

GENETIC POLYMORPHISM OF NAD(P)H-QUINONE OXIDOREDUCTASE-1 IN THAIS AND ITS ASSOCIATION WITH CHOLANGIOCARCINOMA

MISS PORNSIN ZEEKPUDSA

A THESIS FOR THE DEGREE OF MASTER OF SCIENCE
KHON KAEN UNIVERSITY
2009

V09251205





GENETIC POLYMORPHISM OF NAD(P)H-QUINONE OXIDOREDUCTASE-1 IN THAIS AND ITS ASSOCIATION WITH CHOLANGIOCARCINOMA



MISS PORNSIN ZEEKPUDSA

A THESIS FOR THE DEGREE OF MASTER OF SCIENCE KHON KAEN UNIVERSITY

GENETIC POLYMORPHISM OF NAD(P)H-QUINONE OXIDOREDUCTASE-1 IN THAIS AND ITS ASSOCIATION WITH CHOLANGIOCARCINOMA

MISS PORNSIN ZEEKPUDSA

A THESIS SUBMITTED IN PARTIAL FULFILLMENT OF THE
REQUIREMENTS
FOR THE DEGREE OF MASTER OF SCIENCE
IN PHARMACOLOGY
GRADUATE SCHOOL KHON KAEN UNIVERSITY
2009



THESIS APPROVAL KHON KAEN UNIVERSITY FOR

MASTER OF SCIENCES IN PHARMACOLOGY

Thesis Title: Genetic polymorphism of NAD(P)H-quinone oxidoreductase-1 in	Thais
---	-------

and its association with cholangiocarcinoma

Author: Miss **Thesis committee:**

Miss Pornsin Zeekpudsa

Assoc. Prof. Dr. Pornpen Pramyothin

Chairperson

Dr. Auemduan Prawan

Member

Assoc. Prof. Dr. Veerapol Kukongviriyapan

Member

Assoc. Prof. Chawalit Pairojkul

Member

Thesis Advisors:

Audien Pawan Advisor
(Dr. Auemduan Prawan)

/ (Dr. Aucmiduan Frawan)

Verapol kaleongs.

Conduisor

(Assoc. Prof. Dr. Veerapol Kukongy/riyapan)

(Assoc.Prof.Dr. Lampang Manmart)

(Prof. Wiroon Laupattarakasem)

Dean, Graduate School

Dean, Faculty of medicine

Copyright of Khon Kaen University

พรศิลป์ ซีกพุคซา. 2552. **ลักษณะทางพันธุกรรมของเอนไซม์ NAD(P)H-quinone oxidoreductase**-

1 ในประชากรไทยและความสัมพันธ์กับโรคมะเร็งท่อน้ำดี. วิทยานิพนธ์ปริญญาวิทยา ศาสตรมหาบัณฑิต สาขาวิชาเภสัชวิทยา บัณฑิตวิทยาลัย มหาวิทยาลัยขอนแก่น.

อาจารย์ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์: คร. เอื้อมเคือน ประวาพ,

