชื้อร้าที่ไม่ต้านทานสารการเบนดาซิมหรือสายพันธุ์ปกติ ($S \leq 1$ ไมโครกรัมต่อมิลลิลิตร) มีจำนวน 12 ไอโซเลท เมื่อนำตัวแทนเชื้อร้าจำนวน 22 ไอโซเลท ประกอบด้วยเชื้อร้าที่ต้านทาน (HR) และไม่ต้านทาน (S) สารการเบนดาซิมจำนวน 19 และ 3 ไอโซเลท ตามลำดับ มาศึกษาลักษณะทางพันธุกรรมที่บริเวณบางส่วนของยีน beta-tubulin (*TUB1*) ด้วยเทคนิค polymerase chain reaction (PCR) พบว่าเชื้อร้าที่ต้านทานสารการเบนดาซิมระดับสูง (HR) เกิดการเปลี่ยนแปลงกรดอะมิโนที่ตำแหน่ง codon 198 โดย glutamic acid (GAG) ถูกแทนที่ด้วย alanine (GCG) และนอกจากนี้ยังพบการเปลี่ยนแปลงกรดอะมิโนที่ตำแหน่ง codon 139 จาก leucine (CTC) ถูกแทนที่ด้วย histidine (CAC) และ codon 189 จาก valine (GTC, GTT) ถูกแทนที่ด้วย alanine (GCC) ของเชื้อร้าไอโซเลท CL06 และ CL43 ตามลำดับ เมื่อเปรียบเทียบกับเชื้อร้าในกลุ่มไม่ต้านทานสารการเบนดาซิม (S)

สำหรับการใช้เชื้อแบคทีโนไนซีสต์ในควบคุมเชื้อร้า *Cercospora spp.* ไอโซเลท CCR07 (S) และ CCR10 (HR) นั้น ได้แยกแยะตัดเลือกเชื้อแบคทีโนไนซีสต์จากดินจำนวน 7 แห่ง ในจังหวัดเชียงใหม่ ซึ่งแยกเชื้อแบคทีโนไนซีสต์ได้ทั้งหมด 191 ไอโซเลท เมื่อนำมาทดสอบประสิทธิภาพการยับยั้งโดยวิธี dual culture บนอาหาร glucose yeast extract-malt extract agar (GYM) พบ 23 ไอโซเลท ที่สามารถยับยั้งการเจริญเติบโตของเชื้อร้า *Cercospora spp.* (S, HR) ได้ตั้งแต่ 75% ซึ่งในจำนวนนี้มีเชื้อแบคทีโนไนซีสต์ที่ยับยั้งการเจริญเติบโตของเชื้อร้าได้ 100% อีกทั้งสามารถผลิตเอนไซม์ไฮดราติน แคตเพนส์ และเซลลูแลสได้ จำนวน 6 ไอโซเลทได้แก่ OMA60-01, OMA60-07, SEA60-34, SEA120-04, SEA120-28 และ SEA120-38

