

พิมพ์ต้นฉบับที่ดัดแปลงวิทยานิพนธ์ภายในกรอบสีเขียวนี้เพียงแผ่นเดียว

สุพิศรา วรรณะ : แผนที่เรสทริกชันและการหาตำแหน่งของยีนที่คาดว่าเป็นไซโคลเตกซ์ทรินไกลโคซิลทรานส์ฟอร์เรสซึ่งโคลนจาก Bacillus sp. A11 (RESTRICTION MAP AND LOCALIZATION OF THE PRESUMED CYCLODEXTRIN GLYCOSYLTRANSFERASE GENE CLONED FROM Bacillus sp. A11) อ.ที่ปรึกษา : อ.ดร. วิเชียร รัมพัฒนกิจ, อ.ที่ปรึกษาร่วม : ผศ.ดร. ชีรดา มงคลกุล, 80 หน้า, ISBN 974 - 632 - 131 - 5

เนื่องใช้มีไซโคลเตกซ์ทรินไกลโคซิลทรานส์ฟอร์เรส (Cyclodextrin glycosyltransferase : CGTase ; E.C.2.4.1.19) เป็นเอนไซม์ที่เปลี่ยนแป้งให้เป็นไซโคลเตกซ์ทริน (Cyclodextrins ; CDs) ซึ่งเป็นสารที่น่าไปใช้ในอุตสาหกรรมต่างๆ มากมาย ได้มีผู้โคลนยีน CGTase จาก Bacillus sp. A11 ใส่ในดีเอ็นเอพาหะของ E. coli ศิอุปัณฑ์ pUC18 และ pSE411 ตั้งชื่อดีเอ็นเออูกะซึ่งมีแคดวิติชอง CGTase ที่อยู่ในดีเอ็นเอพาหะทั้ง 2 ว่า pCSBC5 และ pCSBC8 ตามลำดับ ในงานวิจัยนี้ได้ทำการทดลองศึกษาแผนที่เรสทริกชันของชิ้นดีเอ็นเอ insert ใน pCSBC5 พบว่ามีแผนที่เรสทริกชันเหมือนกับใน pCSBC8 ที่ได้มีผู้ศึกษาไว้แล้ว แต่มีข้อแตกต่างคือชิ้นดีเอ็นเอ insert มีที่ติดทางตรงกันน้ำหนัก และทางด้านปลาย 5' และ 3' ของ pCSBC5 จะมีค่าแห่งของการเรสทริกชันเนื่องจากเพิ่มมาอีกหลายค่าแห่งน้ำหนัก เช่น Kpn I Pst I Sma I Sal I และ Acc I ในสามารถตรวจพบและติดวิติชอง CGTase ในทรานส์ฟอร์เม้นท์ CSBC5 ได้ แต่ตรวจ dextrinizing activity ซึ่งเป็นแยกวิติชองที่ทางหนึ่งของ CGTase เมื่อทำการหาช่วงดีเอ็นเอ insert ใน pCSBC5 ที่มี dextrinizing activity โดยการตัดช่วงดีเอ็นเอ insert ใน pCSBC5 ออกมา 5 บริเวณตัวกัน แล้วทำการโคลนใส่ดีเอ็นเอพาหะของ E. coli ศิอุปัณฑ์ pUC118 ได้ดีเอ็นเออูกะซึ่งมีตัวคือ pCSBC9 10 11 12 และ 13 จากนั้นนำทรานส์ฟอร์เม้นท์ของดีเอ็นเออูกะซึ่งมีไปทดสอบ dextrinizing activity เพื่อยืนยันทรานส์ฟอร์เม้นท์ CSBC5 พบว่าทรานส์ฟอร์เม้นท์ CSBC12 มี dextrinizing activity ใกล้เคียงกับทรานส์ฟอร์เม้นท์ CSBC5 และดีเอ็นเอ insert ที่อยู่ใน pCSBC12 ศิอุปัณฑ์ของดีเอ็นเอ insert ของ pCSBC5 ที่ค่าแห่ง EcoR I ถึง Nde I ซึ่งมีขนาด 1.7 กิโลเบส และไม่อยู่ภายใต้การควบคุมของ lac promoter