รศ.คร.วีรพล คู่คงวิริยะพันธุ์

บทคัดย่อ

E47260

NAD(P)H-quinone oxidoreductase-1 (NQO1) เป็นเอนไซม์ซึ่งทำหน้าที่กำจัดสารพิษและด้าน ออกซิเคชัน จึงมีบทบาทสำคัญในการปกป้องเซลล์จากภาวะเครียดออกซิเคชันที่เหนี่ยวนำโดยสารจำพวก quinones และ quinonoids ทั้งนี้โดยป้องกันการเกิดสารอนุมูลอิสระออกซิเจนและเร่งปฏิกิริยารีคักชันของสาร ต่างๆ อย่างไรก็ตาม เอนไซม์ NOQ1 ก็มีบทบาทในการเพิ่มฤทธิ์ของสารด้านมะเร็งกลุ่ม quinones ผ่านปฏิกิริยา รีคักชันแบบจ่ายสองอิเล็กตรอนได้เช่นกัน การศึกษาความหลากหลายทางพันธุกรรมของจีน NQO1 ในมนุษย์ พบว่าการเปลี่ยนแปลงของนิวคลีโอไทค์จากไซโทซีน (C) ไปเป็นไทมีน (T) ที่ตำแหน่ง 609 (ตำแหน่งกรดอะมิโน ลำคับที่ 187) ของ NQO1 cDNA มีผลทำให้ความสามารถในการทำงานของเอนไซม์ NQO1 ลดลง จึงส่งผลให้ ความสามารถในการปกป้องเซลล์ของเอนไซม์ NQO1 ลดลงด้วย แม้ว่าจะมีรายงานการศึกษาหลายฉบับที่กล่าวถึง ความผิดแผกทางพันธุกรรมของจีน NQO1 กับความเสี่ยงในการเกิดมะเร็ง แต่ยังไม่มีรายงานถึงบทบาทของ กวามผิดแผกทางพันธุกรรมของจีนนี้ในมะเร็งท่อน้ำดี (มะเร็งชนิดนี้พบมากที่สุดในภาคตะวันออกเฉียงเหนือของ ประเทศไทย) การศึกษาครั้งนี้จึงมุ่งศึกษาลักษณะของความผิดแผกทางพันธุกรรมของจีน NQO1 ในประชากรไทย ภาคตะวันออกเฉียงเหนือ และหาความสัมพันธ์ระหว่างลักษณะทางพันธุกรรมของจีน NQO1 ในประชากรไทย ภาคตะวันออกเฉียงเหนือ และหาความสัมพันธ์ระหว่างลักษณะทางพันธุกรรมของจีนดังกล่าวกับมะเร็งท่อน้ำดี

การศึกษาครั้งนี้ทำการศึกษาในอาสาสมัครสุขภาพดี 189 ราย และผู้ป่วยมะเร็งท่อน้ำดี 210 ราย โดยทำการวิเคราะห์จีโนไทป์ของจีน NQOI ด้วยเทคนิค polymerase chain reaction-restriction fragment length polymorphism (PCR-RFLP) ผลการศึกษาในอาสาสมัครสุขภาพคีชาวไทยอีสาน พบว่าความถี่อัลลีลแบบ NQOI*I wild-type มีค่าเท่ากับ 59% และอัลลีลแบบ NQOI*2 (เป็นอัลลีลซึ่งเอนไซม์ NQOI ที่ได้มีความสามารถ ในการทำงานลดลง) มีความถี่เท่ากับ 41% โดยทั้งนี้พบความถี่ของจีโนไทป์แบบ NQOI*I/*I เท่ากับ 32%, แบบ NQOI*I/*2 เท่ากับ 53% และแบบ NQOI*2/*2 เท่ากับ 15% จากการเปรียบเทียบการกระจายความถี่จีโนไทป์ของ จีน NQOI ของประชากรไทย พบว่ามีลักษณะคล้ายคลึงกับประชากรเอเชียตะวันออก และพบความแตกต่าง ระหว่างแบบแผนความถี่อัลลีลของจีน NQOI ในคนไทยกับประชากรกลุ่มคอเคเชียนและกลุ่มแอฟริกัน-อเมริกัน อย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ (p<0.0001)

การศึกษาเปรียบเทียบระหว่างคนปกติและผู้ป่วยมะเร็งท่อน้ำคื พบว่าในกลุ่มผู้ป่วยมะเร็งท่อน้ำคืมี ความถี่อัลลีลแบบ NQOI*I สูงกว่าในกลุ่มคนปกติ ส่วนการหาความสัมพันธ์ระหว่างความหลากหลายของจีน NQOI กับการเกิดมะเร็งท่อน้ำคื โดยอาศัยการวิเคราะห์ตัวแปรพหุ (multivariate analysis) พบว่าในบุคคลที่มีจีโน ไทป์แบบ NQOI*I/*I จะมีความเสี่ยงต่อการเกิดมะเร็งท่อน้ำคืเมื่อควบคุมผลกระทบของปัจจัย คือ อายุ, เพศ และ

