

สรุปผลการวิจัย

1. การวิเคราะห์ลำดับทางพันธุกรรมด้วยลำดับนิวคลีโอไทด์บางส่วน ของยีน 16SrRNA และ 18SrRNA ของปูกลุ่มปูใบ้ (Family Xanthidae Alcock, 1898 sensu Sakai (1979)) แสดงให้เห็นว่ายีน 16SrRNA สามารถยืนยันชนิดปูได้ดีกว่ายีน 18SrRNA และสามารถจัดหมวดหมู่ของสปีชีส์ที่พบในบริเวณหมู่เกาะแสมสาร ในระดับแฟมิลี และ ซูเปอร์แฟมิลีได้ ตรงกับการจัดหมวดหมู่ตามลักษณะสัณฐานที่จัดใหม่โดย Ng et al. (2008)
2. อย่างไรก็ตาม ยีนดังกล่าวยังไม่สามารถแสดงความสัมพันธ์ระหว่างแฟมิลี Oziidae, Menippidae และ Eriphiidae ซึ่งอยู่ในซูเปอร์แฟมิลีเดียวกันได้ แม้ว่าจะสามารถแยก family ทั้งสามออกจากกันได้อย่างชัดเจน ดังนั้นจึงน่าจะเป็นประเด็นที่น่าสนใจว่า การจัดแฟมิลีทั้งสามให้อยู่ซูเปอร์แฟมิลีเดียวกัน โดยสัณฐาน อาจยังไม่สะท้อนความสัมพันธ์ทางวิวัฒนาการ ทั้งนี้อาจต้องมีการยืนยันด้วยยีนอื่น เช่นยีน COI อีกครั้งหนึ่ง