เมื่อทดสอบประสิทธิภาพของน้ำเลี้ยงเชื้อ (enzyme production medium; EPM) ที่ไม่กรอง เชื้อแบคทีโนไนซีสต์ออก (NF) และน้ำกรองเชื้อที่กรองเชื้อแบคทีโนไนซีสต์ออก (F) ทั้ง 6 ไอโซเลท ในการยับยั้งการเจริญเชื้อร้า *Cercospora spp.* ไอโซเลท CCR01 (S) และ CCR10 (HR) พบว่า น้ำเลี้ยงเชื้อแบคทีโนไนซีสต์ (NF) มีเปอร์เซ็นต์การยับยั้งเชื้อร้าสูงอยู่ในช่วง 53.33-69.23% ซึ่งมีค่าสูงกว่าการใช้น้ำกรองเชื้อแบคทีโนไนซีสต์ (F) (16.67-33.33%) ยกเว้นในไอโซเลท SEA60-34 และ SEA120-28 นี้มีเปอร์เซ็นต์การยับยั้งอยู่ในช่วง 53.33-58.97% และ 43.33-58.97% ตามลำดับ และน้ำเลี้ยงเชื้อแบคทีโนไนซีสต์ (NF) ทั้ง 6 ไอโซเลท มีค่าเปอร์เซ็นต์การยับยั้งสูงกว่า การใช้สารชีวภัณฑ์ ของเชื้อ *Bacillus subtilis* (50.00-53.85%) ที่ใช้เป็นชุดควบคุมเปรียบเทียบ เมื่อทดสอบความเป็นพิษของน้ำเลี้ยงเชื้อแบคทีโนไนซีสต์ชนิด NF และ F ทั้ง 6 ไอโซเลท โดยฉีดพ่นลงบนใบต้นกล้าพรวิก และผักกาดหอม พบว่า น้ำเลี้ยงเชื้อแบคทีโนมีชีสทั้งสองชนิดในทุกไอโซเลท ไม่ทำให้ต้นกล้าพรวิก และผักกาดหอม พบว่า น้ำเลี้ยงเชื้อแบคทีโนมีชีสทั้งสองชนิดในทุกไอโซเลท ไม่ทำให้ต้นกล้าพรวิก และผักกาดหอมแสดงอาการผิดปกติ จากนั้นทำการจำแนกชนิดของเชื้อ แบคทีโนไนซีสต์ที่มีประสิทธิภาพทั้ง 6 ไอโซเลท โดยการศึกษาลักษณะการสร้างสปอร์ พบสปอร์ ต่อกันเป็นสายลักษณะของม้วนเป็นวงกล้ามสปริง เมื่อวิเคราะห์หา diaminopimelic acid (DAP) องค์ประกอบพนังเซลล์ โดยวิธี thin layer chromatography (TLC) พบว่า เป็นชนิด LL-isomer ทั้ง 6 ไอโซเลท จากข้อมูลดังกล่าวสามารถสรุปได้ในเบื้องต้นว่า เชื้อแบคทีโนไนซีสต์ทั้ง 6 ไอโซเลท จัดอยู่ในจีนส์ *Streptomyces*

A total of 60 *Cercospora* spp. isolates causing leaf spot disease from various plants were collected and examined for their sensitivity to carbendazim. The carbendazim-sensitivity assays were conducted by growing all isolates on potato dextrose agar (PDA) amended with the carbendazim at 1, 10, 50, 100, 500 (recommended concentration) and 1,000 µg/ml concentration. The result showed that 48 isolates were highly resistant (HR \geq 500 µg/ml) and 12 isolates were sensitive ($S \leq 1$ µg/ml) to the carbendazim. The partial beta-tubulin gene (*TUB1*) sequences of 22 representative *Cercospora* isolates showed a point mutation with substitution of the amino acid from glutamic acid (GAG) to alanine (GCG) at codon 198 for the HR phenotypes. Furthermore, the respective amino acid substitutions from leucine (CTC) to histidine (CAC) and valine (GTC, GTT) to alanine (GCC) at codons 139 and 189 of isolates CL06 and CL43 (HR) were also detected.

For the antagonistic assay, 191 isolates of soil actinomycetes isolated from seven locations in Chiang Mai Province were tested against *Cercospora* species, isolates CCR07 (S) and CCR10 (HR) using dual culture method on glucose yeast extract-malt extract agar (GYM) medium. Twenty-three actinomycetes isolates showed 75% of percent inhibition to the two *Cercospora* isolates. All the 23 isolates also produced chinolytic and cellulolytic activity. Among them, isolates OMA60-01, OMA60-07, SEA60-34, SEA120-04, SEA120-28 and SEA120-38, however, showed 100% of percent inhibition activity.

In the efficiency assay of liquid culture medium (enzyme production medium; EPM) (NF) and culture filtrate medium (F) of the actinomycetes isolates OMA60-01, OMA60-07, SEA60-34, SEA120-04, SEA120-28 and SEA120-38 against *Cercospora* species isolates CCR01 (S) and CCR10 (HR), the growth inhibition activity of these actinomycetes using liquid culture medium (NF) (53.33-69.23%) were consistently higher than using culture filtrate medium (F) (16.67-33.33%), except for the isolates SEA60-34 and SEA120-28 showed the percentages of growth inhibition of the pathogens range 53.33-58.97% and 43.33-58.97% respectively. The growth inhibition activity of the six actinomycetes isolates on the culture medium (NF) was also higher than the bioproduction of *Bacillus subtilis* inhibition activity (50.00-53.85%). The phytotoxicity assay of these actinomycetes on *Capsicum annuum* and *Lactuca sativa* showed that all isolates were non-phytotoxic to the tested plants. The identification of the actinomycetes isolates based on morphology and thin layer chromatography (TLC) methods confirmed that the isolates of OMA60-01, OMA60-07, SEA60-34, SEA120-04, SEA120-28 and SEA120-38 belonged to genus *Streptomyces*.