

ข้อเสนอแนะ

ประโยชน์ของการวิจัยครั้งนี้ ทำให้ทราบความไวของนกกระทาต่อการติดเชื้อไข้หวัดนกชนิดไม่รุนแรง H3N2 และเชื้อไข้หวัดใหญ่สุกร H1N1 โดยพบว่าเชื้อไข้หวัดนกชนิดไม่รุนแรง H3N2 และเชื้อไข้หวัดใหญ่สุกร H1N1 สามารถเพิ่มจำนวนและก่อโรคในนกกระทาได้ ทำให้มีโอกาสที่จะเกิดการติดเชื้อพร้อมกันในนกกระทาและอาจเกิดการแลกเปลี่ยนสารพันธุกรรมกันได้ นอกจากนี้สามารถนำผลการวิจัยมาเป็น *in vivo* quail influenza A virus infection model เพื่อใช้ในการศึกษาวิจัยไข้หวัดใหญ่ชนิดเอต่าง ๆ สามารถนำข้อมูลโดยรวมที่ได้มาประกอบการวางแผนควบคุมป้องกันการระบาดของเชื้อไข้หวัดใหญ่ชนิดเอทั้งในประชากรสัตว์และประชากรมนุษย์ต่อไป