E47260

การสูบบุหรี่ (odds ratio เท่ากับ 1.57; 95% CI: 1.03-2.40; p = 0.03) อย่างไรก็ตาม ผลการศึกษาครั้งนี้ไม่พบ ความสัมพันธ์ระหว่างจีโนไทป์ของ NQOI กับค่าอัตราปลอดเหตุการณ์ในกลุ่มผู้ป่วยมะเร็งท่อน้ำดี ดังนั้น การศึกษาครั้งนี้จึงบ่งชี้ว่าในแต่ละเชื้อชาติมีความถี่ของอัลลีลแบบ NQOI*2 ที่แตกต่างกันอย่างชัดเจน รวมถึงเป็น รายงานครั้งแรกที่แสดงความสัมพันธ์ระหว่างจี-โนไทป์แบบ wild-type กับการเกิดมะเร็งท่อน้ำดี

Pornsin Zeekpudsa. 2009. Genetic Polymorphism of NAD(P)H-quinone
oxidoreductase-1 in Thais and Its Association with Cholangiocarcinoma.

Master of Science Thesis in Pharmacology, Graduate School, Khon Kaen University.

Thesis Advisors:

Dr. Auemduan Prawan.

Assoc. Prof. Dr. Veerapol Kukongviriyapan

ABSTRACT

E 47260

NAD(P)H-quinone oxidoreductase-1 (NQO1) is a detoxifying/antioxidant enzyme that plays an important role in cellular protection against quinones, quinonoids and certain environmental carcinogens induced oxidative stress, by preventing the subsequent generation of toxic reactive oxygen species and reduction. Antitumor quinones, however, can be bioactivated by this two electron reduction, and in these cases NQO1 serves as an activating enzyme. A genetic polymorphism C to T transversion at nucleotide position 609 (amino acid codon 187) of the human NQO1 cDNA was clearly shown to reduce NQO1 enzyme activity, which may diminish the protection provided by NQO1. Although, a number of epidemiological studies have suggested the possible link between NQO1 polymorphism and cancer susceptibility, the role of NQO1 polymorphism in relation to carcinogensis of cholangiocarcinoma (CCA), the most common liver cancer in the Northeast of Thailand, is currently unknown. The aims of this study were to investigate the genetic polymorphism of NQO1 enzyme in Northeastern Thai population, and to evaluate the relationship of NQO1 polymorphism and CCA.

A total of 189 control subjects and 210 CCA patients were enrolled in this study and the *NQO1* genotyping were determined by the polymerase chain reaction-restriction fragment length polymorphism (PCR-RFLP) method. Among the Northeastern Thai healthy controls, the *NQO1*1* wild type allele was present at a frequency of 59%, and the *NQO1*2* null enzyme activity allele was 41%. Of these subjects, 32% were *NQO1*1/*1*, 53% were *NQO1*1/*2*, and 15% were *NQO1*2/*2*. In addition, the distribution of *NQO1* genotypes in Thais was of similar patterns to

E 47260

other East Asian (Oriental) populations, but significantly differed from those observed in Caucasian and African-American (p<0.0001).

A comparative study between control subjects and CCA patients showed that, overall, CCA patients were more likely to carry two copies of NQO1*1 allele compared with controls. Multivariate analyses indicated a significant association of the NQO1*1/*1 genotype with CCA after controlling for the effects of age, sex, and smoking status (odds ratio, 1.57; 95% CI: 1.03-2.40; p = 0.03). However, there was no relation between NQO1 genotypes and survival time in these CCA patients. These results indicate a significant ethnic variation in the occurrence of NQO1*2 and present as the first observation reporting an association of the wild type genotype with CCA.

The present thesis is dedicated for my parents and my teachers

ACKNOWLEDGMENTS

I would like to express my deepest and sincere gratitude to my supervisor, Dr. Auemduan Prawan for providing me a good opportunity to study in this field, her kind supervisor, laboratory facilities support, encouragement, invaluable guidance and criticism throughout the course of study. I deeply appreciate the time she spared me during the preparation of this thesis.

Deep admiration and appreciation are extended to Associate Professor Dr. Veerapol Kukongviriyapan for his kindness; to serve as the advisory committee as well as valuable advises guidance and constructive comments.

