

## บทคัดย่อ

248913

พืชสมุนไพรเป็นแหล่งของยาสำคัญจำนวนมาก รวมถึงเป็นรากฐานของการใช้ผลิตภัณฑ์พืชในการแพทย์ที่สำคัญของโลกเพื่อรักษาสุขภาพของประชากร ในประเทศที่กำลังพัฒนา ความต้องการที่เพิ่มขึ้นเนื่องจากความหายากของอุตสาหกรรมและบริษัทต่างๆเป็นจุดเริ่มต้นของการประกันคุณภาพ อันส่งผลต่อความหลากหลายของพันธุกรรมและการปกป้องชนิดพืชที่ใกล้สูญพันธุ์ ในการศึกษาครั้งนี้ได้เก็บรวบรวมพืชสมุนไพรที่พบในพื้นที่อุทยานแห่งชาติเขาน้อย จังหวัดขอนแก่น และพื้นที่เขื่อนจุฬาภรณ์ จังหวัดชัยภูมิ ซึ่งเป็นพื้นที่ในโครงการอนุรักษ์พันธุกรรมพืชในพระราชมารดาสมเด็จพระเทพรัตนราชสุดาฯ สยามบรมราชกุมารี และตรวจสอบลายพิมพ์ดีเอ็นเอด้วยเทคนิค Arbitrary Primed Polymerase chain reaction (AP-PCR) และ Sequence-Related Amplified Polymorphisms (SRAP-PCR) พบว่าสามเรกจัดทำลายพิมพ์ดีเอ็นเอด้วยเทคนิค AP-PCR และ SRAP-PCR โดยแยกพืชแต่ละสายพันธุ์หรือจำแนกชนิดของพืชสมุนไพรที่ใกล้สูญพันธุ์ได้ ผลที่ได้จะนำไปใช้หรือพัฒนาต่อไปเป็นเครื่องมือระบุพืชอันจะก่อประโยชน์ต่อทั้งงานวิจัยและการอนุรักษ์ต่อไป

**Abstract****248913**

Medicinal plants are the source of a large number of essential drugs in medicine and are the basis of herbal medicine, which is the primary source of health care for most of the world's population living in developing countries. The increased demand for botanical products is met by an expanding industry and accompanied by calls for assurance of quality, efficacy and safety. Identification is a critical step at the beginning of an extensive process of quality assurance and is of importance for the characterization of the genetic diversity as well as the protection of endangered species. Medicinal plants found in Plant Genetic Conservation Project Under The Royal Initiative of Her Royal Highness Princess Maha Chakri Sirindhorn; Khon Kaen University, Kokphutaka, Khonkaen province and Chulabhorn Dam, Chaiyaphum province. DNA-based methods have been developed for the identification of these medicinal plants by the polymerase chain reaction and the reaction products were then analyzed by gel electrophoresis. Genomic fingerprinting using Arbitrary Primed Polymerase chain reaction (AP-PCR) and Sequence-Related Amplified Polymorphisms (SRAP-PCR) techniques can differentiate between individuals and species of selected medicinal plants. The generation of molecular "barcodes" of medicinal plants will be worth the concerted effort of both medicinal plant research community and conservation.