I would like to thank Prof. Pornpen Pramyothin and Associate Professor Chawalit Pairojkul for their valuable comments and for their kindness to serve as members of the examination committee.

I wish to express my sincere appreciation to Associate Professor Vajarabhongsa Bhudhisawasdi (M.D.) for screening CCA patients and Assistant Professor Banchob Sripa for the liver tissues of CCA patients and histological examination reports. I would also like to express my gratitude for fruitful collaboration to Liver Fluke and Cholangiocarcinoma Research Center, Khon Kaen University.

I will always be grateful to all my teachers for their instructions and encouragement during the course of my studies and to all members of the department of Pharmacology and Pathology, Faculty of Medicine, Khon Kaen University, for their co operations, practical help, providing the valuable knowledge, wonderful environment and friendship during the time of this study. My special thanks are also extended to all my friends and to whom my study may concern without being mentioned in this thesis.

Finally, I would to express my deepest appreciation and sincere gratitude to my parents for their love, understanding and encouragement throughout my study.

Pornsin Zeekpudsa

TABLE OF CONTENTS

	Page
ABSTRACT (IN THAI)	i
ABSTRACT (IN ENGLISH)	iii
DEDICATION	\mathbf{v}
ACKNOWLEDGEMENTS	vi
TABLE OF CONTENTS	vii
LIST OF TABLES	x
LIST OF FIGURES	xi
LIST OF ABBREVIATIONS	xiii
CHAPTER I INTRODUCTION	1
1. Rational and Background	1
2. Hypothesis of the Study	3
3. Aims of the Study	4
4. Specific Objectives	4
5. Scope of Thesis	4
6. Conceptual Framework	5
CHAPTER II LITERATURE REVIEWS	7
1. Quinones, Redox cycling and Oxidative stress	7
2. NAD(P)H-quinone oxidoreductase-1 (NQO1)	8
2.1 NQO1 substrate specificity	8
2.2 Function of NQO1 enzyme	9
2.3 Bioactivation by NQO1 in chemotherapy:	12
Enzyme-directed antitumor agents	
2.4 NQO1 regulation	14
2.5 NQO1 expression	18
2.6 NQO1 polymorphism	18
3. Cholangiocarcinoma (CCA)	26
3.1 Definition and Classification	26
3.2 Epidemiology	27

TABLE OF CONTENTS (Cont.)

	Page
3.3 Etiology	27
3.4 Pathology	28
3.5 Mechanism of Cholangiocarcinogenesis	28
3.6 Treatment of Cholangiocarcinoma	29
CHAPTER III RESEARCH METHODOLOGY	
1. Chemicals	31
2. Research design	31
3. Subject population	32
3.1 Sample size and study power	33
4. DNA preparation	33
4.1 Genomic DNA extraction method using	33
guanidine thiocyanate	
4.2 Measurement of DNA concentration	34
5. NQO1 genotyping by using polymerase chain reaction	34
(PCR)-restriction fragment length polymorphism (RFLP)	
6. Statistical analysis	35
7. Location of research condition	35
CHAPTER IV RESULTS	36
1. Characteristics of the healthy Thais	36
2. Distribution of NQO1 genotype and allelic frequencies	36
in Thai population	
3. Demographic characteristics of the CCA patients	41
4. Distribution of NQO1 genotype and allelic frequencies	41
in CCA patients	
5. Risk for NQO1 polymorphism in CCA patients	45
6. Association of survival time and NQO1 genotypes	49
6.1 Analysis of independent factors on survival time	50

TABLE OF CONTENTS (Cont.)

	Page
CHAPTER V DISCUSSION	58
REFERENCES	62
APPENDICES	73
APPENDIX A REAGENTS	74
APPENDIX B LIST OF COMMUNICATIONS	76
LETTER OF COMMENDATION FOR POSTER PRESENTATION AWARD	81
CURRICULUM VITAE	83

LIST OF TABLES

		Page
Table 1	Percentage of individuals in different populations	20
	with the NQO1*2/*2 genotype	
Table 2	NQO1 polymorphism and cancer susceptibility	23
Table 3	NQO1 polymorphism and low risk of cancer	24
Table 4	The sequence of PCR primers for human NQO1 gene	34
Table 5	Demographic characteristics of healthy controls	37
Table 6	Genotype and allele frequencies of NQO1	39
	polymorphism in Thai population	
Table 7	Comparison of NQO1 609T allele frequency in different	40
	ethnic group	
Table 8	Demographic characteristics of CCA patients	42
Table 9	Genotype and allele frequencies of NQO1 polymorphism	43
	in CCA	
Table 10	Association of NQO1 genotype and allele with risk of CCA risk	44
Table 11	CCA cancer risk estimates for NQO1 polymorphism	46
Table 12	Case-control studies reporting the association between	48
	NQO1 polymorphism and cancer risk	
Table 13	Summary of CCA survival data by NQO1 genotype	49
Table 14	Results of Cox regression analysis for the CCA patients	56

LIST OF FIGURES

		Page
Figure 1	The conceptual framework of inflammatory on NQO1 activity,	6
	expression and impact of NQO1 polymorphism in CCA	
Figure 2	Structures of some substrates and inhibitors of NQO1	9
Figure 3	Activation and deactivation resulting from NQO1-mediated	10
	reduction of quinines	
Figure 4	The role of NQO1 in regeneration of antioxidant forms	11
	of ubiquinone and vitamin E	
Figure 5	Schematic representation of ubiquitin-dependent and independent	12
	mechanisms for proteasomal protein degradation	
Figure 6	Quinones and other compounds considered as NQO1-directed	13
	antitumor agents	
Figure 7	NQO1 gene structure and promoter elements. Structure of	15
	human NQO1 gene; E1-E6 Exons; ARE, antioxidant response	
	element, AP-2, AP-2 binding site	
Figure 8	Transcription factors recruited to the NQO1-ARE under	17
	homeostatic conditions or during oxidative stress	
Figure 9	Human NQO1 gene polymorphism	19
Figure 10	The term CCA refers to tumors involving the entire	26
	(ie, intrahepatic and extrahepatic) biliary tree	
Figure 11	Mechanisms of cholangiocarcinoma	30
Figure 12	Experimental design of CCA and control subjects	32
Figure 13	Agarose gel electrophoresis patterns of the NQO1 polymorphism	38
	identified by PCR-RFLP analysis using restriction enzyme Hinfl	
Figure 14	Survival after surgery, stratified by three NQO1 genotypes	51
	(as NQO1*1/*1, NQO1*1/*2, and NQO1*2/*2), p-value= 0.24	
Figure 15	Survival after surgery, stratified by two groups	52
	of NQO1 genotype (NQO1*1/*1 versus NQO1*1/*2+*2/*2),	
	<i>p</i> -value= 0.09	

LIST OF FIGURES (Cont.)

		Page
Figure 16	Survival after surgery, stratified by smoking status	53
	(as never smoked, ex-smoke, and current smoke), p-value= 0.79	
Figure 17	Survival after surgery, stratified by smoking status	54
	(as < 14 pack-years (by median value in control group)	
	and \geq 14 pack-years), p-value= 0.91	
Figure 18	Survival after surgery, stratified by histopathology	55
	(papillary versus non-papillary), p-value < 0.001	

LIST OF ABBREVIATIONS

ARE

antioxidant response element

bp

base pair

CCA

cholangiocarcinoma

CI

confidence interval

CMLB

cell membrane lysis buffer

gDNA

genomic deoxyribonucleic acid

EDTA

ethylene diamine tetraacetic acid

EpRE

electrophilic response element

GSTs

glutathione S-transferases

HR

hazard ratio

mg

Miligram(s)

mL

Milliliter(s)

MMC

mitomycin C

MW

molecular weight

NaC1

11001

sodium chloride

NQO1

NAD(P)H-quinone oxidoreductase-1

Nrf2

NF-E2-related factor2

OR

odds ratio

p53

tumor suppressor gene

PCR

polymerase chain reaction

RFLP

restriction fragment length polymorphism

ROS

reactive oxygen species

SNPs

single nucleotide polymorphism

uL

Microlitter(s)

XRE

xenobiotic response element